



Redes de interação proteína-proteína (PPI -Protein-Protein Interaction)

Prof. Dr. Leandro Martins de Freitas IMS/UFBA







https://string-db.org/

Busca por interação proteína-proteína (PPI)

Vamos usar a busca de PPI do STRINGDB usando símbolo de proteínas (ou genes). Essa busca será realizada usando o recurso múltiplas proteínas (*Multiple proteins*). Será necessário inserir somente o símbolo das proteínas para investigar a possibilidade de interação entre elas.

O nome do organismo é opcional, mas os exemplos desse tutorial usam proteínas de humanos, *Homo sapiens*. Iremos inserir o nome do organismo *Homo sapiens* para fazer a investigação.

Após a construção da rede PPI iremos observar as ligações entre os nós com diferentes cores. As cores representam evidências de interação entre as proteínas que viram de diferentes fontes.

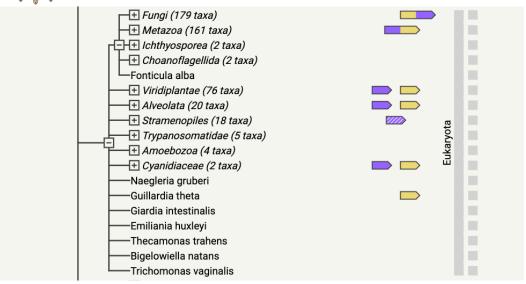
Linha vermelha - indica a presença de evidências de fusão de proteínas Linha verde - evidência de vizinhança no genoma Linha azul - evidência de coocorrência Linha roxa - evidência experimental Linha amarela - evidência textmining (mineração de texto) Linha azul clara - evidência de banco de dados Linha preta - evidência de coexpressão.

A espessura da linha indica a confiança da evidência. A linha é mostrada quando tem uma confiança de 0.4 (média) ou maior. É possível exibir somente as linhas com alta (0.7) ou fortemente associado (0.9) nas configurações (*Settings*).

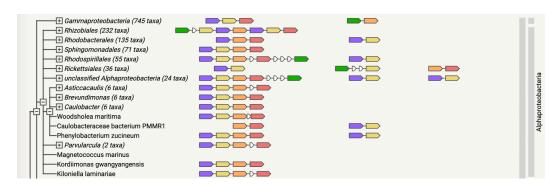
Evidências Indica a presença de evidências de fusão de proteínas



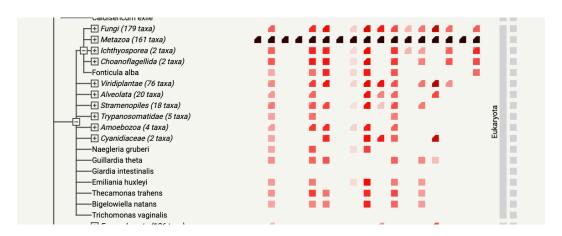




Evidência de vizinhança no genoma



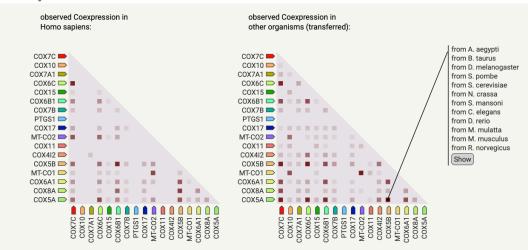
Evidência de coocorrência



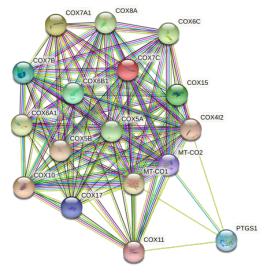
Evidência de coexpressão







PPI



COX11 → Nó que representa a proteína COX11 (Cytochrome C Oxidase Copper Chaperone COX11)

PTGS1 → Nó que representa a proteína PTGS1 (Prostaglandin-Endoperoxide Synthase 1)

Linha verde ligando os dois nós → evidência de minaração de texto (Co-Mentioned in Pubmed Abstracts)

Cellular Component

#term ID	term description	observed gene count	background gene count	strength	FDR*
GO:0070069	Cytochrome complex	11	32	2.6	4.27E- 23
GO:0005743	Mitochondrial inner membrane	15	480	1.56	1.42E- 19
GO:0045277	Respiratory chain complex iv	9	19	2.74	1.42E- 19
GO:0005740	Mitochondrial envelope	16	766	1.38	3.62E- 19





GO:0070469	Respirasome	11	95	2.12	3.62E-	
					19	

Biological Process

#term ID	term description	observed gene count	background gene count	strength	FDR*
GO:0006123	Mitochondrial electron transport, cytochrome c to oxygen	13	20	2.87	2.39E- 30
GO:0022900	Electron transport chain	15	174	2	2.60E- 25
GO:0006119	Oxidative phosphorylation	14	118	2.14	5.75E- 25
GO:1902600	Proton transmembrane transport	14	150	2.03	6.90E- 24
GO:0006091	Generation of precursor metabolites and energy	16	405	1.66	4.58E- 23
GO:0055114	Oxidation-reduction process	16	939	1.29	1.72E- 17
GO:0006812	Cation transport	15	881	1.29	9.80E- 16
GO:0044237	Cellular metabolic process	17	7513	0.42	5.43E- 05

^{*}FDR - false discovery rate (valor p ajustado) matching proteins in your network (IDs) matching proteins in your network (labels)

KEGG

#term ID	term description	observed gene count	background gene count	strength	FDR
hsa00190	Oxidative phosphorylation	16	130	2.15	3.00E- 31
hsa04714	Thermogenesis	16	229	1.91	8.39E- 28
hsa04260	Cardiac muscle contraction	12	87	2.2	1.28E- 22
hsa04932	Non-alcoholic fatty liver disease	12	148	1.97	3.95E- 20
hsa01100	Metabolic pathways	17	1447	1.13	5.93E- 18

Grau dos nós (protein node degrees)

#node	identifier	node_degree
COX4I2	9606.ENSP00000365243	16
MT-CO1	9606.ENSP00000354499	16





MT-CO2	9606.ENSP00000354876	16
COX15	9606.ENSP00000016171	15
COX17	9606.ENSP00000261070	15

Exportar os resultados (Download)

Os resultados podem ser exportados de diversas formas.

- 1. Figuras PNG (baixa ou alta resolução 400dpi) ou SVG (scalable vector graphic)
- 2. Interações das proteínas no formato tabular (.tsv) que pode ser aberto em editor de texto (bloco de notas), ou editor de planilha (excel).