

Trabalho Prático I

Needleman-Wunsch

Bioinformática

Gabriel Victor Carvalho Rocha

gabrielcarvalho@dcc.ufmg.br - 2018054907

1. Instruções

O trabalho está implementado em dois arquivos:

Em `globais.py` há uma constante que representa a penalidade de indel (fixada em 0) e um dicionário constante que representa a matriz BLOSUM62.

Já em `main.py` há todo o código que realiza o alinhamento.

Para executar basta digitar o comando:

```
python main.py <arq1>.<ext> <arq2>.<ext> [-i]
```

Onde `<arq1>` e `<arq2>` são os nomes dos arquivos que contém as sequências que serão passadas como argumentos e `<ext>` é a extensão do arquivo (fasta, txt e etc).

O argumento `[-i]` é opcional, quando utilizado irá imprimir a matriz.

Exemplo:

`python main.py test/ex3-1.fasta test/ex3-2.fasta -i`, para executar o exemplo 3 que está no enunciado do trabalho e imprimir a matriz do alinhamento.