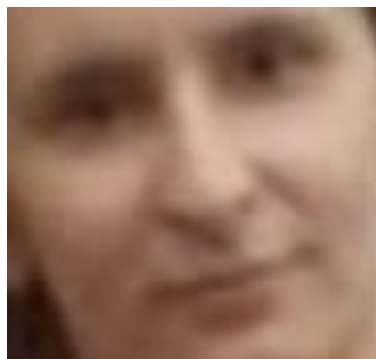


# Homologia por alinhamento local





- A sua inferência deve ser analisada caso a caso.
- Cobertura: proteína completa ou domínio conservado?



- Bitscore
- E-value: reflete quanto aleatório pode ser seu hit.
- Similaridade: porcentagem de matches entre as duas sequências.
- Proteínas tem função conservada mesmo em similaridade baixa.