

東京大学
情報理工学系研究科 創造情報学専攻
修士論文

病理画像解析支援のための深層能動学習に関する研究
Cost effective learning of pathological images with deep active learning

福田 圭佑
Keisuke Fukuta

指導教員 原田 達也 教授

2018 年 1 月

概要

病理標本を撮像して診断を行うデジタルパソロジー技術の普及に伴い、画像認識技術によって病理医の診断を補助するための研究が数多く行われている。一方、高精度な識別率を達成する学習モデルを獲得するには、大規模なラベル付きデータを構築する必要がある。病理画像等の医療画像の学習データセットの作成には高度に専門的な知識が不可欠であるため、医師にとって大きな負担となってしまうアノテーションコストが非常に高い。そこで本研究では、画像群の中からモデルの識別精度向上に寄与する可能性の高いサンプルのみにアノテーションを付与することでアノテーションコストを抑えつつ高精度なモデルを獲得する能動学習の枠組みを採用する。また、能動学習を病理画像に適用するための工夫だけでなく、近年の画像認識分野で目覚ましい成果を挙げている Convolutional Neural Network (CNN) を能動学習に適用するための新たな手法を提案し、大規模病理画像データセットに対して実験を行い有効性を検証した。

Abstract

Along with the spread of digital pathology technology, many researches have been conducted to assist diagnosis of a pathologist using computational image analysis. On the other hand, it is often necessary to construct large-scale labeled dataset to acquire a model that achieves high classification accuracy. Since training datasets in medical domain such as pathological images require highly specialized knowledge, it becomes a heavy burden to the doctor and the annotation cost is very high. Therefore, in this research, we adopt active learning framework to alleviate this issue without sacrificing high accuracy. Active Learning is a framework which annotates only the informative samples from an unlabeled image sets which are likely to improve a model accuracy. In addition to propose a method to apply active learning to pathological images, we propose a new method for applying Convolutional Neural Network (CNN) to active learning. We experimented on the large scale pathological image datasets and verified its effectiveness.

目次

第 1 章	序論	1
1.1	本研究の背景	1
1.2	本研究の目的	2
1.3	本研究の構成	2
1.4	本研究の貢献	2
第 2 章	関連研究	3
2.1	画像認識における深層学習	3
2.2	病理画像解析	4
2.3	能動学習	6
2.4	関連する先行研究と本研究の位置づけ	9
2.5	まとめ	10
第 3 章	提案手法	11
3.1	概要	11
3.2	提案システムの詳細	11
3.3	バッチ型能動学習への拡張	12
3.4	まとめ	13
第 4 章	実験 1：MNIST を用いた実験	14
4.1	実験設定	14
4.2	実験結果	14
4.3	考察	14
第 5 章	実験 1：病理画像を用いた実験	15
5.1	実験設定	15
5.2	実験結果	15
5.3	考察	15
第 6 章	結論	16
6.1	本研究の結論	16

vi 目次

6.2 今後の課題	16
参考文献	17
付録 A ソースコード	21

図目次

2.1	Dropout の模式図。(左) 通常のネットワーク (右) いくつかのニューロンを Drop されたネットワーク	4
2.2	病理画像の例。(ToDo: もうちょいいい感じのやつ)	5
3.1	本研究で提案するシステムの概念図	11
3.2	Dropout によってサンプリングされた部分ネットワークによって Committee を形成する。	12

表目次

第 1 章

序論

1.1 本研究の背景

病理診断は、病理医がスライドガラス上の標本を観察することにより行われる。近年では標本全体のデジタル画像を撮影し、ディスプレイに表示することで細胞の組織を観察して診断を行うデジタルパソロジーの普及が進んでいる [1]。このデジタル画像は Whole slide image, WSI と呼ばれる。WSI は 1 スライド当たりギガピクセルに及ぶ非常に高解像画像で、組織すべてを隅々まで確認して異常がないか診断を行うのは熟練の病理医でも時間を要する。

一方、デジタルパソロジーの普及に伴って WSI が大量に保管されるようになり、機械学習を利用した画像解析技術の応用によって病理医の診断を補助するための研究が数多く行われている [2, 3, 4]。中でも、WSI を入力として対応する病名を出力する自動診断に関する研究が盛んに行われている [5, 6]。

しかし、近年の画像認識分野において目覚ましい成果を挙げている Convolutional Neural Network (CNN) をはじめとするように、機械学習手法を用い、汎化性能の高い識別器を構築するには大量のラベル付きデータが必要となることが多い。

病理画像などの医療画像の学習データセットの作成には高度に専門的な知識が不可欠であるため、医師への大きな負担となり、医師にとって大きな負担となってしまうアノテーションコストが非常に高い。また、特に病理画像においては、1 枚ギガピクセルに及ぶ WSI に対する詳細なアノテーションの付与には莫大なコストが伴う。Camelyon Grand Challenge[7] にて公開された Camelyon Dataset では、1000 枚にも及ぶ WSI に詳細な乳癌のリンパ節転移が生じている領域にアノテーションが付与されており、WSI 1 枚当たり熟練の病理医が 1 時間を費やしたという。

教師データ作成コストが問題となるのは医療画像解析に限った話ではなく、機械学習では少量のデータから効率的に学習する枠組みの研究も盛んに行われている。ラベルが不足した状況に対する機械学習のアプローチとして、能動学習と呼ばれる枠組みがある。

教師付き学習は入力（質問）と出力（答え）の組からなる訓練データを用いて、その背後に潜んでいる入出力関係（関数）を学習する問題であり、しばしば問題集と解答集が与えられてテスト問題でできるだけ高い点を取る状況と例えられる。また、半教師付き学習は問題集と

2 第1章 序論

一部の解答のみが与えられる状況だと言える。ここで、能動学習とは、教師なし学習と同様に問題集のみが与えられるが、学習の過程でわからないところを教師に聞くことができる枠組みであると例えることが出来る。つまり、大量に与えられたラベルなしデータから中から、モデルの識別精度向上に寄与する可能性の高いサンプル（クエリ）を選択し、オラクル（アノテーター、もしくはドメインの専門家）のみにアノテーションをその都度付与してもらうことで、モデルの識別率を犠牲にすることなくアノテーションコストを最小化するためのアプローチである。クエリの選考基準における理論的な研究だけでなく、実用的なアプリケーションに関する研究も近年増加しており、(ToDo: 引用) 高いアノテーションコストが大きな課題である病理画像解析への適用親和性は非常に高いと言える。

しかしそれらの研究は、一部の例外を除き高次元のデータへの scalability に欠く物が多く、計算コストの面から CNN のような巨大なパラメータを持つモデルを利用できない場合が多い。また、能動学習の多くでは特徴量に変化しないという状況での問題設定を置いていることが多く、表現学習を同時に行う深層学習を用いた研究は少ない。

1.2 本研究の目的

本研究では、病理画像解析において病理医が支払うコストを最小にしつつモデルの識別精度を担保するためのアプローチとして、学習データのラベルを学習の過程で機械とアノテーターとの interaction を通じて増加させていく能動学習を採用したシステムの構築を目的とする。能動学習を病理画像に適用するための工夫だけでなく、近年の画像認識分野で目覚ましい成果を挙げている Convolutional Neural Network (CNN) を能動学習に適用するための新たな手法を提案し、その有効性を検証する。

1.3 本研究の構成

本論文の構成を以下に示す。

第1章で本研究の背景と目的を述べた。

第2章では、関連研究と本研究の位置づけについて述べる。

第3章では、本研究で提案する手法について述べる。

第4、5章では、提案した手法の有効性を確認するために行った実験の目的、設定、結果について述べる。

第6章では、本研究の結論、および展望について述べる。

1.4 本研究の貢献

- 病理画像解析に能動学習を利用するための実用的な手法の提案
- 深層能動学習のための有効なサンプル選択の戦略の提案

第 2 章

関連研究

2.1 画像認識における深層学習

2.1.1 概観

深層学習とは、多層のニューラルネットワークを用いて高い識別性能を達成するモデルを構築する機械学習技術の一つである。Convolutional Neural Network (CNN) とは、画像認識分野において近年目覚ましい成果を挙げている多層ニューラルネットワークで、2012 年に大規模一般画像認識のコンペティションである ILSVRC で CNN を用いたチームが優勝して依頼、画像に関する様々なタスクにおいて利用されている。従来の画像認識では人手によって画像に有効であると考えられる特徴量を設計し、その特徴量を用いて識別器を学習するというフレームワークであったが、CNN は、学習の過程で訓練データから識別に有効な特徴量を抽出する表現学習と識別器の学習が同時に行われる点で特徴的である。

しかし一般に、高い汎化性能を持つ CNN を学習させるには大量のラベルつきデータセットを構築する必要があるという問題がある。本節の残りでは、過学習を防ぐために使用されるいくつかの手法について説明する。(ToDo: ちょっと言い方かえる)

2.1.2 Dropout 正則化

一般に機械学習では、訓練データに対する過学習を防ぎ汎化性能を向上させるために、モデルの正則化が行われる。ニューラルネットワークの正則化手法の一つに Dropout[8, 9] がある。Dropout とは、学習の過程において、ニューラルネットワークの中間層のニューロンを一定確率でランダムに”drop”する、すなわち出力を 0 にする正則化手法である (Fig. 2.1.2)。これは、任意の n 次元中間層の出力に対し、以下のようなマスクをかけることで行われる。(ToDo: 式)

$$y'_i = y_i \otimes M \quad (2.1)$$

$$M = [m_0, m_1, \dots, m_n], \quad m_i \sim \text{Bernoulli}(\pi)$$

これにより、あるニューロンが特定のニューロンにのみ過剰に依存してしまう共適合 (Co-

4 第2章 関連研究

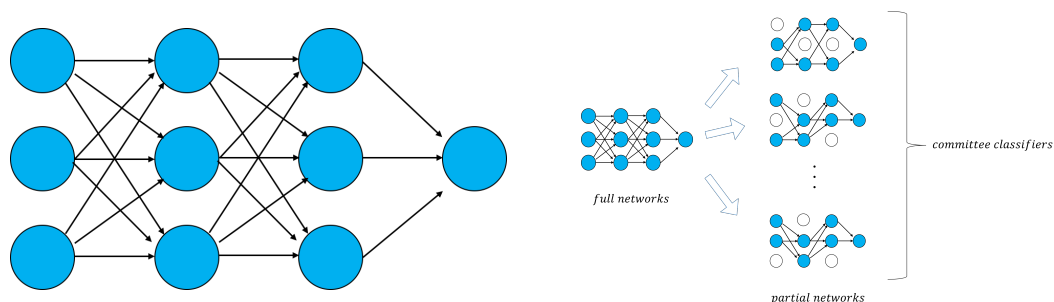


図 2.1. Dropout の模式図。(左) 通常のネットワーク (右) いくつかのニューロンを Drop されたネットワーク

adaptation) を防ぐことができる。また、指数的な数の部分ネットワークを同時に学習していると見なすこともでき、複数の部分ネットワークのアンサンブルを行っているのと同じ効果があるとも見なすことが出来る。

2.1.3 Data Augmentation

Data Augmentation とは、画像識別問題においてニューラルネットワークの過学習を防ぐために利用される正則化手法である。訓練時に、入力された画像に対しラベル情報を保持する程度の変形 (幾何学的変形) を加えたものを利用して学習を行うことで、画像の様々な変形に対し不変な特徴量抽出、及び予測をすることを期待するものである。

例として、モデルに回転不変性を与えるために元画像を回転を加える、位置不変性を与えるために元画像に平行移動を加える等の変形がしばしば用いられる。

2.1.4 学習済みモデルからの転移学習

転移学習とは、ある問題を効率的に解くために、別の関連した問題のデータや学習結果を再利用する枠組みである。深層学習における転移学習とは、しばしば fine-tuning によるものを指すことが多い。fine-tuning とは、ニューラルネットワークを学習するため、別の問題もしくは別のデータセットで学習済みのモデルを初期値として利用して再学習を行うことである。これを行うことで、比較的少数の訓練データから優れた性能が得られることが示されている。

(ToDo: 引用)

2.2 病理画像解析

本節では、病理画像解析特有の性質と関連研究を述べる。

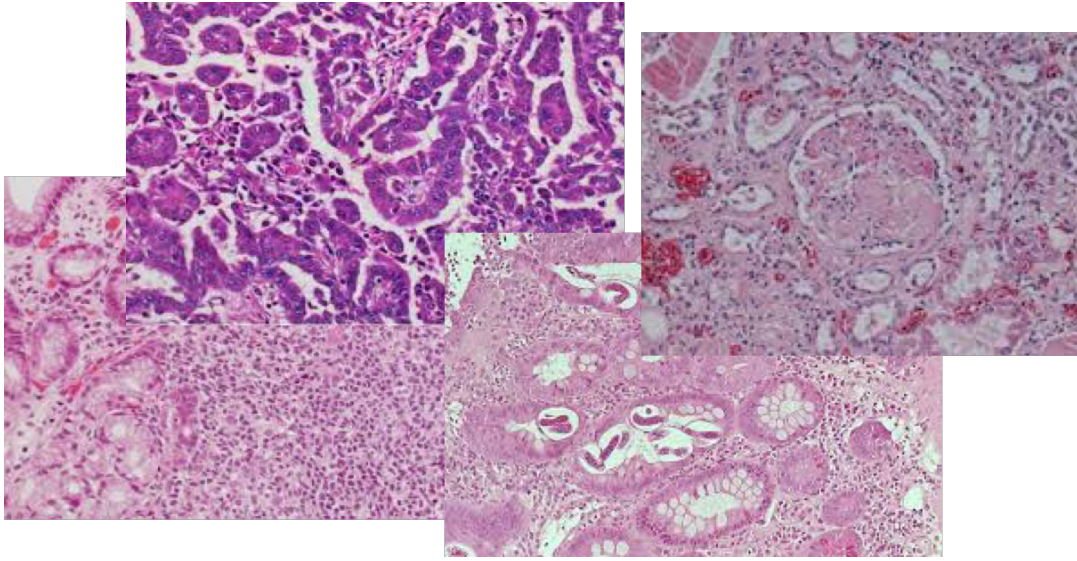


図 2.2. 病理画像の例。(ToDo: もうちょいいい感じのやつ)

2.2.1 概観

第 1 章で述べたように、病理画像とは WSI と呼ばれる巨大なデジタル画像のことを指す。病理画像解析におけるアプリケーションは、大きく分けて 3 つに分類される [3]。自動診断による医師の補助、類似画像検索による医師の補助、画像と画像以外の情報との関連性の解析、が挙げられる。近年の画像認識技術の向上による、自動診断に関する研究が急速に増加している。本研究でも、自動診断に位置づけられる癌の自動検知タスクに焦点を当てる。

2.2.2 WSI 全体の予測の出力方法

一般に、画像認識タスクにおいて用いられる画像はせいぜい 1000×1000 以下である。しかし、数万ピクセル×数万ピクセルに及ぶ WSI を一度に学習するのはデータ数、パラメータサイズどちらの面においても現実的ではない。また、癌などの異常部位というのは WSI においてわずかな領域にのみ現れることも多いため、基本的には WSI を大量の画像パッチに分割し、それぞれを識別した結果を統合することで癌の有無を判定することが多い。個々の画像パッチを識別するのは、SVM, Convolutional Neural Network などが用いられる。

2.2.3 特徴抽出について

機械学習において特徴抽出は重要な役割を持つ。従来は hand-crafted による特徴量 (SIFT, HLAC, (ToDo: ちょっと調べる)) が使われていた。また、テクスチャとしての性質を持つことからテクスチャ解析における手法をしばしば利用することがある。しかし、近年では一般画像認識の成果を受けて CNN を利用して同時に学習することが多い。また、pretrained model

6 第2章 関連研究

による特徴量を利用することもある。(ToDo: CNN をもちいた関連研究)

一般に医療画像解析に共通している特徴として、獲得すべき不変性が多いということがある。向き、回転不変性、位置不変性、輝度不変性などが一般に用いられる。また、病理画像では染色液によって細胞を染色することで核などの病理学的特徴を見つけ出すが、その染まり方は細胞毎、研究機関毎に大きく異なる (ToDo: 図があればいいかも) このことから、強い色相不変性が必要である。

2.3 能動学習

この節では、能動学習について基本的な概念および先行研究について述べる。また、近年の深層学習を識別器として利用した能動学習や、病理画像解析に能動学習を適用した例についても触れる。

2.3.1 基本的な概念

能動学習, Active Learning[?] とは, 機械学習における一つの枠組みである。一般に, 教師つき学習において識別精度の高いモデルを学習させるためには膨大なラベル付きデータが必要となる。そこで, 能動学習では, 得られた大量のラベルなしデータから最もモデル更新に寄与する可能性のあるサンプルを選択し, それにアノテーションを付与することで, 少ないアノテーションコストのもとでいかに高精度な学習モデルを作成するかを目的としている。データ自体は豊富にあるが, アノテーション付与のコストが高価であるような問題に用いられる。

能動学習の基本的な流れを以下に示す

1. モデル更新に寄与する可能性のあるサンプルを選択 (クエリ問い合わせ)
2. 人手, 専門家によってアノテーションを付与
3. 付与されたアノテーションを利用し教師あり学習を実行

学習が飽和するまでこれらのサイクルを繰り返す。

モデル更新に寄与する可能性があるかと判断する基準 (クエリ選考基準) は様々な側面から提案された手法があり、詳細は後述する。能動学習全般に当てはまる問題として、学習主体が選択しアノテーションを付与されたデータ集合は、実際のデータ集合とは異なるという問題である。これをサンプリングバイアスと呼ぶ。

学習主体がクエリを問い合わせる問題設定は以下の3種類に大別される

Stream-Based Selective Sampling

ストリーミングデータ (サンプルが次々に入力されていくような場合) に対するアプローチ。入力されるストリーミングデータに対してそれぞれのサンプルにラベルを付けるかを逐一判断し, モデル更新に寄与すると判断された場合 (大抵は閾値を設ける), クエリとして問い合わせる方式である。

Pool-Based Sampling

大量にラベルなしサンプルプールがまとまって与えられている問題に対するアプローチである。ストリーミングデータの場合とは違い、閾値を設けることなくプールの中から最もモデル更新に寄与するサンプルを選択することができる。また、サンプルデータの分布、およびデータ構造を考慮したクエリ選択が可能となる。

Membership Query Synthesis

ストリーミングデータ、プールサンプルどちらの状況でも利用され、実際のデータを直接クエリとして利用するのではなく 1 つまたは複数のサンプルから新しい人口データを生成し人間に提示する事でラベル付けを行う方法である。

中でも、Pool-based Sampling の問題設定での研究が最も行われており、本研究でも大量のラベルなし病理画像データプールは予め与えられているものとする。

2.3.2 クエリ選考基準

本項では、モデル更新に寄与する可能性が高いと判断するためのクエリ選考基準として提案されているいくつかのものについて述べる

\mathcal{L} をラベル付きデータセット、 \mathcal{U} をラベルなしデータセットとする

Uncertainty Sampling

最もシンプルな戦略で、モデルが自身の予測が最も曖昧であるようなサンプルをクエリとして選択する。データ x が与えられた時、ラベルの確率分布 $p(y|x)$ を出力する識別器を用いれば利用することが出来るため、幅広く利用されている。曖昧であることの定量評価として、事後確率最大ラベルの確率が小さいサンプルを選択する Least Confident、事後確率最大ラベルの確率と、その次に大きなラベルの確率との差が小さいサンプルを選択する Margin Sampling、事後確率分布のエントロピーが大きいサンプルを選択する Entropy Sampling などが提案されている。これらは、二値分類の場合は全て等価な戦略となる。

Query By Committee

モデルのバージョン空間 (モデルの仮説空間内で現在のラベル付きデータに対して Consistent な領域) を縮小させるサンプルが更新に寄与するはずだとする仮説に基づく戦略。実際にバージョン空間をすべて保持することは現実的には不可能であるため、近似的にこれを扱うための手法の一つが Query-By-Committee (QBC)[10] アルゴリズムである。バージョン空間を近似的に表現するために、現在のラベル付きデータ集合から学習された複数のモデル (committee $C = \{\theta^{(1)}, \dots, \theta^{(C)}\}$) を保持し、それぞれの committee の予測が最も不一致するサンプルを選択するという戦略である。不一致度の定量評価として、Vote Entropy、Average Kullback Divergence がある。Vote Entropy は、それぞれの committee がどのラベルだと予

8 第2章 関連研究

測 (投票) したかのばらつきを定量化したもので、次式で表される

$$x^* = \operatorname{argmax}_x - \sum_i \frac{V(y_i)}{C} \log \frac{V(y_i)}{C} \quad (2.2)$$

$V(y_i)$ は committee の投票数、 C は committee のサイズである。

Average Kullback Divergence は、それぞれ予測分布の確率分布の差異が平均的に大きいものを選ぶ手法である。

$$x^* = \operatorname{argmax}_x \frac{1}{C} \sum_{c=i}^C KL(P_{\theta(c)} || P_C) \quad (2.3)$$

P_C は committee 全体の平均の確率予測分布である。

Expected Model Change / Expected Error Reduction

データにあるラベルがつけられた場合に、モデルが実際にどう更新されるかの期待値を求めることで、最善のサンプルを選択することができると考えられる。このような考えに基づき、可能性のあるラベルを全通り試すことでモデルの更新量が最大となるサンプルを選択するのが Expected Model Change と呼ばれる戦略で、また、モデルの更新量ではなくモデルの汎化誤差の減少量を評価することを目的とした戦略が Expected Model Change である。多くのケースでは、全サンプルのラベルを全通り仮定し、モデルの再学習を行う必要があるため膨大な計算コストを要する手法である。

Variance Reduction

モデルの期待汎化誤差は以下のように分解することが出来る。

$$E_T[(\hat{y} - y)^2 | x] = E_T[(y - E[y|x])^2] + (E_{\mathcal{L}}[\hat{y}] - E[y|x])^2 + E_{\mathcal{L}}[(\hat{y} - E_{\mathcal{L}}[\hat{y}])^2] \quad (2.4)$$

$E_{\mathcal{L}}[\cdot]$ はラベルセット \mathcal{L} に関する期待値、 $E[\cdot]$ は条件付き分布 $P(y|x)$ に関する期待値、 E_T はそれぞれに関する期待値である。上記の右辺は、一項目から、ラベルノイズに関する項、モデルバイアスに関する項、モデルの分散に関する項を表している。これらのうち、学習によって変更できるのはモデルの分散のみである。そこで、モデルのパラメータの期待分散を小さくすることで、間接的にモデルの汎化誤差を小さくする戦略が Variance Reduction である。また、パラメータの分散はフィッシャー情報量 $I(\theta)$ の逆数によって下界を決定されるという統計的性質から、モデルのパラメータのフィッシャー情報量を最大化する (もしくは逆数を最小化する) サンプルを選択する問題に帰着される。

Density Weighted Method

これまでの戦略とは異なり、単一のサンプルのみを評価するのではなく、周囲のサンプル、もしくは分布全体の構造を考慮する手法である。周囲にサンプルが多数ある場合と周囲にサンプルが存在しない場合を考慮すると、後者は外れ値のサンプルである可能性が高く前者のほうが選択する価値が高いと考えられる。そのような手法の一つに Information Density がある。

基本的に、他の選択戦略と併せて使用される手法で、各定量評価に類似度を考慮した係数を掛け合わせることで重みをつける手法である。

$$x^* = \operatorname{argmax}_x \phi(x) \times \left(\frac{1}{U} \sum_{u=1}^U s(x, x_i) \right)^\beta \quad (2.5)$$

$\phi(x)$ は他の選択戦略による評価である。 $s(\cdot)$ はサンプル間の類似度を算出する関数である。

2.3.3 関連する他の手法

バッチ型能動学習

多くの能動学習の研究では、クエリ問い合わせは一つのサンプルにのみ行われる。しかし、近年の機械学習アルゴリズムは計算コストが非常に大きいため、一度に複数のクエリ集合 Q を問い合わせるバッチ能動学習に関する研究が増加しつつある。最もナイーブに考えた場合、2.3.2 で述べたような定量指標で上から Q 個のサンプルを選んだ場合、それらのサンプルには重複した情報が含まれる可能性が高い。brinker et al.、Xu et al. らはクラスタリング手法によって同一クラスター内からはクエリを選択しないという戦略を提案した [11]、[?]。また、Chen と Krause らは、バッチ能動学習を劣モジュラ最適化問題に帰着させることで、貪欲法によって最適な組み合わせと比較した場合の $1 - \frac{1}{e}$ 近似が可能であることを示した。[12]

2.4 関連する先行研究と本研究の位置づけ

2.4.1 能動学習の病理分野への適用

(active + Pathology) 能動学習を病理画像解析に利用した研究は複数存在する。複数人の WSI から切り出したパッチベースでの学習を行う病理画像解析では、クエリとして WSI 中の 1 領域を問い合わせるのが自然である。しかし、通常データ分布とは違い、独立同一分布 (i.i.d) でない特徴がある。NalisNik et al. は Uncertainty Sampling による能動学習を比較的単純な細胞核 segmentation タスクに応用した [13]。class balancing + query-by-committee[14]、logistic regression + variance reduction [15]、仮説空間の縮小を目的関数にすることで劣モジュラ最適化の枠組みを利用、似たデータが多いことを利用して k-means でクラスタリング [16]、しかし、そのほとんどが人手によって設計された特徴量に対して線形の識別器を用いているものであるため、精度の点で十分であるとは言えない。

2.4.2 深層能動学習

能動学習の研究は、理論、実践的なアプリケーションどちらも線形識別器を用いているものが大半であるが、近年の深層学習の成果を受けて、深層学習と能動学習を組み合わせた研究も行われている [17, 18]。これらのアプローチは、Restricted Boltzmann Machines や stacked autoencoders などによって pre-training を行ったネットワークを用いて、Uncertainty Sampling によるクエリ選択を行うというシンプルなものである。(ToDo: もうちょい

かく)

2.4.3 本研究の位置づけ

能動学習において深層学習を利用する研究の多くは、Uncertainty Sampling ベースのクエリ選考基準を用いている。これらのアプローチでは、ニューラルネットワークの予測の不確かさを定量的に評価するために、出力の確率分布のエントロピーが大きさなどが利用されることが多い。しかし、一般に、ニューラルネットワークは自らの予測に対する不確かさを陽に表すようにモデル化されていない。仮に予測が 0.9 という高い確率であったとしても、確信度が高いことを示すわけではないという問題がある。(ToDo: 非線形だからどこで間違ってるかわからん。)(ToDo: ベイス CNN 触れる)

本研究では、不確かさを陽にモデル化しない多層ニューラルネットワークを能動学習に効率的に組み込むために手法を提案し、精度を犠牲にすることなく、安定してアノテーションコストを削減する病理画像解析システムを提案する。ニューラルネットワークにとってモデル更新に寄与すると考えられるサンプルを選択するために、Query-By-Committee のアイデアを基に Dropout と Data Augmentation を推論にも利用することにより近似的にそれらを達成するアプローチを取る。

2.5 まとめ

本章では、本研究に関連するいくつかの研究の枠組みと、先行研究について述べた。また、その中での本研究の位置づけを述べた。次の章では、具体的に本研究で提案するシステムを説明する。

第 3 章

提案手法

3.1 概要

本章では、本研究の提案するシステムの全体像を説明する。前章で述べた深層学習と能動学習の組み合わせの問題点を解決するための手法と、

本研究では、精度を犠牲にすることなくアノテーションコストを削減する病理画像解析のための深層能動学習システムを構築する。

3.2 提案システムの詳細

そのための各モジュールについて説明する。

3.2.1 Query by Dropout predictions

ニューラルネットワークによって識別問題を解く際には、最終出力が各ラベルに対応する確率となるような確率分布を出力する。しかし、前章で述べたように、ニューラルネットワー

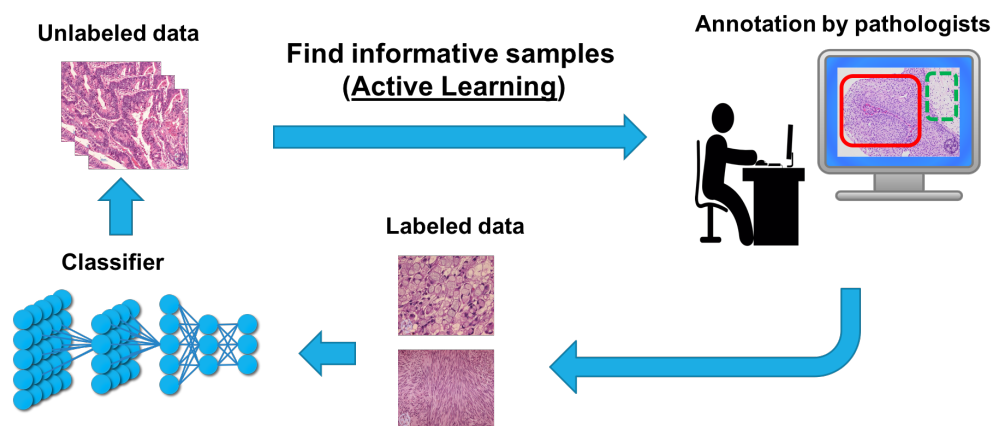


図 3.1. 本研究で提案するシステムの概念図

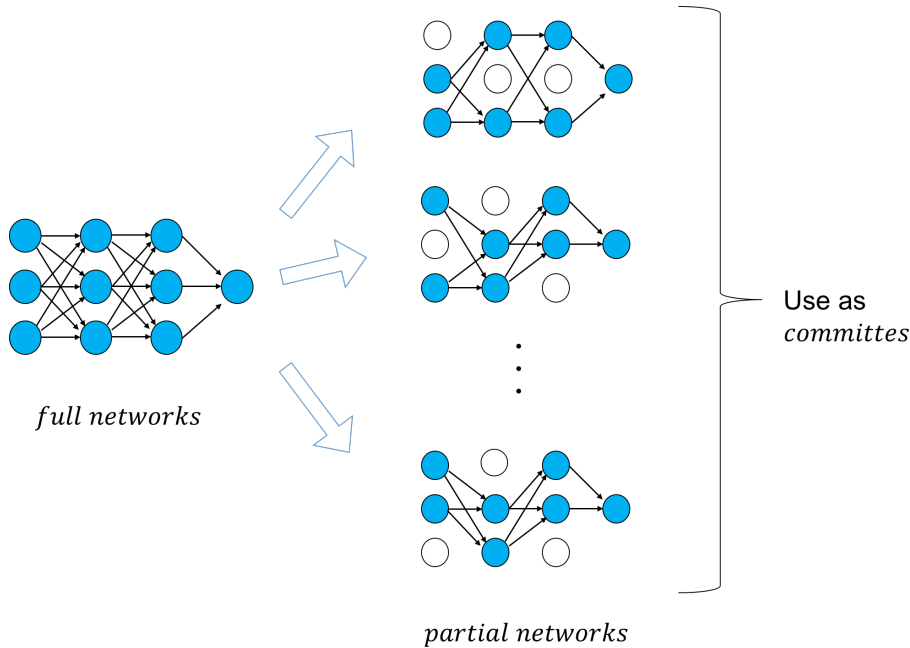


図 3.2. Dropout によってサンプリングされた部分ネットワークによって Committee を形成する。

ク自体のパラメータに対する不確かさをモデルしているわけではない。このように不確かさを陽にモデル化しない識別器を利用した能動学習において、Query By Committee はしばしば用いられる手法である。しかし、ニューラルネットワークのように非常に計算コストの重いモデルを複数同時に保持し学習を行うことはメモリ、計算時間等様々な問題で現実的ではないという問題があった。そこで、本研究では、正則化に利用される Dropout によって本体のネットワークからサンプリングされた部分ネットワークを Committee とみなし、近似的に Query-By-Committee を行う手法を提案する。

3.2.2 Data Augmentation

3.2.3 理論的説明

3.3 バッチ型能動学習への拡張

深層学習器を能動学習に利用する場合、1iteration 毎に計算コストがかかってしまうため、各クエリ問い合わせにおいて複数のサンプルにラベリングを付与してもらうバッチ型能動学習を採用するのが適当であると考えられる。一度に投げるクエリ内で情報の重複が起きないようにするためには何らかの工夫をする必要があるが、2章で述べたような劣モジュール関数を設計するのは深層学習を利用する場合計算コストの観点から難しい。そこで、本研究ではクラスタリングにより同一のクラスターに属するサンプルは2つ以上選択しないとすることで、情報の重複を避ける。また、クラスタリングに使用する特徴量の候補として、以下の3つを考慮

した。

hand-crafted feature

2章で述べたように、病理画像解析にはテクスチャ解析で用いられる技術がしばしば使用される。ここでは、Local Binary Pattern (LBP) を採用する。

CNN の中間特徴量

Imagenet で学習された特徴量は様々なタスクに有用であるとされている。そこで本研究では GoogleNet の中間特徴量を利用した。

Compact Bilinear Pooling による特徴量

近年の深層学習を用いたテクスチャ解析の研究で、Bilinear Pooling によって空間情報をなくした特徴量がしばしば利用される。これは、CNN の中間特徴量の相関行列を計算し空間方向に平均を取ったものである。

$$G_{ij} = \sum_k F_{ik} F_{jk} \quad (3.1)$$

また、一般に CNN の特徴量次元（チャンネル数）は 256 512 の大きな値であるため、そのまま計算した場合非常に高次元な値になってしまう。そこで、その近似手法である Compact Bilinear Pooling[19] を本研究では CNN を用いたテクスチャ特徴量として採用する。

3.4 まとめ

第 4 章

実験 1 : MNIST を用いた実験

4.1 実験設定

4.1.1 データセットについて

4.1.2 比較手法について

4.2 実験結果

4.3 考察

第 5 章

実験 1：病理画像を用いた実験

5.1 実験設定

5.1.1 データセットについて

5.1.2 比較手法について

5.2 実験結果

5.3 考察

第 6 章

結論

6.1 本研究の結論

6.2 今後の課題

参考文献

- [1] Liron Pantanowitz. Digital images and the future of digital pathology. *Journal of pathology informatics*, Vol. 1, , 2010.
- [2] Metin N Gurcan, Laura E Boucheron, Ali Can, Anant Madabhushi, Nasir M Rajpoot, and Bulent Yener. Histopathological image analysis: A review. *IEEE reviews in biomedical engineering*, Vol. 2, pp. 147–171, 2009.
- [3] Daisuke Komura and Shumpei Ishikawa. Machine learning methods for histopathological image analysis. *CoRR*, Vol. abs/1709.00786, , 2017.
- [4] Geert Litjens, Thijs Kooi, Babak Ehteshami Bejnordi, Arnaud Arindra Adiyoso Setio, Francesco Ciompi, Mohsen Ghafoorian, Jeroen AWM van der Laak, Bram van Ginneken, and Clara I Sánchez. A survey on deep learning in medical image analysis. *arXiv preprint arXiv:1702.05747*, 2017.
- [5] Scott Doyle, Shannon Agner, Anant Madabhushi, Michael Feldman, and John Tomaszewski. Automated grading of breast cancer histopathology using spectral clustering with textural and architectural image features. In *Biomedical Imaging: From Nano to Macro, 2008. ISBI 2008. 5th IEEE International Symposium on*, pp. 496–499. IEEE, 2008.
- [6] M Murat Dundar, Sunil Badve, Gokhan Bilgin, Vikas Raykar, Rohit Jain, Olcay Sertel, and Metin N Gurcan. Computerized classification of intraductal breast lesions using histopathological images. *IEEE Transactions on Biomedical Engineering*, Vol. 58, No. 7, pp. 1977–1984, 2011.
- [7] Oscar Geessink, Péter Bándi, Geert Litjens, and Jeroen van der Laak. Camelyon17: Grand challenge on cancer metastasis detection and classification in lymph nodes, 2017.
- [8] Geoffrey E Hinton, Nitish Srivastava, Alex Krizhevsky, Ilya Sutskever, and Ruslan R Salakhutdinov. Improving neural networks by preventing co-adaptation of feature detectors. *arXiv preprint arXiv:1207.0580*, 2012.
- [9] Nitish Srivastava, Geoffrey E Hinton, Alex Krizhevsky, Ilya Sutskever, and Ruslan Salakhutdinov. Dropout: a simple way to prevent neural networks from overfitting. *Journal of machine learning research*, Vol. 15, No. 1, pp. 1929–1958, 2014.

- [10] H Sebastian Seung, Manfred Opper, and Haim Sompolsky. Query by committee. In *Proceedings of the fifth annual workshop on Computational learning theory*, pp. 287–294. ACM, 1992.
- [11] Klaus Brinker. Incorporating diversity in active learning with support vector machines. In *Proceedings of the 20th International Conference on Machine Learning (ICML-03)*, pp. 59–66, 2003.
- [12] Yuxin Chen and Andreas Krause. Near-optimal batch mode active learning and adaptive submodular optimization. In *ICML (1)*, pp. 160–168, 2013.
- [13] Michael Nalisnik, Mohamed Amgad, Sanghoon Lee, Sameer H Halani, Jose Velazquez Vega, Daniel J Brat, David A Gutman, and Lee AD Cooper. Interactive phenotyping of large-scale histology imaging data with histomicsml. *bioRxiv*, p. 140236, 2017.
- [14] Scott Doyle, James Monaco, Michael Feldman, John Tomaszewski, and Anant Madabhushi. An active learning based classification strategy for the minority class problem: application to histopathology annotation. *BMC bioinformatics*, Vol. 12, No. 1, p. 424, 2011.
- [15] Raghav K Padmanabhan, Vinay H Somasundar, Sandra D Griffith, Jianliang Zhu, Drew Samoyedny, Kay See Tan, Jiahao Hu, Xuejun Liao, Lawrence Carin, Sam S Yoon, et al. An active learning approach for rapid characterization of endothelial cells in human tumors. *PloS one*, Vol. 9, No. 3, p. e90495, 2014.
- [16] Yan Zhu, Shaoting Zhang, Wei Liu, and Dimitris N Metaxas. Scalable histopathological image analysis via active learning. In *International Conference on Medical Image Computing and Computer-Assisted Intervention*, pp. 369–376. Springer, 2014.
- [17] D. Wang and Y. Shang. A new active labeling method for deep learning. In *2014 International Joint Conference on Neural Networks (IJCNN)*, pp. 112–119, July 2014.
- [18] Jiming Li. Active learning for hyperspectral image classification with a stacked autoencoders based neural network. In *Image Processing (ICIP), 2016 IEEE International Conference on*, pp. 1062–1065. IEEE, 2016.
- [19] Yang Gao, Oscar Beijbom, Ning Zhang, and Trevor Darrell. Compact bilinear pooling. In *Proceedings of the IEEE Conference on Computer Vision and Pattern Recognition*, pp. 317–326, 2016.

謝辞

本研究は、東京大学大学院 情報理工学系研究科 創造情報学専攻の原田達也教授のご指導のもとに行われました。原田達也教授、牛久祥孝講師をはじめとして、原田・牛久研究室のメンバーの皆様から多大な支援を受けて本論文を完成させることができました。

原田達也教授の研究に対する意識の高さ、視野の広さは研究を行う上で大きな刺激となりました。非常にお忙しいにも関わらず、的確な指導をしていただき、原田教授のご指摘を通して自分の見逃していた部分に気づかされることも多く、とても勉強になりました。心より感謝しております。また是非テニスしましょう。

牛久祥孝講師は生徒に対する面倒見が良く、研究会での幅広い知識をバックグラウンドにしたアドバイスも的確を射ていたのが印象的です。ベンチャー立ち上げは流れてしまいましたが、もし自分が会社疲れに疲れたらまた相談に乗っていただけたら嬉しいです。

中村衛助教には、研究室内の事務作業を担当していただき、感謝しております。何度も勤務表の手続きでご迷惑をおかけして申し訳ありませんでした。

特任研究員の Tejero de Pablos Antonio さん、黒瀬優介さんの研究会での鋭い指摘にはいつもハッとさせられました。技術補佐員の金子葵さん、加治佐美由希さんは我々に快適な研究環境を準備すべく多面にわたり尽力していただき、感謝しております。

大学院博士課程の森友亮さん、日高雅俊さん、棕田悠介さん、Huang KaiKai さん、南里卓也さん、兼平篤志さん、葉 浩さん、加藤大晴さん、Tang Yujin さん、Li Yang さん、金子卓弘さん、Mohammad Reza MOTALLEBI さん、温 穎怡さんには熱心に研究に取り組む姿から研究生活に関する多くのことを学ばせていただきました。また、研究の進め方の手本を見せていただいたばかりでなく、研究室での充実した生活を提供してくださったことに心より感謝いたします。棕田さんには機械学習手法に関するお話や、新しい論文に関する議論をしていただき大変勉強になりました。ありがとうございました。日高さんには自分が修士に入りたての頃に alsarc 2016 を通して初歩的なことを色々教えていただきました。また、それ以降もサーバや実装に関する質問を何度もさせていただきました。ありがとうございました。加藤さんは、GAN などの楽しい論文について共有していただきお話するのが楽しかったです。また、もう一つの顔であるぱろすけさんは、自分がプログラミングを始めるきっかけになった方でもあるのでそちらに関してもとても感謝しています。

修士課程二年目の同期である井関茜さん、齋藤邦章くん、床爪佑司くん、山本将平くん、早川顕生くん、木倉悠一郎くん、高田一真くん、YanTennin くん、石原弘之さん、渡辺康平くん、張仁彦くん、Hanna Tseran さんは、共に卒業を目指し研究に取り組む同輩として心強く感じ

20 参考文献

させていただきました。研究室では楽しい会話を提供してくださり、心の支えになりました。

修士課程一年目の後輩である岡田英樹くん、高柳臣克くん、唐澤拓己くん、金山哲平くん、航くん、町田龍昭くん、荒瀬晃介くん、新井棟大くん、稲田修也くん、James Borg くん、張徳軒くんは、普段の話相手になっていただけるだけでなく、それぞれが違う興味をもっており良いインスピレーションを受けました。

学部4年の石川輝くん、上原康平くん、宇佐美峻くん、河合里咲さん、田中幹大くん、津野蒼くん、野口敦裕くん、松浦寿彦くんは、自分がB4の頃と比べられないくらい優秀で、全員が真摯に研究に取り組んでおり、自分も負けていけないなという刺激を受けました。

本論文の完成は、研究室の皆様のご協力がなければ到底なしえないものでした。最後に、改めて皆様に感謝の意を表すとともに、どんな時にもあたたかく励まし支え続けてくれた家族に感謝し、本論文の謝辞とさせていただきます。

付録 A

ソースコード

```
int main () {  
    ...  
    ...  
}
```