




Key specifications				
	<u>NextSeq 1000 and 2000 Systems</u>	<u>NovaSeq 6000 System</u>	<u>NovaSeq X Series</u>	
	Max output per flow cell	540 Gb ^a	3 Tb ^b	8 Tb ^c
	Run time (range) ^d	~8–44 hr	~13–44 hr	~17–48 hr
	Max reads per run (single reads)	1.8B ^a	10B (single flow cell) ^b 20B (dual flow cells) ^b	26B (single flow cell) ^c 52B (dual flow cells) ^{c,e}
Max read length	2 × 300 bp	2 × 250 bp	2 × 150 bp	

Pra que tanto?

- Cada read é uma evidência de observação biológica:
 - Expressão de um gene
 - Existência de mutação
- Quanto mais evidências, maior o suporte para as inferências.

```
##gff-version 3
ctg123 . mRNA                1300   9000   .   +   .   ID=mrna0001;Name=sonichedgehog
ctg123 . exon                 1300   1500   .   +   .   ID=exon00001;Parent=mrna0001
ctg123 . exon                 1050   1500   .   +   .   ID=exon00002;Parent=mrna0001
ctg123 . exon                 3000   3902   .   +   .   ID=exon00003;Parent=mrna0001
ctg123 . exon                 5000   5500   .   +   .   ID=exon00004;Parent=mrna0001
ctg123 . exon                 7000   9000   .   +   .   ID=exon00005;Parent=mrna0001
```

