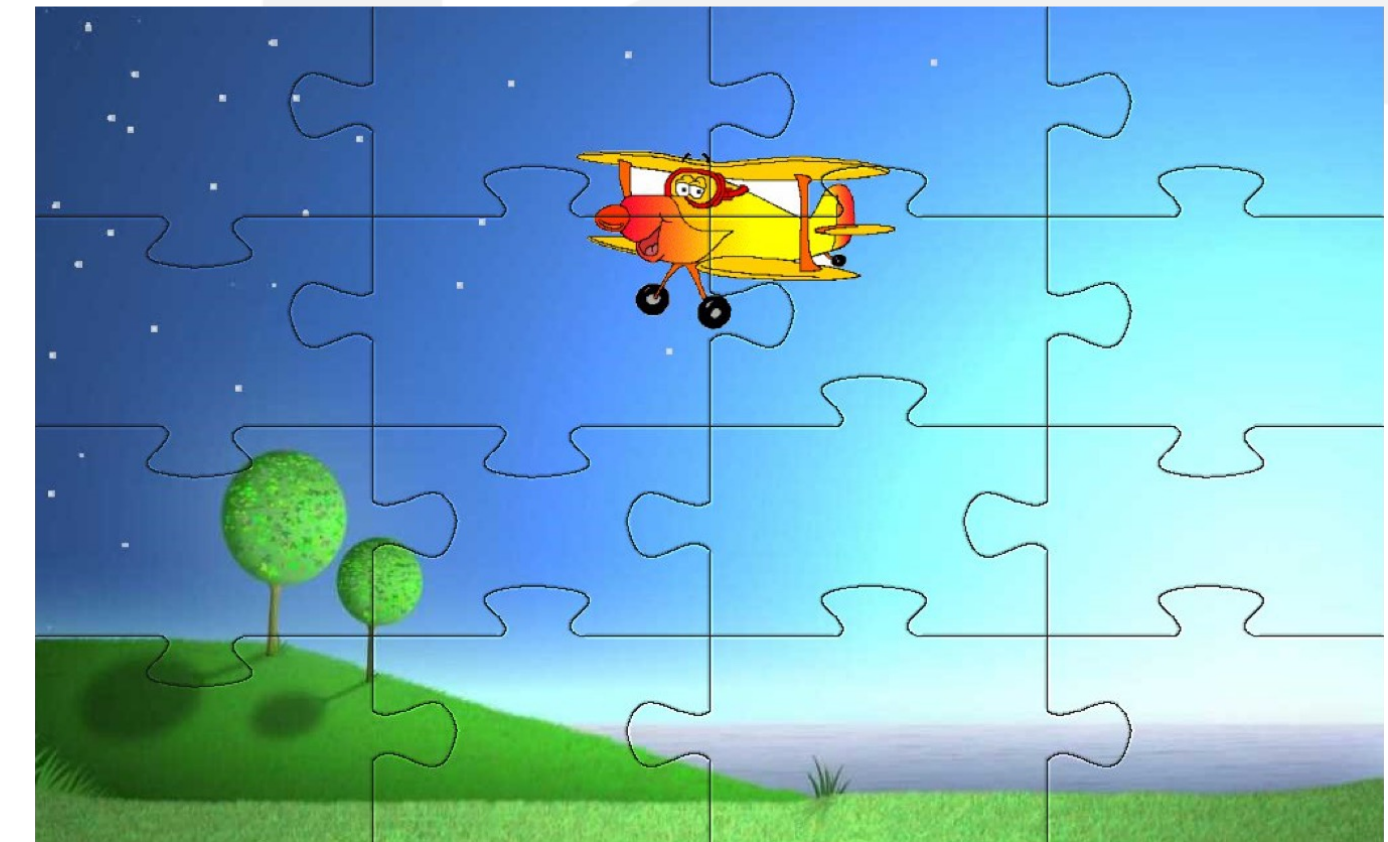
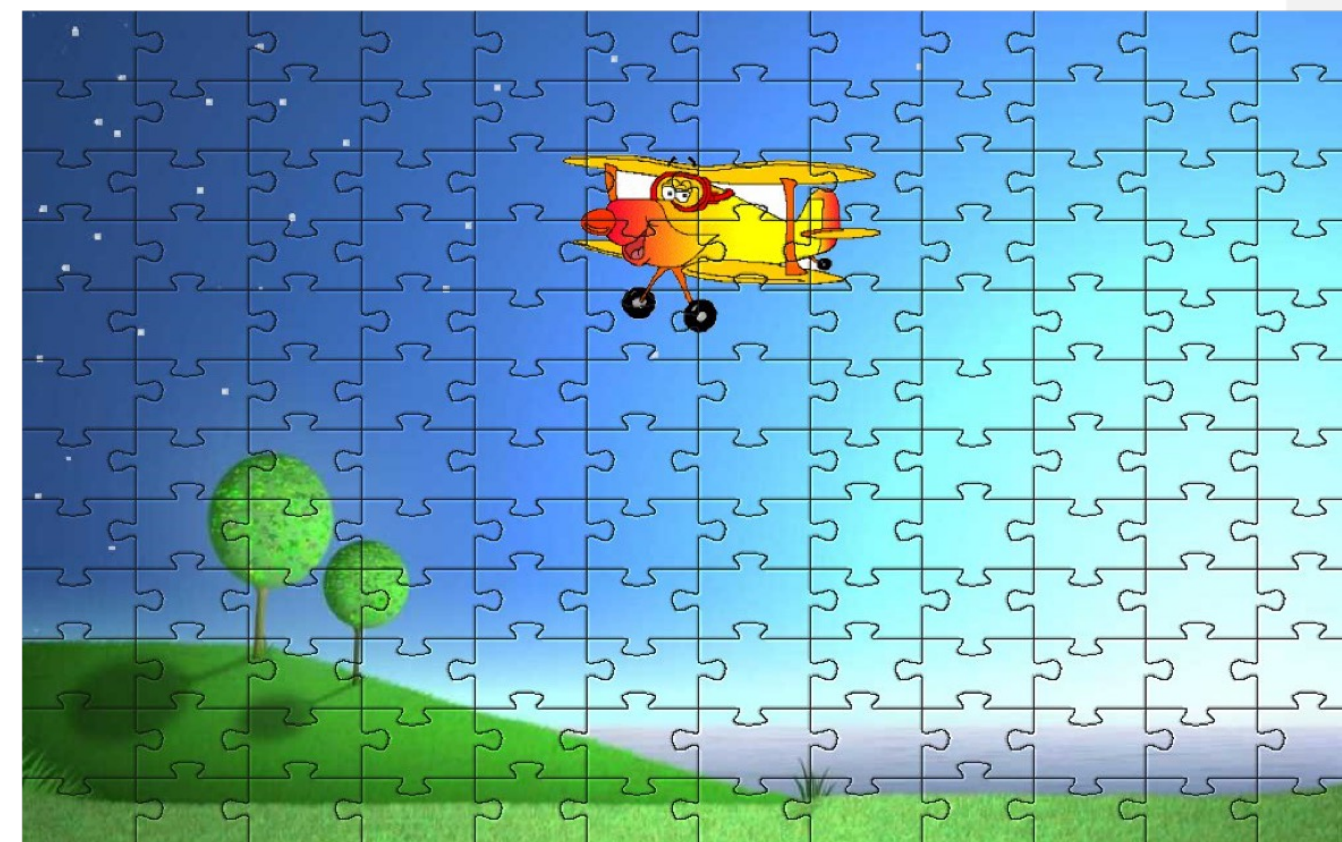
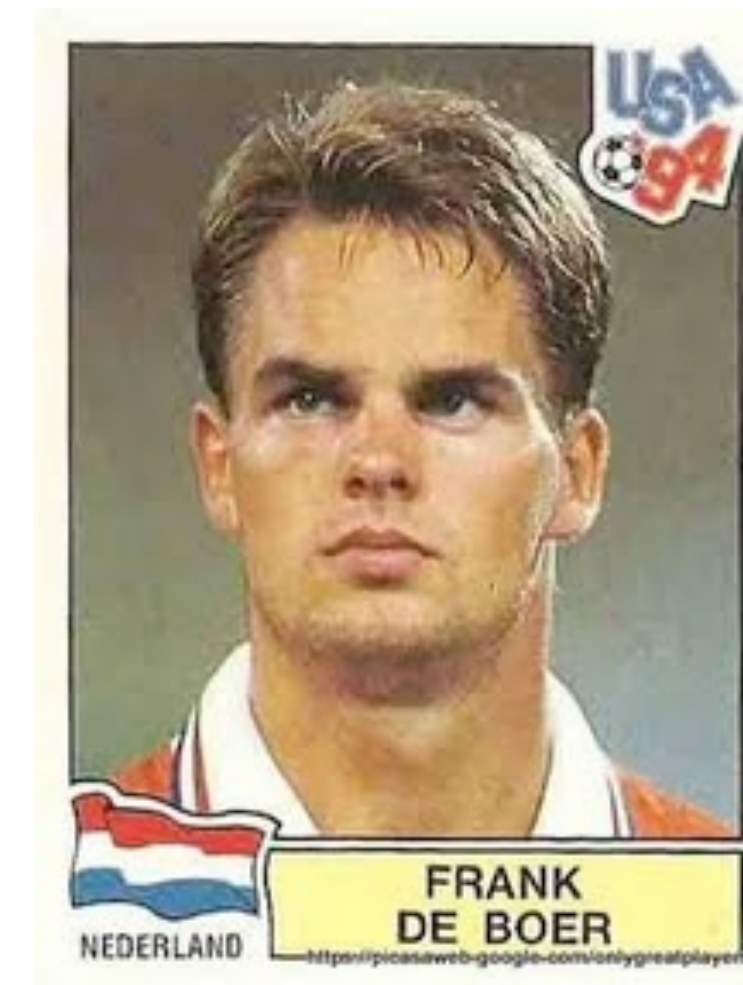


Problemas

- Sequências ambíguas:
 - Regiões de repetição
 - Domínios conservados dos genes
- O montador não sabe quem é o “dono”
- Tamanho dos reads
 - Reads curtos (quantificação)
 - Reads longos (caracterização)



“Contaminações”

- Sequenciar organismos que não são alvos do estudo
- Montagem de sequências quiméricas
- Diminui a cobertura dos genomas alvo

