



## 个人信息

- 姓名：齐悦辰
- 籍贯：云南省昆明市
- 出生年月：1997.5
- 政治面貌：共青团员
- 现居地：云南省昆明市

## 联系方式

- 电话：18988490506
- 邮箱：yuechenq@qq.com

## 自我评价

- 认真细致、积极向上；
- 吃苦耐劳、责任心强；
- 乐于钻研、善于沟通；
- 脚踏实地、一丝不苟；
- 坚持不懈、精益求精。

## 意向岗位

生物信息工程师

## 教育经历

2015.9-2019.7

海南大学

植物保护（本科）

主修课程：遗传学、植物学、农业微生物学、植物生理生化、农业植物病理学、普通昆虫学、植物线虫学等。

2021.9-2024.6

中科院昆植所(云南大学联合培养)

生物与医药（硕士）

研究方向：通过分子生物学和生物化学以及生物信息学的手段探究玉米与昆虫互作机制。

GPA: 3.88; 排名:1/195

## 科研经历

- ◆ 本科毕业论文《山柚油对 3 种芒果采后病害病原菌的抑制作用探究》，通过测定山柚油对 3 种芒果采后病害病原菌的  $EC_{50}$  值（半数有效浓度），表明山柚油对 3 种芒果采后病害病原菌具有一定的抑菌活性，并且发现山柚油有刺激胶孢炭疽菌（*Colletotrichum gloeosporioides*）产孢的作用。
- ◆ 通过转录组差异表达和共表达分析、分子克隆、PEG 介导的玉米原生质体转化法、dual-LUC、qPCR、Y2H 等手段，筛选玉米 MYB 家族抗虫转录因子。
- ◆ Li et al. Elevating herbivore-induced JA-Ile enhances potato resistance to the polyphagous beet armyworm but not to the oligophagous potato tuber moth [J]. Pest Management Science, 2022.第二作者，完成转录组分析工作，其中包括常规差异表达分析，GO 和 KEGG 富集 WGCNA 等。
- ◆ 搭建玉米原生质体 CUT&Tag-Seq 的分析流程，流程中使用的工具包括 Bowtie2、samtools、macs、idr、homer 和 CHIPSeeker。

## 工作经历

2019.7-2020.4

四川国光农化股份有限公司

技术营销

- ◆ 曾担任技术营销一职，开展田间试验，探究公司产品对农作物的增产、控旺、病虫害防治等方面的效果并撰写实验报告。

## 学生工作

班长兼团支书

- ◆ 于大四学年担任班长兼团支书职务，曾组织或完成综合测评、青年大学学习、毕业照、毕业晚会等工作，因工作能力突出，被评为优秀班干部。

## 掌握技能

- ◆ 外语水平：大学英语 6 级 514 分、日语能力测试 N2。
- ◆ 计算机水平：掌握 Linux 操作系统；掌握 C、Javascript、Golang 和 R 编程语言；熟悉 SQL 语言；精通 Python，掌握 flask 和 django 框架，已完成菟丝子基因组网站的搭建；掌握多线程爬虫，已完成针对生物信息学数据库 BIG 和 maizeGDB 等、文献检索数据库 PubMed 的爬虫程序编写；掌握 conda 和 docker 的使用，已实现 RNA-seq 分析流程的自动化。