GeneVision Analysis Report

File name: genevision_report_2025-04-26.pdf

Generation date: April 26, 2025

User: Mariem

1. General Information

Analyzed sequence: Available in appendix Predicted genes: Available in appendix Protein sequences: Available in appendix

Tools used:

Gene prediction: AUGUSTUS

• Functional annotation: DeepGOPlus + QuickGO

• Structural modeling: ESMAtlas

2. Sequence Data

Number of predicted genes: 1
Number of protein sequences: 1
Total input sequence length: 9453 bp

3. Results Summary

Gene ID	Position	Score	GO Term	Function	Description
gene1	966 - 6903	0.94	GO:0008150	biological_process	Living things follow instructions in their genes to carry out tasks, like building proteins or breaking down food. These step-by-step tasks are called biological processes.

Appendix - Sequence Contents

A1. Input Sequence

>input_sequence GAGCTCACATTAACTATTTACAGGGTAACTGCTTAGGACCAGTATTATGAGGAGAATTTA CCTTTCCCGCCTCTTTCCAAGAAACAAGGAGGGGGTGAAGGTACGGAGAACAGTATTT CTTCTGTTGAAAGCAACTTAGCTACAAAGATAAATTACAGCTATGTACACTGAAGGTAGC AGCAGATATACAGCCTATTAAGCGTCGTCACTAAAACATAAAACATGTCAGCCTTTCTTA ACCTTACTCGCCCCAGTCTGTCCCGACGTGACTTCCTCGACCCTCTAAAGACGTACAGAC CAGACACGGCGGCGGCGGGAGAGGGGATTCCCTGCGCCCCCGGACCTCAGGGCCGCT CAGATTCCTGGAGAGGAAGCCAAGTGTCCTTCTGCCCTCCCCGGTATCCCATCCAAGGC GATCAGTCCAGAACTGGCTCTCGGAAGCGCTCGGGCAAAGACTGCGAAGAAGAAAAGACA CAGGAGAGTGGGGACTACCCCCTCTGCTCCCAAATTGGGGCAGCTTCCTGGGTTTCCGAT TTTCTCATTTCCGTGGGTAAAAAACCCTGCCCCACCGGGCTTACGCAATTTTTTAAGG ATGGGCTTGGTTTTCAGTCTTATAAAAAGGAAGGTTCTCTCGGTTAGCGACCAATTGTCA TACGACTTGCAGTGAGCGTCAGGAGCACCTCCAGGAACTCCTCAGCAGCGCCTCCTTCAG CTCCACAGCCAGACGCCTCAGACAGCAAAGCCTACCCCGGCGCCGCGCCTGCCCGCCG CTCGGATGCTCGCCCGCCCCTGCTGCTGCTGCGCGGTCCTGGCGCTCAGCCATACAGGTG AGTACCTGGCGCGCGCACCGGGGACTCCGGTTCCACGCACCCGGGCAGAGTTTCCGCTC TGACCTCCTGGGTCTATCCCAGTACTCCGACTTCTCTCCGAATAGAGAAGCTACGTGACT TGGGAAAGAGCTTGGACCGCTAGAGTCCGAAAGAACTCCGTGGATATTCCAGCTTTCCCA CAAGCACTGATCATTATGAGCCAGTTACTTAACCGATCTGAGACACTCTCACCTCCTAAA TAGGGATAGATGATACTAATTTGCAGGTTGTCATTATGATAAGACAGGATCTGATCAATA TATGTGAATTGTTTATATTTGGAACCTTTTTATTGAGTGGAAGAAGTTGTTTTAAATATT CTAGTCAGTTCTTTCCTGCTCCCAGGAAAGCCCGGATTATGTTTTAAGATAAGCAAAATG TCTTAAAAGTAAGCTGTTTTACTTTGAATTTTTCCCTAAATGTTGATTAGTGTACTAGAT CCATTTTAATTTGGAAAGTGAAGTGCTACTTATTTGAACTTCTTAAAAATGCTAATTTTA ACATCTAAAGAGTTAACTAAGAAAAGCTTAGTAACATGATGTACCAAGTTGAATATGCTG TTATCCTTATTTAGAATAGAAAATTGGTATTTCTACGTTTTATCCATTCTAAGGCAGGTT AAAAAATTGTATTTCCATGACTACCTATATATTTCTTGAATTTATTATTGTAAAGTTGAT TATGAGTGTGGGATTTGACCAGTATAAGTGCGATTGTACCCGGACAGGATTCTATGGAGA AAACTGCTCAACACGTAAGTTTGTCCTTTGGTTGCCTCATTAGGAGTGGGGCTGGATACA TCGTCTTCTTGCAGCGGAATTTTTGACAAGAATAAAATTATTTCTGAAACCCACTCCAAA CACAGTGCACTACATACTTACCCACTTCAAGGGATTTTGGAACGTTGTGAATAACATTCC CTTCCTTCGAAATGCAATTATGAGTTATGTCTTGACATGTAAGTACAAGTGTCTTTCTAA GGTTTTTAGCCTTCTCAAAGAAAATATGCTTTATAATACTGTAAGCCTAATCTAAAAAC ATATTTCCAAGCTTATCAAAAAGACTTTAAGATAGCTTTTAAGTTTGCCTTCCATCTTAA TCGCCAAAAATATTGACATTTAGTCCCATCCAGTTTATACAGTCTGCTCACAACTCTGTA TACCTCTTCTAACCTTTACTGTTTGGTCAGTTTGTGGAGGTAGCATGGTCCAGCTGTTTA GATTTGGATCAGCAAGAAAATAACTTTCCATGATTCTAAAGTGGGTGCCATACTCAGCCA TTCCTTTCATAGGCCTCTTGGATAGTGAGCAGATGGCTACCTGAAAAATCAATATTGCCA GATTATAATGTGCAGAGTATATGTATTTTATTAAAGATGTATTTCAAGTGGCCATTAGAC GTGCCACTTTCCACATTTTACAATAAAAATAATGGTTGATTTACTTAACAAATGAGAATA ACTTACAATGCTGACTATGGCTACAAAAGCTGGGAAGCCTTCTCTAACCTCTCTATTAT ACTAGAGCCCTTCCTCCTGTGCCTGATGATTGCCCGACTCCCTTGGGTGTCAAAGGTGAG TAAGAAGAATCCATTAGAGATGTATTAACTATAAGACGGGCTGCATTGCTGCCAAAAAAA AAAATTGACCTTAGACTACCATTTATTTATTAACAAAAGCAGTTTTTACTTTTAGCATGG

TTATCTATGGGTATTTTTTAAAGTATGAGTCTATATAAACTATTATGTAAAAGCAAATGA
GCGTCTTGGTATAATGTCTTAATATTTTCAAATTATTTCTTTAGAAATGAAATAATTCTA
ATTAAAATAGATAAAATCATTCAGTAAGAAGTTGTTCCACCATATCTTAGAACTGTTGTT
TATATTATGATCCTATTCACAATTGTAATTCTCATATAAATGAAGAATTCTTGGTAGATT
GACAGTCACCATCTCCTTTCTTGAATACATAGATGGATTCTTACCTTAGCTTTCTCATTT
TTCAGGTAAAAAGCAGCTTCCTGATTCAAATGAGATTGTTGGAAAAATTGCTTCTAAGAAG
AAAGTTCATCCCTGATCCCCAGGGCTCAAACATGATGTTTGCATTCTTTTCCCCAGCACTT
CACGCATCAGTTTTTCAAGACAGATCATAAGCGAGGGCCAGCTTTCACCAAACGGGCTGGG
CCATGGGGTAAGATAGATAGATTATCTTAGAGTTAGTAAAATTATACCAAATCATAGTCA
AGGGCTAACATTAAAGGAGATATACAGATAGATAGATCCAAATAACTTATCCACTTTTTT

TAAAAAGAAGTCTTATCTATAAAAACCTTAAAGGAATTTTCCATTTACTTCACTGGTCTA ATGTACAGGTATTGTTATTTGTAATTTGACCCTTGTATTTTTTAGTTTAAAATGTTAGTA CTGCAAAATGTTATGTCCTCAAAAACACATTGTACCATGATTATGCCGCTTTCAATATTG TAAAGTGAGGTTTTTGCCGCATTATTATTTTTTTGGATTTCAATAGCATAGCTTCAAGTTA ATAGTGAAGTATATATATATATGATATAAGCTCAATATAGTATATTAATTCCGTTAAAC TATGAAAAATGTATATTTATTTAAAAAATTTTAAAGAAAGCTAAATGATCAAATTATTTA ATGATGAATTATATGATAGACACTTTATATAAGAAAAACTTCAACAGCAACAAATTAAAA TTTTTCATCATTTTCTAGGTGGACTTAAATCATATTTACGGTGAAACTCTGGCTAGACA GCGTAAACTGCGCCTTTTCAAGGATGGAAAAATGAAATATCAGGTATGCTTCCTTTGACT ATTAAGACTTAGTTATTACCGCTTATACCCATATTTTAAAATCCCTAAAAATGTGTTCCT TATCCTCCCACAGTCAAAGATACTCAGGCAGAGATGATCTACCCTCCTCAAGTCCCTGAG CATCTACGGTTTGCTGTGGGGCAGGAGGTCTTTGGTCTGGTGCCTGGTCTGATGATGTAT GCCACAATCTGGCTGCGGGAACACAACAGAGTATGCGATGTGCTTAAACAGGAGCATCCT GAATGGGGTGATGAGCAGTTGTTCCAGACAAGCAGGCTAATACTGATAGGTAAACAAGAA AATGATTTATATAAAACCCTCTTCCCCAGGGAAAATTAGTGTGCTATCTTTGTTATGTTT TGAGTAAATGACAAGATGTGGTAAATGAAAACTCACACATTCTATATACATTAAATATGT AAGCATGACTGATAAAATAGCTATCTTTTGATACTGACAAGGAAGAAAACAGAAATGAAG GAATAGCAAATTTTAAAAATTGCATTCCAGTTGCTTGAAAGCTTGTGATCAGATGCAATA AATGTTTTTATTATTTTTTGTGCAAATAGGAGAGACTATTAAGATTGTGATTGAAGAT TATGTGCAACACTTGAGTGGCTATCACTTCAAACTGAAATTTGACCCAGAACTACTTTTC AACAAACAATTCCAGTACCAAAATCGTATTGCTGCTGAATTTAACACCCTCTATCACTGG CATCCCCTTCTGCCTGACACCTTTCAAATTCATGACCAGAAATACAACTATCAACAGTTT ATCTACAACAACTCTATATTGCTGGAACATGGAATTACCCAGTTTGTTGAATCATTCACC AGGCAAATTGCTGGCAGGGTAAGCATTATTATTGAAAACCAAAACAAAAGACTAGTCAGT AACTTTTAGTCTAGTCTACAGTTGTCAGACAAATAGCAAATTGTACCCCTACCTTAAAAA TATTTTCAAAAAGTATCTATAATCTTATAGGAATAAATATTTTAGGCTTGAATACTAGTG TTATTTTTGAAATGTAAAAAGGCAAATTAGTTCTAGGCTGGTGTCCCATTGAATTTTAAG CAGAGCTCCTGTTGAAATGTAGGTAAGCATCTTTCCAGCAAATAAAAATTGTCTCCGCTG GGAGTTTCAGTTTTACCTGATTTGTACCTAAGGCAAGCTGAATACAAACAGTAAATATGC CTAAAATTCTTGTTTTACAACTAATTTTACTTTCCACAGGTTGCTGGTGGTAGGAATGTT CAGTCTTTTAATGAGTACCGCAAACGCTTTATGCTGAAGCCCTATGAATCATTTGAAGAA TGTTTTTGGTTTTCTTTTCGAGATGGAGCCGCCCTCTGTCACCCAGGCTGGAGTGCAGTG GCGCCATCTCGGCTCACTGCAACCTCCGCCTCCTGGGTTCAAGCAATTCTCCTGCCTCAA CAGTATAGACGGGGTTTCACCGTGTTAGCCAGGCTGGTCTCAAACTCCTGACCTAGTGAT $\tt CCGCCGGCTTCGGCCTCCCGAAGTGCTGGGATTACAGGCGTGAGCCACCGCGCCTGGCCC$ CTAAACTTCTTAAAAGAATCAGGGGTCAAATGGAAACAGAGAAGTTGGCAGCAAATTGAG CAAAAGAATCAAACTGTTTTTTTTTTTTGTGAAGTTTGACATTGGTTGTATCTCTGTCTTC ATCGCCTTCACAGGAGAAAAGGAAATGTCTGCAGAGTTGGAAGCACTCTATGGTGACATC GATGCTGTGGAGCTGTATCCTGCCCTTCTGGTAGAAAAGCCTCGGCCAGATGCCATCTTT ${\tt GGTGAAACCATGGTAGAAGTTGGAGCACCATTCTCCTTGAAAGGACTTATGGGTAATGTT}$ ATATGTTCTCCTGCCTACTGGAAGCCAAGCACTTTTGGTGGAGAAGTGGGTTTTCAAATC ATCAACACTGCCTCAATTCAGTCTCTCATCTGCAATAACGTGAAGGGCTGTCCCTTTACT TCATTCAGTGTTCCAGATCCAGAGCTCATTAAAACAGTCACCATCAATGCAAGTTCTTCC CGCTCCGGACTAGATGATATCAATCCCACAGTACTACTAAAAGAACGTTCGACTGAACTG TAGAAGTCTAATGATCATATTTATTTATTTATTTATGAACCATGTCTATTAATTTAATTATT TAATAATATTTATATTAAACTCCTTATGTTACTTAACATCTTCTGTAACAGAAGTCAGTA CTCCTGTTGCGGAGAAAGGAGTCATACTTGTGAAGACTTTTATGTCACTACTCTAAAGAT TTTGCTGTTGCTGTTAAGTTTGGAAAACAGTTTTTATTCTGTTTTATAAACCAGAGAGAA ATGAGTTTTGACGTCTTTTTACTTGAATTTCAACTTATATTATAAGAACGAAAGTAAAGA TGTTTGAATACTTAAACACTATCACAAGATGGCAAAATGCTGAAAGTTTTTACACTGTCG ATGTTTCCAATGCATCTTCCATGATGCATTAGAAGTAACTAATGTTTGAAATTTTAAAGT ACTTTTGGTTATTTTCTGTCATCAAACAAAAACAGGTATCAGTGCATTATTAAATGAAT ATTTAAATTAGACATTACCAGTAATTTCATGTCTACTTTTTAAAATCAGCAATGAAACAA TAATTTGAAATTCTAAATTCATAGGGTAGAATCACCTGTAAAAGCTTGTTTGATTTCTT AAAGTTATTAAACTTGTACATATACCAAAAAGAAGCTGTCTTGGATTTAAATCTGTAAAA TCAGATGAAATTTTACTACAATTGCTTGTTAAAATATTTTATAAGTGATGTTCCTTTTTC ACCAAGAGTATAAACCTTTTTAGTGTGACTGTTAAAACTTCCTTTTAAATCAAAATGCCA AATTTATTAAGGTGGTGGAGCCACTGCAGTGTTATCTCAAAATAAGAATATTTTGTTGAG ATATTCCAGAATTTGTTTATATGGCTGGTAACATGTAAAATCTATATCAGCAAAAGGGTC AACTTTTGAAGCAAACTTTTTTTTATCCTTGTGCACTGCAGGCCTGGTACTCAGATTTTG $\tt CTATGAGGTTAATGAAGTACCAAGCTGTGCTTGAATAACGATATGTTTTCTCAGATTTTC$ TGTTGTACAGTTTAATTTAGCAGTCCATATCACATTGCAAAAGTAGCAATGACCTCATAA AATACCTCTTCAAAATGCTTAAATTCATTTCACACATTAATTTTATCTCAGTCTTGAAGC CAATTCAGTAGGTGCATTGGAATCAAGCCTGGCTACCTGCATGCTGTTCCTTTTCTTTTC TTCTTTTAGCCATTTTGCTAAGAGACACAGTCTTCTCATCACTTCGTTTCTCCTATTTTG TTTTACTAGTTTTAAGATCAGAGTTCACTTTCTTTGGACTCTGCCTATATTTTCTTACCT GAACTTTTGCAAGTTTTCAGGTAAACCTCAGCTCAGGACTGCTATTTAGCTCCTCTTAAG AAGATTAAAAGAGAAAAAAAAGGCCCTTTTAAAAATAGTATACACTTATTTTAAGTGAA GGCTAGTGCCTCAGAGAGAACTGTACGGGGTTTGTGACTGGAAAAAGTTACGTTCCCATT CTAATTAATGCCCTTTCTTATTTAAAAACAAAACCAAATGATATCTAAGTAGTTCTCAGC AATAATAATAATGACGATAATACTTCTTTTCCACATCTCATTGTCACTGACATTTAATGG TACTGTATATTACTTAATTTATTGAAGATTATTATTTATGTCTTATTAGGACACTATGGT TTTTCTTTGGGGTTACCTCTGAATATTATGTAAACAATCCAAAGAAATGATTGTATTA AGATTTGTGAATAAATTTTTAGAAATCTGATTGGCATATTGAGATATTTAAGGTTGAATG TTTGTCCTTAGGATAGGCCTATGTGCTAGCCCACAAAGAATATTGTCTCATTAGCCTGAA TGTGCCATAAGACTGACCTTTTAAAATGTTTTGAGGGATCTGTGGATGCTTCGTTAATTT GTTCAGCCACAATTTATTGAGAAAATATTCTGTGTCAAGCACTGTGGGTTTTAATATTTT TTGGGAAGAGGGAGAAATGAAATAAATATCATTAAAGATAACTCAGGAGAATCTTCTTT ACAATTTTACGTTTAGAATGTTTAAGGTTAAGAAAGAAATAGTCAATATGCTTGTATAAA ACACTGTTCACTGTTTTTTTTAAAAAAAAAACTTGATTTGTTATTAACATTGATCTGCTG ACAAAACCTGGGAATTTGGGTTGTGTATGCGAATGTTTCAGTGCCTCAGACAAATGTGTA TTTAACTTATGTAAAAGATAAGTCTGGAAATAAATGTCTGTTTATTTTTGTACTATTTAA AAAAAAAAAAAAATCGATGTCGACTCGAGTC

A2. Predicted Genes

>gene?

ATGCTCGCCCGCGCCCTGCTGCTGCGCGGTCCTGGCGCTCAGCCATACAGCAAATCCT TGCTGTTCCCACCCATGTCAAAACCGAGGTGTATGTATGAGTGTGGGATTTGACCAGTAT AAGTGCGATTGTACCCGGACAGGATTCTATGGAGAAAACTGCTCAACACCGGAATTTTTG ACAAGAATAAATTATTTCTGAAACCCACTCCAAACACAGTGCACTACATACTTACCCAC TATGTCTTGACATCCAGATCACATTTGATTGACAGTCCACCAACTTACAATGCTGACTAT GGCTACAAAAGCTGGGAAGCCTTCTCTAACCTCTCCTATTATACTAGAGCCCTTCCTCCT GTGCCTGATGATTGCCCGACTCCCTTGGGTGTCAAAGGTAAAAAGCAGCTTCCTGATTCA AATGAGATTGTGGAAAAATTGCTTCTAAGAAGAAGTTCATCCCTGATCCCCAGGGCTCA AACATGATGTTTGCATTCTTTGCCCAGCACTTCACGCATCAGTTTTTCAAGACAGATCAT AAGCGAGGCCAGCTTTCACCAACGGGCTGGGCCATGGGGTGGACTTAAATCATATTTAC GGTGAAACTCTGGCTAGACAGCGTAAACTGCGCCTTTTCAAGGATGGAAAAATGAAATAT CAGATAATTGATGGAGAGATGTATCCTCCCACAGTCAAAGATACTCAGGCAGAGATGATC TACCCTCCTCAAGTCCCTGAGCATCTACGGTTTGCTGTGGGGCAGGAGGTCTTTGGTCTG GTGCCTGGTCTGATGATGTATGCCACAATCTGGCTGCGGGAACACAACAGAGTATGCGAT GTGCTTAAACAGGAGCATCCTGAATGGGGTGATGAGCAGTTGTTCCAGACAAGCAGGCTA ATACTGATAGGAGAGACTATTAAGATTGTGATTGAAGATTATGTGCAACACTTGAGTGGC AATCGTATTGCTGCTGAATTTAACACCCTCTATCACTGGCATCCCCTTCTGCCTGACACC TTTCAAATTCATGACCAGAAATACAACTATCAACAGTTTATCTACAACAACTCTATATTG CTGGAACATGGAATTACCCAGTTTGTTGAATCATTCACCAGGCAAATTGCTGGCAGGGTT GCTGGTGGTAGGAATGTTCCACCCGCAGTACAGAAAGTATCACAGGCTTCCATTGACCAG AGCAGGCAGATGAAATACCAGTCTTTTAATGAGTACCGCAAACGCTTTATGCTGAAGCCC TATGAATCATTTGAAGAACTTACAGGAGAAAAGGAAATGTCTGCAGAGTTGGAAGCACTC TATGGTGACATCGATGCTGTGGAGCTGTATCCTGCCCTTCTGGTAGAAAAGCCTCGGCCA GATGCCATCTTTGGTGAAACCATGGTAGAAGTTGGAGCACCATTCTCCTTGAAAGGACTT ATGGGTAATGTTATATGTTCTCCTGCCTACTGGAAGCCAAGCACTTTTGGTGGAGAAGTG GGTTTTCAAATCATCAACACTGCCTCAATTCAGTCTCTCATCTGCAATAACGTGAAGGGC TGTCCCTTTACTTCATTCAGTGTTCCAGATCCAGAGCTCATTAAAACAGTCACCATCAAT GCAAGTTCTTCCCGCTCCGGACTAGATGATATCAATCCCACAGTACTACTAAAAGAACGT TCGACTGAACTGTAG

A3. Protein Sequences

>gene1

MLARALLLCAVLALSHTANPCCSHPCQNRGVCMSVGFDQYKCDCTRTGFYGENCSTPEFL
TRIKLFLKPTPNTVHYILTHFKGFWNVVNNIPFLRNAIMSYVLTSRSHLIDSPPTYNADY
GYKSWEAFSNLSYYTRALPPVPDDCPTPLGVKGKKQLPDSNEIVEKLLLRRKFIPDPQGS
NMMFAFFAQHFTHQFFKTDHKRGPAFTNGLGHGVDLNHIYGETLARQRKLRLFKDGKMKY
QIIDGEMYPPTVKDTQAEMIYPPQVPEHLRFAVGQEVFGLVPGLMMYATIWLREHNRVCD
VLKQEHPEWGDEQLFQTSRLILIGETIKIVIEDYVQHLSGYHFKLKFDPELLFNKQFQYQ
NRIAAEFNTLYHWHPLLPDTFQIHDQKYNYQQFIYNNSILLEHGITQFVESFTRQIAGRV
AGGRNVPPAVQKVSQASIDQSRQMKYQSFNEYRKRFMLKPYESFEELTGEKEMSAELEAL
YGDIDAVELYPALLVEKPRPDAIFGETMVEVGAPFSLKGLMGNVICSPAYWKPSTFGGEV
GFQIINTASIQSLICNNVKGCPFTSFSVPDPELIKTVTINASSSRSGLDDINPTVLLKER
STEL