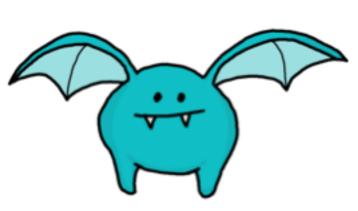




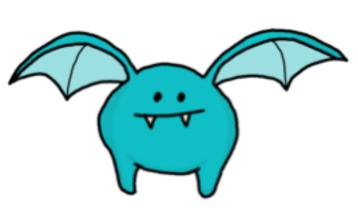
Mapeamento múltiplo

 Identificação de variantes Inferência de variante de gene que na verdade vem de outra cópia do gene.

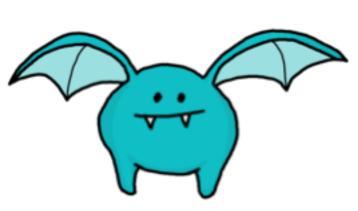






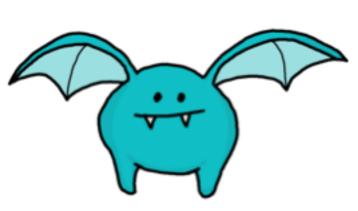
















Locus 1: Heterozigoto:



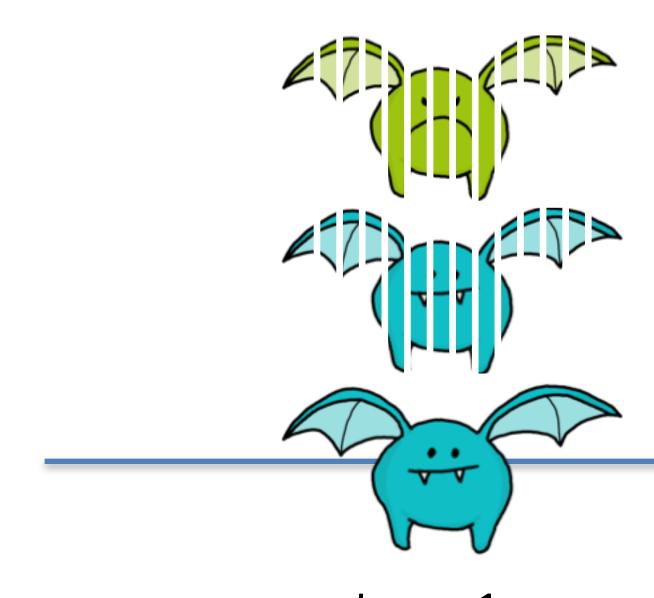


Locus 2: Heterozigoto:

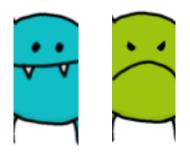
Mapeamento múltiplo

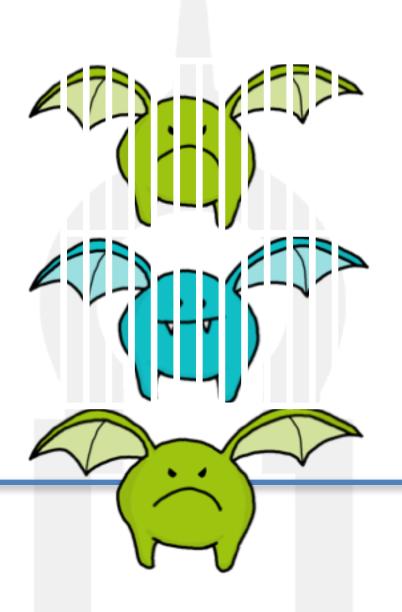


- Identificação de variantes
 - Inferência de variante de gene que na verdade vem de outra cópia do gene.

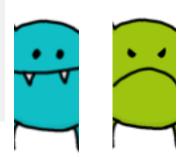


Locus 1: Heterozigoto:





Locus 2: Heterozigoto:



Ferramenta



- Identificação de variantes:
 - Poucos falso positivos
 - Alinhamento global (identifica indel)
- Quantificação:
 - Alta sensibilidade
 - Alinhamento local (splice aware)

