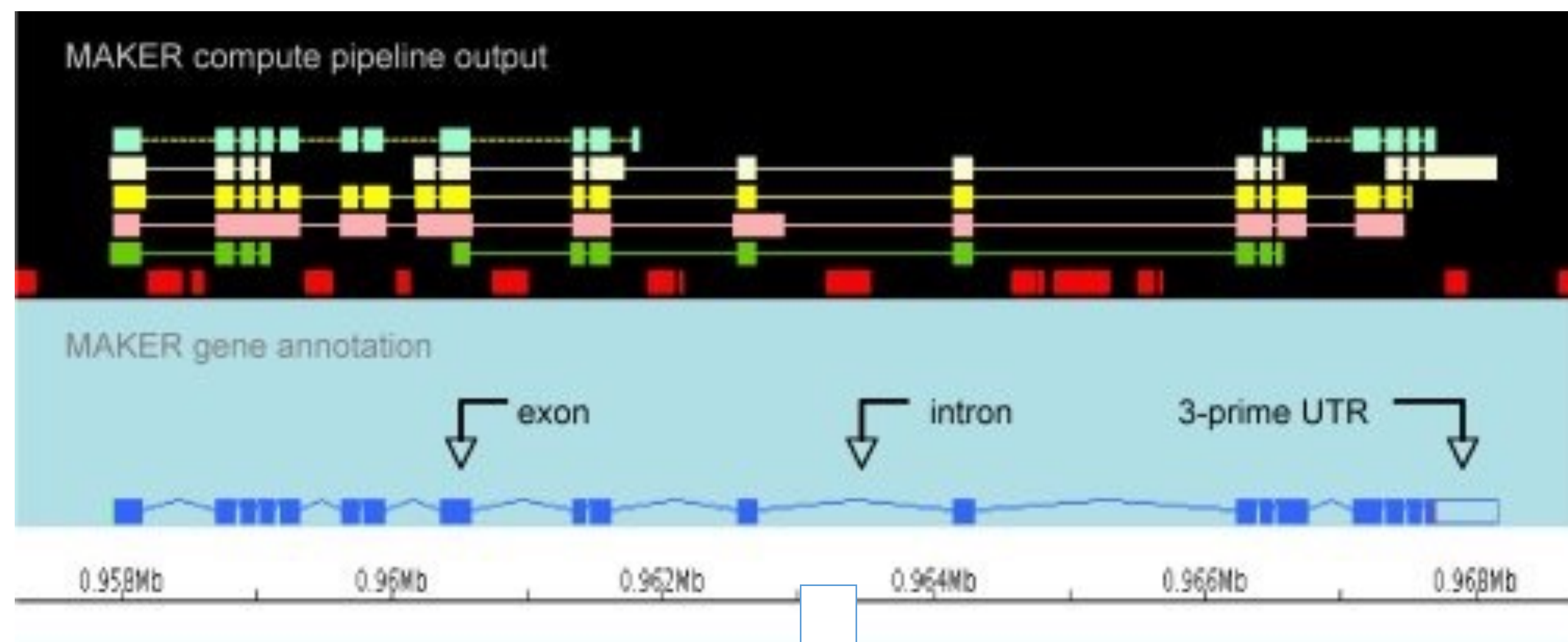


- Identificar componentes nos genomas montados:

- Genes
- Promotores
- Introns
- Exons



- Classificação funcional



- Predição ab initio
  - SNAP
  - GeneMark
  - Prodigal
  - Augustus
- Predição por evidências
  - Organismos próximos
  - RNA-Seq

