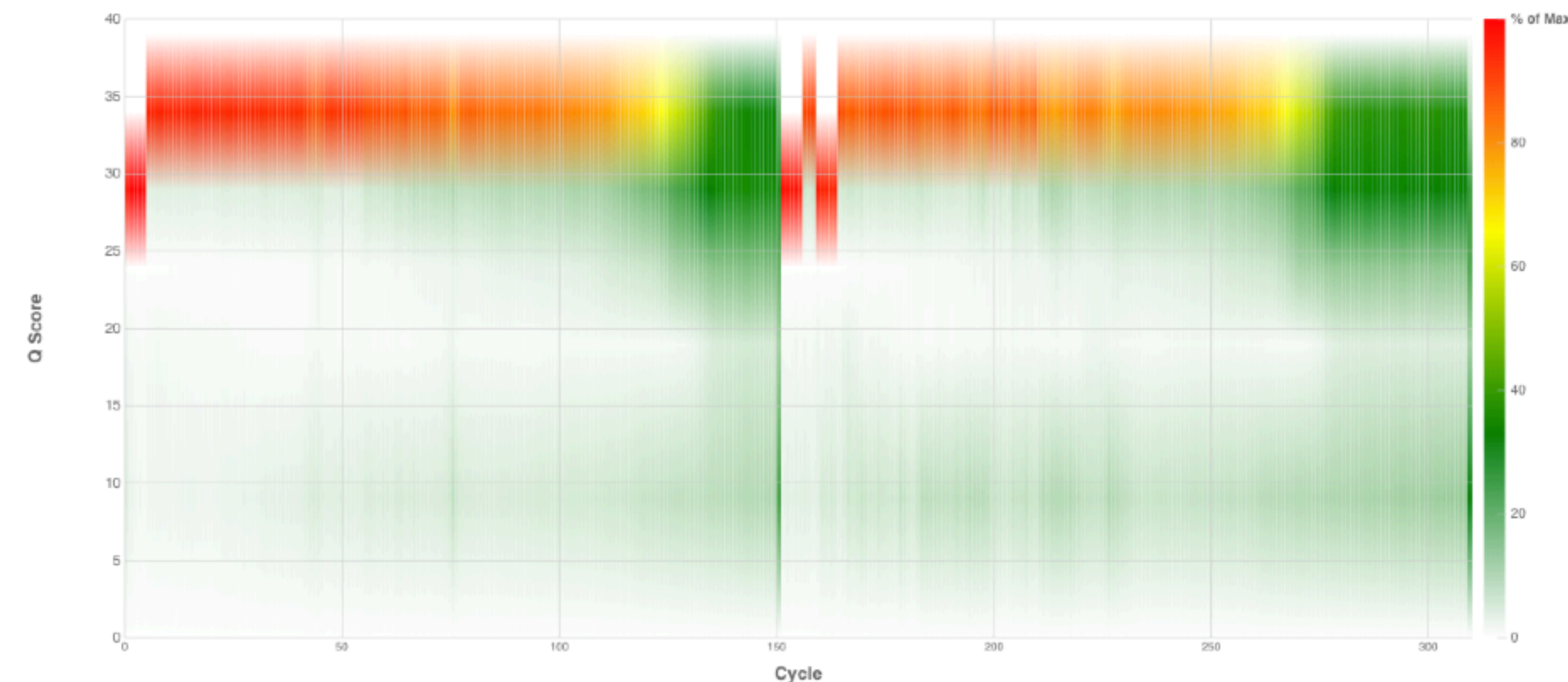
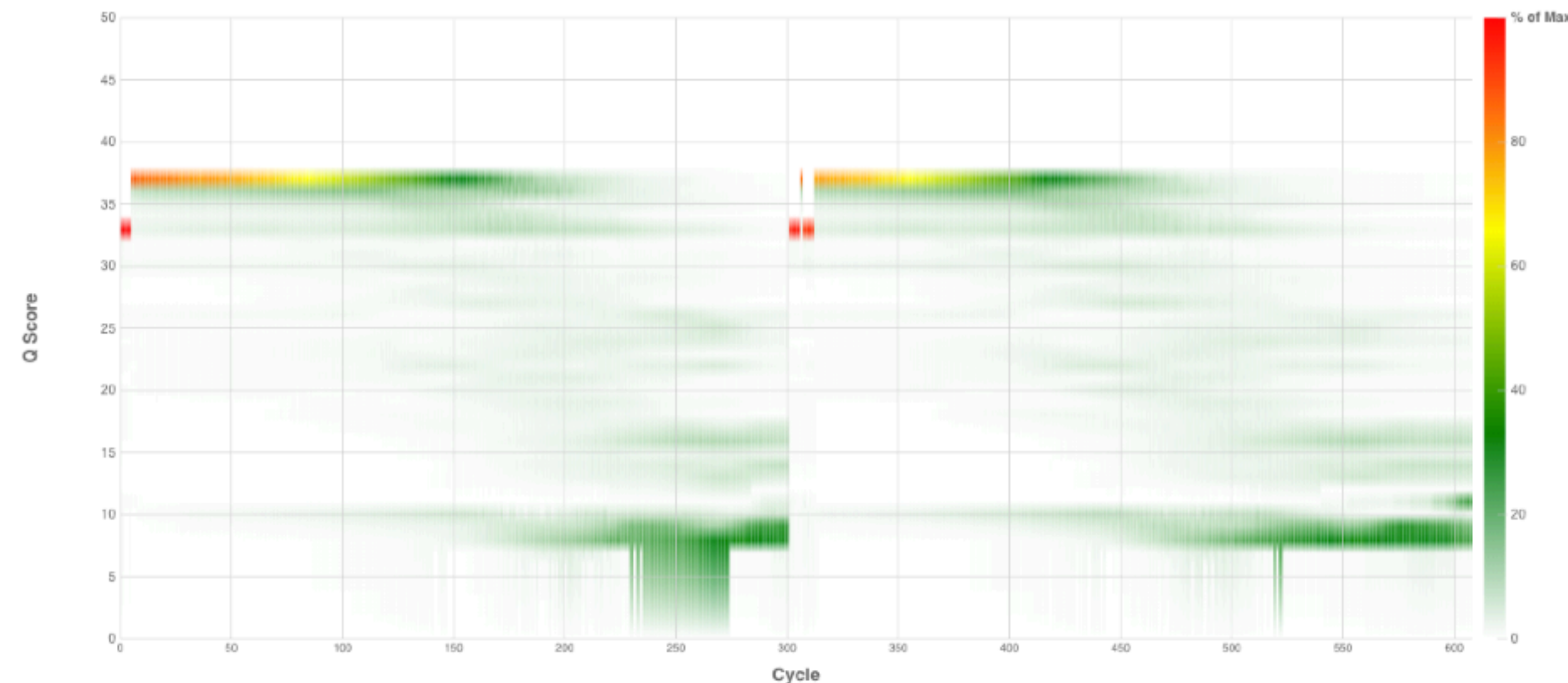


- Qualidade das sequências.
 - Identificação de variante: qualquer erro é relevante.
 - Contagem de transcritos: Não tem tanto impacto.
 - Objetivos diferentes demandam abordagens diferentes



Mapeamento múltiplo

- Genes com múltiplas cópias tem pressão seletiva diferente.
- Sujeitos a acumular variações.
- O gene é 