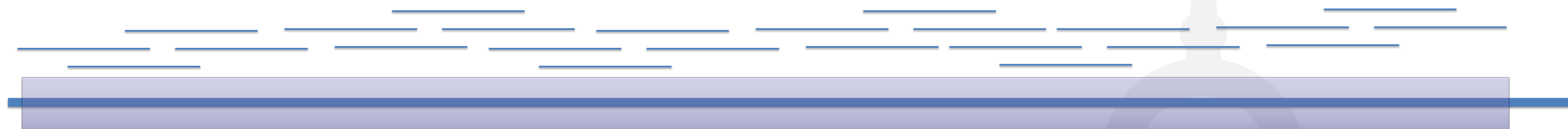


- A profundidade e cobertura podem falar sobre a qualidade da sua montagem.



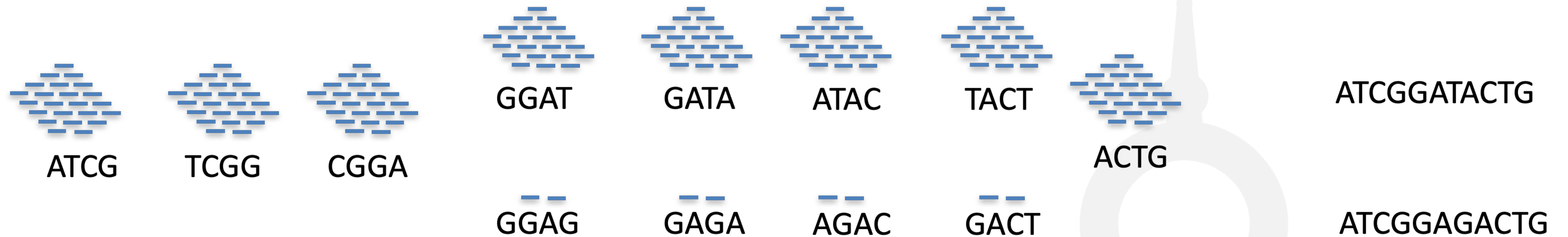
- Alta cobertura = provavelmente válido



- Baixa cobertura = possível artefato

# E um metagenoma?

- Montagem
  - Precisa considerar todas as variantes



- Identificação de genes
  - Identifica regiões codificantes independentes da informação do codon usage.
    - MetaGeneMark: Modelo HMM.
    - Prodigal: método de aprendizado incremental.
- Limitação: Superestimação de contigs e genes.