

## Feature/Qualifier 対応一覧表: アルファベット順

							L												_			_	_					• •						•									
		Qι	ıal	if	ier	ke	eys	f	or	80	urc	е	fe	atı	ıre																												
		altitude	bio_material		cell_type		p	collected_by	date	country	ction			samble	Tocus	haplogroup	haplotype	host	identified_by	isolate	isolation_source	lab_host	at_ on	macronuclear	map	mating_type	note	organelle	organism	PCR_primers	plasmid	rearranged	segment	serotype	serovar	sex	specimen_voucher	submitter segid		sub_species	sub_strain	tissue_type	transgenic
	source	Ω	0	0	00		00	0	0	0 0	00	Ω	1 1	- 1	0 0		0	0		O	O	0	0	o	0	0 0		0	0	Ω	0			0	0	0	0	) c			0	0	0
	source 使用頻度の高い fea * は比較的よく使用	tur	e ?	<b>全赤</b>	枠で	示し	てし	ぇ	す。	標準	的な	ì ai	not	ati	on I	ţ,	これ	lò	のみ	で記	己述	可能	とで	す。							<u> </u>						<u> </u>	210	,, 0		101		<u> </u>
	* は比較的よく使用				ier					ge	ner	al	fe	at	ur																						$\neg$						
					Ť	T		Ė	ŬΪ	Ť	T	Ť	ΠÌ	Ĭ	T	Ť	Τ	φ.	П		П	П		Π			Т	Π	<sub>0</sub>		Т		Τ				╗						
		allele	anticodon	artificial_location	bound_moiety	compare	direction	EC_number	estimated_length	exception	frequency	function	gap_type	gene	gene_synonym	linkage evidence	locus_tag	mobile_element_type	mod_base	ncRNA_class	note	number	operon	PCR_conditions	product	pseudo	regulatory_class	replace	ribosomal_slippage	rpt_family	rpt_type	satellite	tag_peptide	translation	transl_except	transl_table	trans_splicing						
	* assembly_gap C_region	0							0				0	0	1 (	3	0		$\Box$		0	4		4		0 0										$\Box$	7	0		必	須 用可	<u> 수</u> ヒ	
	* CDS	Ö		0				0		2 (		0		Ö	1 (		Ö				0		0			2 2			0					2	0	0	0				用不		
	centromere D-loop				-				H					0	1 (				Н		8			4		-	-				-					$\vdash$	4	1	2		注 1 注 2		
	D_segment	0												O	1 (		0				0			1		0 0										П	╛	3	3		注3		
	* exon gap	┝		$\vdash$	+	+	+	$\vdash$					Н	0	1 (		0	1	$\vdash$	$\dashv$	8	0	+	$\dashv$	-	0 0	4	┝	Н		+	+	+	┝		Н	0						
	* intron													0	1 (		0				0	0				0 0											0						
	J_segment * mat_peptide	8			-	+	-	0	H		2	0		0	1 (	-	8		$\vdash$	-	읭	4	4	4	0		-	-	Н		+	+	+	-		$\vdash$	4						
	misc_binding				0							ŏ		O	1 (						O		_																				
	misc_difference				_	0	)			(				Ö	1 (		0		Н		0			_				0			_		_			$\Box$	4						
	* misc_feature * misc_RNA	0		Н	+	+	+	$\vdash$	H			8	Н	0	1 (		8		$\forall$		8	$\dashv$	o	┪		0 0	+	┢	Н		+	+	+	┢		Н	0						
	misc_structure									(		Ŏ		0	1 (		Ĭ				0				1												Ĭ						
_	* mobile_element modified_base	-			-		-		Н					0	1 (		0	0			8	_		4			-		H	0	0		-			H	4						
Feature keys	mRNA	0		0						7				0	1 (	5	ŏ				ŏ		o	1	-	0			H								0						
ᆂ	* ncRNA								Ш		2	Ö		0	1 (		0		$\square$		Ö		0		0												0						
_e	operon oriT	0		Н	0	+	0		$\vdash$			0	$\vdash$	$\dashv$	1 (		+	+	$\forall$		읭	_	<u> </u>	$\dashv$	-1		4	$\vdash$	Н	0	0		+	$\vdash$		$\vdash$	$\dashv$						
덡	precursor_RNA								Н	9				0	1 (		0	)	Ш		Ö		0		4	_	-				_		-			П	0						
ě	primer_bind * propeptide	0			+		1	H	H			0		ö	1 (	3	0	)	$\forall$		8	_	-	익	o	0		H	Н				+			H	$\dashv$						
	protein_bind				0				П					Ö	1 (				$\square$		Ŏ		<u> </u>	4												П	7						
	* regulatory  * repeat region	0		0	0	+	╁	┢	H					0	1 (	_	0		$\forall$		0	+	0	$\dashv$	-	0 0			Н	0	0			$\vdash$		$\vdash$	$\dashv$						
	rep_origin						0					0		0	1 (						0			1	1												コ						
	* rRNA													0			0		Ш		Ö		0	4	0	<u>o</u>			Ш				1	<u> </u>		$\sqcup$	4						
	* sig_peptide * stem_loop	0			+	+	+	-	$\vdash$			0	Н	0	1 0		0	_	$\forall$		읭	_	0	+	-1	0 0	+		Н	$\dashv$	+	+	+	1		$\vdash$	$\dashv$						
	telomere																				Ō										0	)											
	* tmRNA transit peptide		$\vdash$	$\vdash \vdash$	+	+	+	$\vdash$	$\vdash \vdash$			0	Н	읭	1 (		8		$\vdash$		응	$\dashv$	+	$\dashv$	0		4	$\vdash$	Н		+	+	0	-	$\vdash$	$\vdash$	$\dashv$						
	* tRNA	Ľ	0				L	L	世	(	)			0	1 (		0	)			0	╛	╛			<u> </u>		L					L	L			0						
	unsure	0		П	$\bot$	С	)	F	H			F		0	1 (	T	00		$\Box$		0	$\dashv$	7	7	4	0 0		0	F	4	$\dashv$	F	F	F	F	$\Box$	7						
	V_region V_segment	О		H	+		H	H	$\vdash$			$\vdash$		0	1 (	5	0		$\forall$		8	$\dashv$	+	$\dashv$	-		5	$\vdash$	H	$\dashv$	+	+	+	H	$\vdash$	H	$\dashv$						
	* variation	0		П		О	)		Ц	(	0			0	1 (		0	)	口		0	$\rightrightarrows$	#	1	1	1		0								口	$\Box$						
	* 3' UTR * 5' UTR	0	$\vdash$	$\vdash$	+	+	╁	$\vdash$	$\vdash$			8	Н	8	1 (		8		$\vdash$		8	$\dashv$	+	$\dashv$	+	+	+	⊢	Н	$\dashv$	+	+	+	┢	$\vdash$	H	0						
	, , , , , , , , , , , , , , , , , , , ,	, _	_					-				, _														- 1		-															

注1) gene\_synonym を記述する場合は、featureに gene または locus\_tag が必須です。 注2) exception, pseudo, pseudogene は同時に記述できません。exceptionを記述する場合はtranslationの記述が必須です。 translationを記述する場合は、exceptionの記述が必須です。 注3) gap\_type が "within scaffold" または "repeat within scaffold"の場合、linkage\_evidence が必須です。



## Feature/Qualifier 対応一覧表: 分類順

		Qı	ıal	if	ie	r l	(ey	s 1	for	S	our	Эе	fe	at	ure	)																											$\neg$
						T	Ť	Τ	Г						T	T						T								T													П
		de	rial	ine	-d/	ome	ا ا	o p	collection_date	ý	cultivar culture_collection	age	)e	environmental_sample	,	e e	dno		identified_by	Fe Fe	isolation_source	3£	lear Fear	5	type	be		le	Sm	ners	<u>.</u>	al	ged It	be	r.	-	specimen_voucher	strain submitter_seqid	ne	sies	ain	nic	۲y
		altitude	bio_materia	cell_line	cell_type	chromosome	clone lib	collected by	ction	country	cultiva re_colle	dev_stage	ecotype	nenta	focus	germiine	haplotype	host	tifie	isolate	rion -	lab_host	lat_lon macroniclear	as a	mating_type	mol_type	note	organelle	organism	PCR_primers	plasmid	proviral	segment	serotype	serovar	sex	nen_v	strain itter_s	sub_clone	sub_species	sub_strain	transgenic	variety
		а	bio	ce	e .	팅	0	00	e	o	I tur	de	в	iron		g   2	12		iden		sola	<u>"</u>  -	_   2		mat	Ĕ		or	ō	F. P. P. P.	ا	ع ا يَ	- S	Š	S	-	pec II	mdns	l s	qns	ans	ţ	>
														- 1																													
	<b>source</b> 使用頻度の高い fea	atur	e 3	を赤	:枠て	示	して	いま	₹す。	O 標	単的な	i a	O nnot	O ati	O) on	<u>) (</u> は、		16	)   O のみ	で言	O 記述	〇 可能	O C	P)C		0	0	0	0	0	O](		O C	10	0	0	0[0	0 0	00	0	0(0	00	0
	* は比較的よく使用	121 101	<u>เธ</u> เลไ	fea <b>if</b>	itur ie	eを: r	示し (ev:	<u>ます</u> S	<u>⁻。</u> for	ge	ner	a l	f	eat	ur	es																					$\neg$						
						T	Ţ	T			T	Ť			T		$\Box$	be											e e														
			on	artificial_location	ety	art	e G	e	estimated_length	uo	s   S	, K	эс		mym	Interence	ag ag	mobile_element_type	se	ass			operon PCR conditions	2 +	,	ane	regulatory_class	е	ribosomal_slippage	<u>&gt;</u>	j j	sed	ide	ion	cept	able	trans_splicing						
		allele	anticodon	a 	bound_moiety	codon_start	compare	EC number	ted	exception	frequency	function	gap_type	gene	gene_synonym	Interence	locus tag	eme	mod_base	ncRNA_class	note	number	operon	product	pseudo	pseudogene	tory	replace	a s	rpt_family	rpt_type	rpt_unlt_seq	tag peptide	translation	trans _except	transl_table	ds						
		a	ant	ifici	unoq	8	ع اخ		tima	өхо	fre	ıj	ga		gene	TI			- Q	ncRI		اء	0 2	בול מ	۵	bse	gula	3	osom	rpt	2	rpt_	tag	trar	trans	tran	rans						
				art					es							-	-	qom					٦	-			re		rib								-						
	類出feature(標準 * CDS	的な		not	ati	on O	は、	Ė∤ IC		Dみ 2	Cici	村〇	能で	<b>j</b>	1	ol.	IC	)			O	10		(	) 2	2			Ol	Ŧ	$\overline{}$	Ŧ	F	2	0	lol	0	0	) )	必須使用	頁 月可能	Ė	
	* rRNA * tRNA	Ĭ	0					Ĭ			0	Ĕ		Ŏ O	1	0	Ċ	)			0	(	Ŏ		0	0								Ē	Ľ		0	1	╛		不同		
	* ncRNA	Þ									0	0		0	1		C	)		0	0	(	0	1c		10			1	1	1						ŏ	2		脚注	È2		
	* tmRNA * mobile_element	╘				$\downarrow$					0			0	1	) )	С	) ©	)		0									0			С					3		脚沒	±β		
	<pre>* repeat_region * variation</pre>	0				-	0					)		00	1	0	C				0	+		+				0		0	O	0 0	)										
	* misc_feature * misc_RNA	0				$\dashv$					0	00		0	1	0	C				0	(	0	C	0	00		Н	$\dashv$	+	-						0						
	転 <mark>写産物</mark> * exon							_	i		Ol	1		0		OI.					0			_		•				_			İ				_						
	* intron * 3' UTR	0				#		F	F		Ŏ O	0		0	1 0	Š	Č		F		0	ŏ		ļ	Ŏ	0		$\exists$	4	1	#		F				00000						
	* 5' UTR mRNA	Ö		0		7		F	F		$\cap$	$\circ$		Ö	1		C		F		Ŏ O			#		0		H	7	1	#	Ŧ	Ŧ	F			Ŏ						
	modified_base precursor_RNA	Ĭ				1					000	)		Ö	1	<u> </u>	Č		0		Ö		0	1					1	1	1						0						
	ペプチド産物 * mat_peptide	10				$\dashv$	+														OI		<u> </u>	10				$\equiv$	$\dashv$	_	$\pm$	+	$\dot{+}$		_		_						
keys	* propeptide * sig peptide	000				#					<u> </u>	000		ŏ	1 1	ğ	C				Ö	#		C	000	ğ			1	1	1		+										
6	transit_peptide 転写or翻訳、発現調	0				1					ŏ	ŏ		ŏ		ŏ	C				ŏ				ŏ	ŏ																	
Feature	operon * regulatory	00			0	4	-	F	F	Н		0		0	1		C		H		0	(	<u>0</u>	F	0	0		Н	4	1	1	-	$\perp$			Н							
Fea	複製調節、組み換え centromere					$\pm$		+								or OI		<u> </u>			OI			+					_	_	+		+										
	telomere D-loop	F				#		ŧ	F		0			0	-	<u>ŏ</u>	Ŧ	F	Ħ		0	#		ļ	#				#		0	0	ŧ										
	rep_origin				0	1	C					0		ŏ	1	0					0	#		ŧ							0 0												
	oriT 構造関連					_			_									_											_		OI	<u> </u>											
	protein_bind misc_binding	t			0	#		t	E		0	0		0	1		t	t			8	(	0	+					#	#	#	$\downarrow$	t										
	misc_structure * stem_loop										0	0			1						0	(	0																				
	免疫関連 Ig or TCI C_region	0		gene	專	用						1			1		IC				O					Ю									I								
	V_region D_segment	00				+	+	-	-	H	0				1 1						0	+	+	+	0	8		$\dashv$	+	+	+	+	+			Н	_						
	J_segment V_segment	0				-	F	E	E		0			0	1		C		Ē		0	$\exists$	$oldsymbol{\mathbb{F}}$	Ŧ	0	00			$\exists$	$\exists$	$\exists$	Ŧ	F	E			$\exists$						
	ゲノムマッピング指 primer_bind			度	関連			Ī	Ī		0	I		0	1 0	OI.		Ι	Ī		0	J	IC		Ī	L					Ī		Ī	Ī	L	 L I	$\exists$						
	misc_difference unsure				H		0				0			0	1		C		H		0	7	Ŧ	F				00	7	7	7	1				Н	7						
	* assembly_gap	H			H	7		F	0		0	H	0		7	- (		F	F		0	$\mp$	+	Ŧ	+	H			7	$\dashv$	$\mp$	+	+	H	-	H	$\exists$						
				•				•				_	-	'					•							_	-							•	_								

- 注1) gene\_synonym を記述する場合は、featureに gene または locus\_tag が必須です。 注2) exception, pseudo, pseudogene は同時に記述できません。exceptionを記述する場合はtranslationの記述が必須です。 translationを記述する場合は、exceptionの記述が必須です。 注3) gap\_type が "within scaffold" または "repeat within scaffold"の場合、linkage\_evidence が必須です。