

- No exemplo da tabela, comparamos Experimento Vs. Controle:
 - Gene C e E são expressos duas vezes mais no Exp que em Ctrl.
 - Gene D é menos expresso no Exp.
- Comparações de um mesmo gene em diferentes condições não demanda normalização por tamanho do gene ou número de cópias: o genoma referência é o mesmo para todos.
- A significância estatística vai ser dada pela contagem absoluta de evidências
- Ferramentas: DESeq2 e edgeR

	Ctrl 1	Ctrl 2	Ctrl 3	Exp 1	Exp 2	Exp 3
A	5	3	12	8	6	15
B	16	25	35	20	20	25
C	10	15	3	25	40	29
D	750	500	500	300	410	380
E	1504	1005	1030	4028	3021	2300

- Mapear ou não mapear?
 - STAR/HiSat2 (splice aware)
 - Salmon
- Normalizar ou não normalizar?
 - TPM, FPKM
- Qual teste usar?
 - Wald (DESeq2)
 - GLM (edgeR)
 - Wilcoxon, t

