

- Associar uma variante a um fenótipo

A/G

G/G

A/G

G/G

A/A

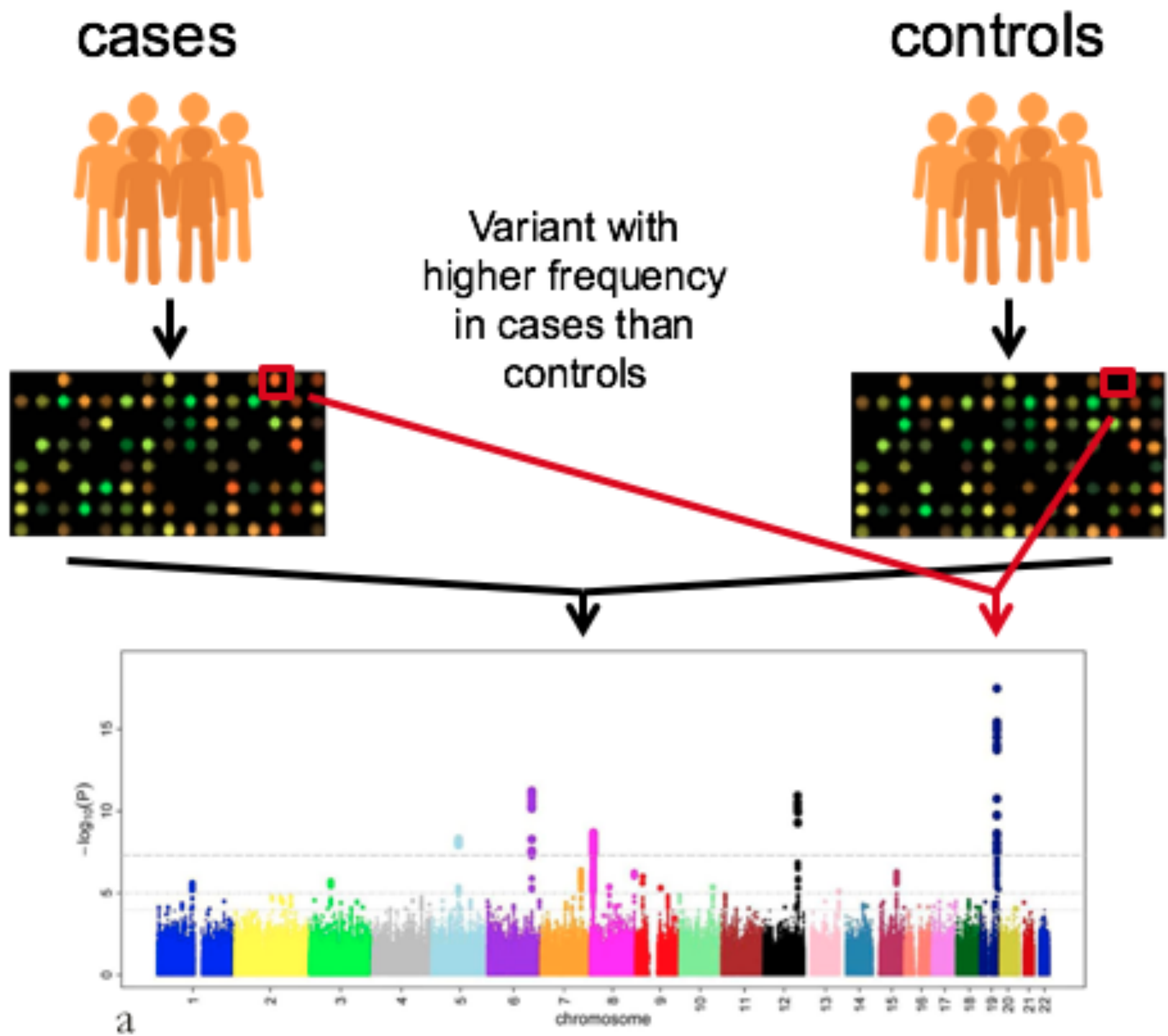
G/G

A/A

A/A

A/G

A/A



$p = 1$	G/G	Não G/G
Doente	1	4
Saudável	2	3

$p = 6e-12$	G/G	Não G/G
Doente	100	400
Saudável	200	300

- Quanto menor a associação, mais amostras necessárias.
- Quanto menor a MAF (Minor Allele Frequency), mais amostras necessárias.
- Permite identificar genes alvo.
- Desenvolvimento de drogas.

