R-PL4

Gabriel López, Sergio Sanz, Álvaro Zamorano

12 de noviembre de 2019

1. Ejercicio realizado en clase.

A partir del siguiente conjunto de calificaciones académicas, pertenecientes a dos grupos de alumnos (mañana y tarde), formados por dos notas: teoría y laboratorio, las notas de teoría y laboratorio tendrán valores entre 0 y 5, realizar un análisis de clasificación no supervisada utilizando el algoritmo **K-Means**.

Alumno	Teoría	Laboratorio
A1	4	4
A2	3	5
A3	1	2
A4	5	5
A5	0	1
A6	2	2
A7	4	4
A8	2	1

En primer lugar se introducirán los datos en forma de matriz y se hará la traspuesta de esta.

	[,1]	[,2]
[1,]	4	4
[2,]	3	5
[3,]	1	2
[4,]	5	5
[5,]	0	1
[6,]	2	2
[7,]	4	5
[8,]	2	1

En primer lugar se deben seleccionar el número de clusters en los que se van a agrupar los datos, en este caso serán 2. Además es necesario indicar los

centroides iniciales de cada uno de ellos, en este caso son $C1\{0,1\}$ y $C2\{2,2\}$. Todo ello es elegido de forma arbitraria.

Introducimos los centroides en una matriz y se realiza la traspuesta.

```
> c<-matrix(c(0,1,2,2),2,2)
> (c<-t(c))

[,1] [,2]
[1,] 0 1
[2,] 2 2</pre>
```

La función K-Means se encuentra en el paquete stats. Dicho paquete se carga por defecto al arrancar R; para comprobarlo se hace uso de la función search().

> search()

Por último hacemos uso de la función y obtenemos los centroides finales. Indicamos que el número máximo de iteraciones es 4.

```
> (clasificacionns<-kmeans(m,c,4))</pre>
```

K-means clustering with 2 clusters of sizes 4, 4

```
Cluster means:

[,1] [,2]

1 1.25 1.50

2 4.00 4.75

Clustering vector:
```

[1] 2 2 1 2 1 1 2 1

Within cluster sum of squares by cluster:

```
[1] 3.75 2.75
(between_SS / total_SS = 84.8 %)
```

Available components:

```
[1] "cluster" "centers" "totss" "withinss" "tot.withinss" [6] "betweenss" "size" "iter" "ifault"
```

Los resultados obtenidos son los mismos que los de clase, es decir, $C1\{1.25,1.5\}$ y $C2\{4,4.75\}$.

A continuación usaremos los clusters obtenios para separar los datos de la muestra en dos grupos. Para ello se hace uso de la función cbind la cuál añade (por delante) una columna a la matriz de datos. Dicha columna se corresponde con la clasificación obtenida, será 1 ó 2 dependiendo del cluster al que pertenezca cada muestra.

> (m = cbind(clasificacionns\$cluster,m))

```
[,1] [,2] [,3]
[1,]
         2
[2,]
         2
                     5
               3
[3,]
         1
               1
                     2
[4,]
         2
               5
                     5
[5,]
         1
               0
                     1
[6,]
               2
                     2
[7,]
         2
               4
                     5
[8,]
         1
               2
                     1
```

Una vez se tiene el cluster al que pertenece cada muestra, se separa la matriz siguiendo el criterio anterior.

```
> mc1=subset(m,m[,1]==1)
> mc2=subset(m,m[,1]==2)
```

Por último, limpiamos la columna introducida para el fin buscado y mostramos los dos conjuntos de datos clusterizados.

```
[,1] [,2]
[1,] 1 2
```

> (mc1=mc1[,-1])

[2,] 0 1

[3,] 2 2 [4,] 2 1

> (mc2=mc2[,-1])

[,1] [,2]
[1,] 4 4
[2,] 3 5
[3,] 5 5
[4,] 4 5

Se puede observar que las muestras 3,5,6,8 pertenecen al mismo grupo, mientras que las muestras 1,2,4,7 se encuentran en el restante.

2. Desarrollo por parte del alumno.