Comment verifier que, après mes changements, le package mixOmics compile, ne donne pas d’erreurs (grave ou non) et s’installe correctement.

On se place sur le nouveau module a tester, qui contient tous les codes mixOmics de devel (se mettre a jour, voir #step 10 du read.me) plus les nouveaux codes (nouveaux scripts ou juste changements de scripts existants)

*# git checkout new\_module*

on construit le .tar.gz

*R CMD build mixOmics*

On verifie que le package compile sans erreur, l’option --as-cran n’est pas obligatoire mais avant de faire une pull requests il faut la mettre (il y a plus de verifications)

*R CMD check mixOmics\_5.0-4.tar.gz --as-cran*

Si des erreurs sont presentes, le build ou le check le dira.

Quand on update un scripts, rajoute un module, il faut penser a:

* update NAMESPACE

Ceci passe par ne pas oublier d'exporter les nouvelles fonctions

*export(ma\_nouvelle\_fonction)*

Si une nouvelle dependence a un package est necessaire:

import(nouveau\_package)

* update DESCRIPTION

Si une nouvelle dependence a un package est necessaire:

*imports: nouveau\_package*

* update fichier d'aide

*mixOmics/man/nouvelle\_fonction.Rd*