

- No exemplo da tabela, o Gene E tem duas vezes mais reads que o Gene D:
 - Gene E é expresso duas vezes mais que o Gene D.
 - Ambos os genes se expressam na mesma intensidade, mas o Gene E é duas vezes maior que o Gene D.
 - Ambos os genes tem o mesmo tamanho e se expressam na mesma intensidade, mas o Gene D tem um parálogo no genoma ao qual metade dos seus reads foram mapeados.
- Comparações de genes diferentes dentro das amostras demandam essas considerações

	Repl. 1	Repl. 2	Repl. 3
Gene A	5	3	12
Gene B	16	25	35
Gene C	10	15	3
Gene D	750	500	500
Gene E	1504	1005	1030

- No exemplo da tabela, comparamos Experimento Vs. Controle:
 - Gene C e E são expressos duas vezes mais no Exp que em Ctrl.
 - Gene D é menos expresso no Exp.
- Comparações de um mesmo gene em diferentes condições não demanda normalização por tamanho do gene ou número de cópias: o genoma referência é o mesmo para todos.
- A significância estatística vai ser dada pela contagem absoluta de evidências
- Ferramentas: DESeq2 e edgeR

	Ctrl 1	Ctrl 2	Ctrl 3	Exp 1	Exp 2	Exp 3
A	5	3	12	8	6	15
B	16	25	35	20	20	25
C	10	15	3	25	40	29
D	750	500	500	300	410	380
E	1504	1005	1030	4028	3021	2300