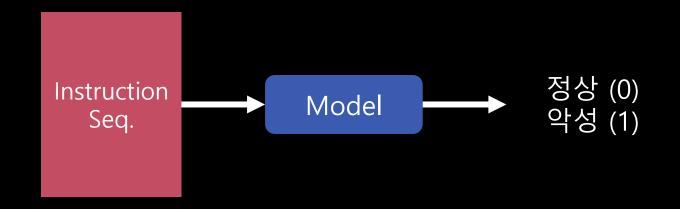


Al-based Malware Detection Final

박준영 정상윤

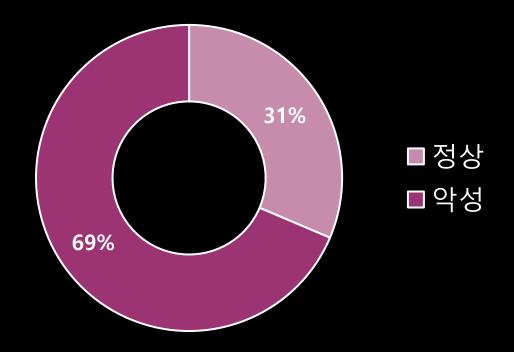
Introduction

- Malware detection
 - 프로그램을 동적 분석하여 얻은 instruction sequence를 바탕으로 악성코드 탐지



Introduction

- KISA-CISC 2017 Malware 2nd dataset 사용
 - 총 6,558개의 프로그램
 - 정상파일: 2,059 개
 - 악성파일: 4,500 개



- Instruction sequence
 - 실행된 명령어의 종류만 기술되어 있음.
 - 명령어 operand, memory addr. 등 존재하지 않음
 - 총 명령어 종류: 1,290개

Introduction

- 두 가지 방식을 사용하여 악성 코드를 탐지한다.
 - 통계적 방법 (statistical method)
 - : 프로그램의 구조적 특징을 통계적으로 분석
 - 딥러닝 이용 (deep learning method)
 - : 프로그램의 명령어 실행 순서 및 구성을 이용해 분석

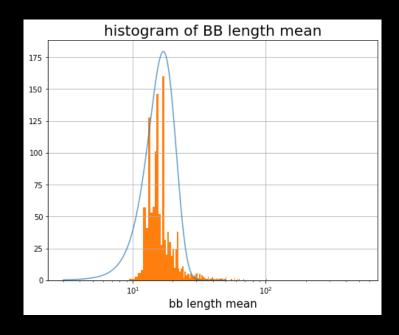
Methods: data cleaning & preprocess

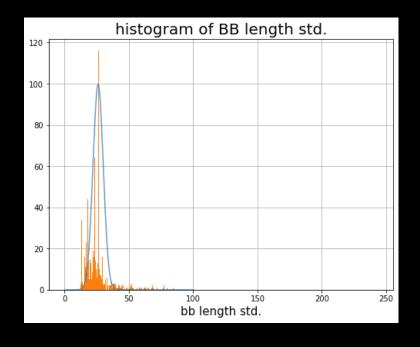
- instruction sequence의 길이가 100이하일 경우, 실행이 제대로 안된 경우일 가능성 높음.
- → instruction seq. 길이가 100보다 큰 프로그램만 분석함.

- Instruction sequence를 다음 instruction을 delimiter로 basic block으로 나눔.
 - Jump instruction
 - Call instruction
 - Return instruction

Methods: statistical method

• Idea: Basic block의 길이 분포가 정규분포를 이루고 + malware는 out of distribution에 속할 것이라고 가정





Methods: statistical method

• 평균과 표준편차를 바탕으로 해당 프로그램이 normal 파일일 확률을 계산

$$zscore(x; \mu, \sigma) = \frac{x - \mu}{\sigma}$$

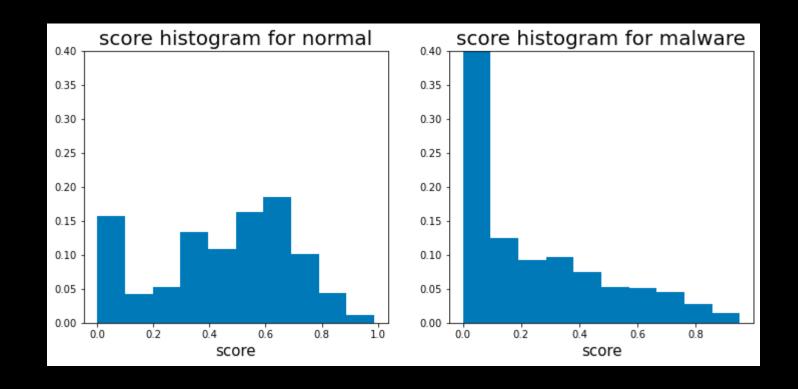
$$score(x; \mu, \sigma) = 2 \times (1 - \Phi(|zscore|))$$

최종 score는

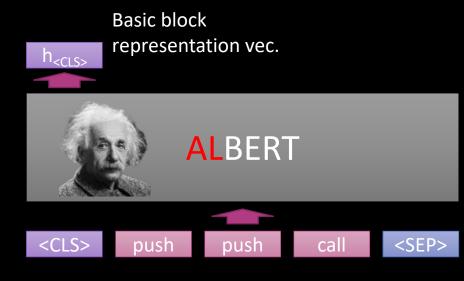
$$total(\mu_p, \sigma_p) = score(\mu_p; \mu_\mu, \sigma_\mu)^{w_1} \times score(\sigma_p; \mu_\sigma, \sigma_\sigma)^{w_2}$$

Methods: statistical method

- 상관계수를 가장 크게 하는 w_1 과 w_2 를 구함.
 - $w_1^* \approx 0.332$, $w_2^* \approx 0.444$



- Basic Block Encoder
 - ALBERT 구조(2019)를 사용하여 각 basic block의 임베딩 구함.
 - Model parameter: 약 8M
 - B개의 basic block을 가지는 프로그램의 표현 = $\mathbb{R}^{B \times 768}$
 - Masked Language Model task를 이용해 학습



- Basic Block Encoder
 - 개별 basic block만 보고서는 malware와 normal 파일을 구분하기 어렵다.
 - 한 프로그램을 이루는 여러 basic block을 엮어서 분석 해야 한다.

▶ Basic block 임베딩을 이용해 program 임베딩을 만들자 ◀

- Program Encoder
 - 모든 basic block이 동등한 중요도를 가지고 있지 않다고 가정
 - → basic block을 weighted sum 하여 program 임베딩 계산

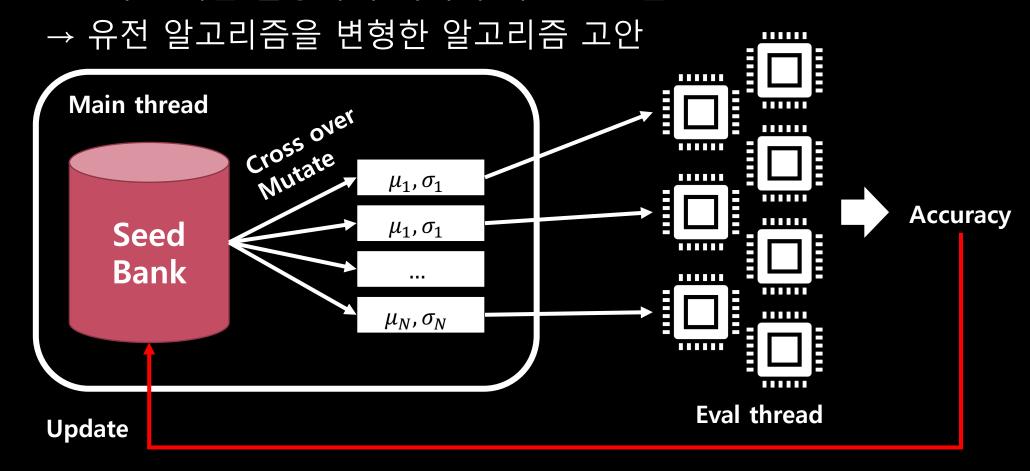
$$Emb_{program} = \sum_{i} w_{i} Emb_{bb_{i}}$$

- Program Encoder
 - 좋은 weight를 사용하면 같은 분류기에서 정확도가 높을 것이다.
 - → Optimization method를 이용해 최적의 weight를 구하자.
 - 하지만... basic block 관련 데이터셋은 약 150GB...
 - 분류기까지 학습하여 weight의 평가 지표를 구하는데 10분 걸림
 - CPU: Intel i9-10940X
 - RAM: DDR4 32GB×4
 - SSD: Seagate BarraCuda Q5 ZP2000CV30001

- Program Encoder
 - 멀티 코어를 활용하여 최적화 하는 방안을 고안함.
 - 목표: 정확도를 최대화 하는 정규 분포를 찾는다.



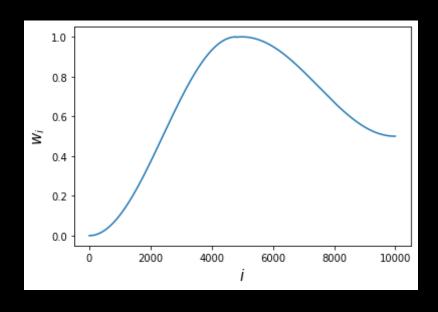
- Program Encoder
 - 멀티 코어를 활용하여 최적화 하는 방안을 고안함.



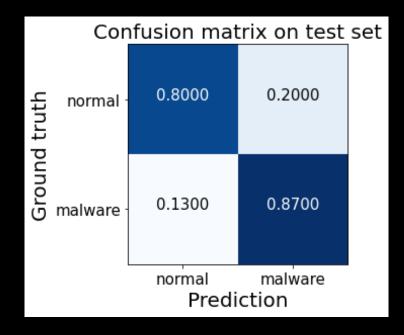
- Program Encoder
 - Cross over
 - 두 임의의 유전자 (μ_1, σ_1) , (μ_2, σ_2) 에 대하여
 - 새로운 유전자 $(w_1 \cdot \mu_1 + (1 w_1) \cdot \mu_2, w_2 \cdot \sigma_1 + (1 w_2) \cdot \sigma_2)$
 - 단, w_1, w_2 는 random weight
 - Mutate
 - 임의의 유전자 (μ,σ) 에 대하여
 - 새로운 유전자 $(\mu + w_1, \sigma + w_2)$
 - 단, w_1, w_2 는 random weight

- Program Encoder
 - 하지만 정규분포는 수치적으로 문제가 있음.
 - 프로그램이 basic block이 많지 않을 경우 weight가 모두 0이 될 수 있음.
 - 일부 basic block에 지나치게 큰 weight가 부여되는 문제가 종종 발생.
 - → 정규 분포 비슷하게 생긴 부드러운 함수를 만듦

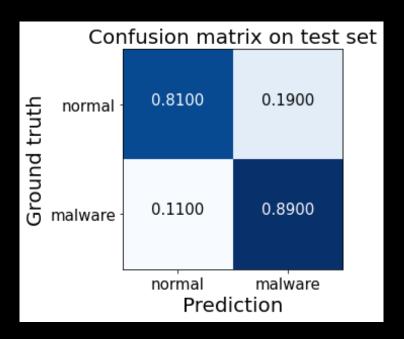
$$w_{i} = \begin{cases} \frac{1 - \cos\left(\frac{\pi i}{0.48 \cdot N}\right)}{2}, & i < 0.48 \cdot N\\ \frac{3 - \cos\left(\frac{0.52 \cdot \pi i}{0.48 \cdot 0.5}\right)}{4}, & i \ge 0.48 \cdot N \end{cases}$$



- Program Encoder + SVM classifier
 - Test accuracy: 83.5% (기존: 79%)

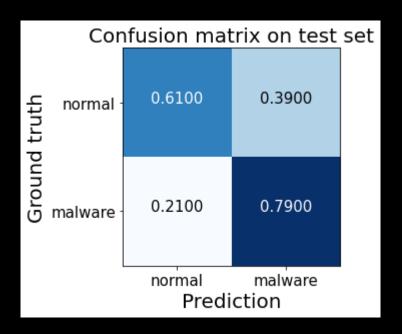


- Program Encoder + XGBoost
 - Test accuracy: 85%
 - Test F1-score: 0.856



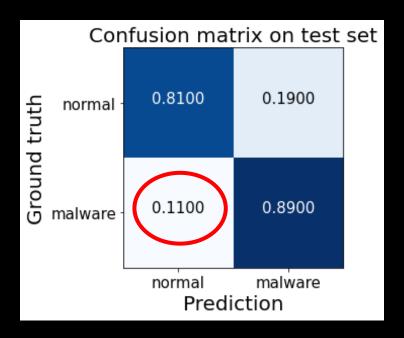
Methods: ensemble

- 통계적 기법과 딥러닝 기법을 앙상블
 - 바로 앙상블 하면 유의미한 성능 하락을 보임.
 - Test accuracy: 70%



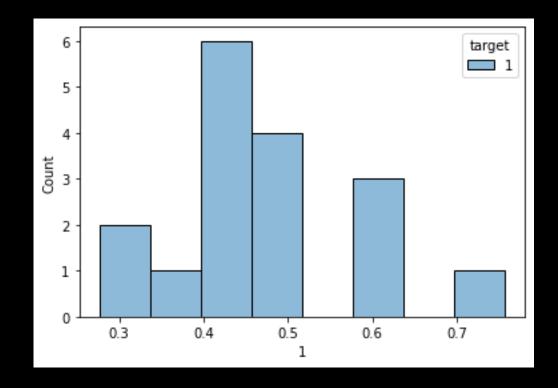
Methods: ensemble

- 앙상블의 목적을 분명히 해보자.
 - 딥러닝 기반 모델은 malware를 normal로 표기하는 비율이 높다.



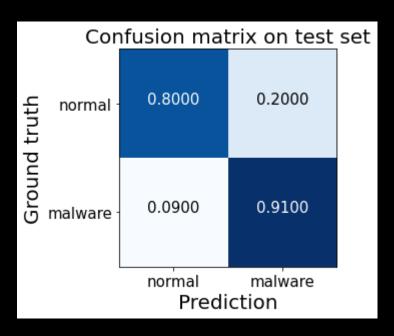
Methods: ensemble

- 앙상블의 목적을 분명히 해보자.
 - Normal로 오분류 된 일부 케이스를 보면 confidence가 낮다.
 - → Confidence가 낮은 케이스만 따로 통계적 기법을 적용!



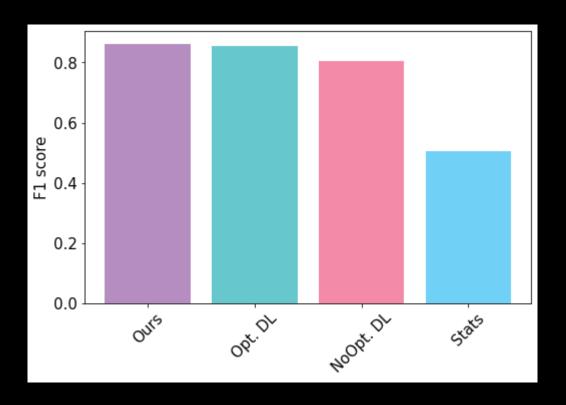
Results

- 최종 성능
 - Test accuracy: 85.5%
 - Test F1-score: 0.863



Results

Ablation Study



Discussion

- 모든 프로그램이 동일한 부분이 중요할 리가 없다.
 - 일부 프로그램은 초반에 악성 행위를 할 수도 있고,
 - 일부 프로그램은 후반에 악성 행위를 할 수도 있다.
 - → 분명한 한계

• 나중에 기회가 되면 GNN을 적용해보고 싶다..!

Thank You