



Instituto
René Rachou
FIOCRUZ MINAS

Avioblast

- Alinhamento final:
- E que venha a próxima sequência

YTC SWPFTK-HGQDNRYKNKWPRARCW

|||||X|||||::|||XX|||

Score: 125 bits

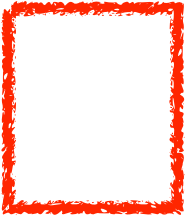
YTC SWPFTKIHGQDNRYKLLWPR--CW

MTYDGA LPRQRTYTC SWPFTKHGQDNRYKNKWPRA RCGK YTHRQ

G A P F T K I H G Q D N R Y K L L W P R C W G A M T

PARANGAKIRIRQARW

GIVE ME A PRINCE AND ME A







- Alinhamento final:

```
YTCSWPFTK-HGQDNRYKNKWPRARCW
|||||||X|||||::|||XX||
YTCSWPFTKIHGQDNRYKLLWPR--CW
```

Score: 125 bits

- E que venha a próxima sequência

```
MTYDGALPQRTYTCSWPFTKHGQDNRYKNKWPRARCWPCAGKYTHRQ
GAPFTKIHGQDNRYKLLWPRCWGAMT
```



- Comparação de caracteres

Caracteres da sequência de entrada	Caracteres da sequência no banco de dados	Caracteres em que as sequências serão comparadas	Programa
Nucleotídeos	Nucleotídeos	Nucleotídeos	blastn
Aminoácidos	Aminoácidos	Aminoácidos	blastp
Nucleotídeos	Aminoácidos	Aminoácidos	blastx
Aminoácidos	Nucleotídeos	Aminoácidos	tblastn
Nucleotídeos	Nucleotídeos	Aminoácidos	tblastx

- Comparando caracteres diferentes