

Sequenciamento de RNA

Gabriel da Rocha Fernandes, PhD

Pesquisador

Instituto René Rachou - Fiocruz Minas

- Descritivo:
 - Descrever o repertório de genes transcritos em um tecido.
 - Identificar RNA com potencial regulatório. ex: miRNA
 - Descrever a disposição da expressão dos genes em um tecido (Spatial)
 - Comparar o papel de diferentes células em um tecido (scRNAseq)
- Quantitativo:
 - Observar evidências da expressão de um gene.