



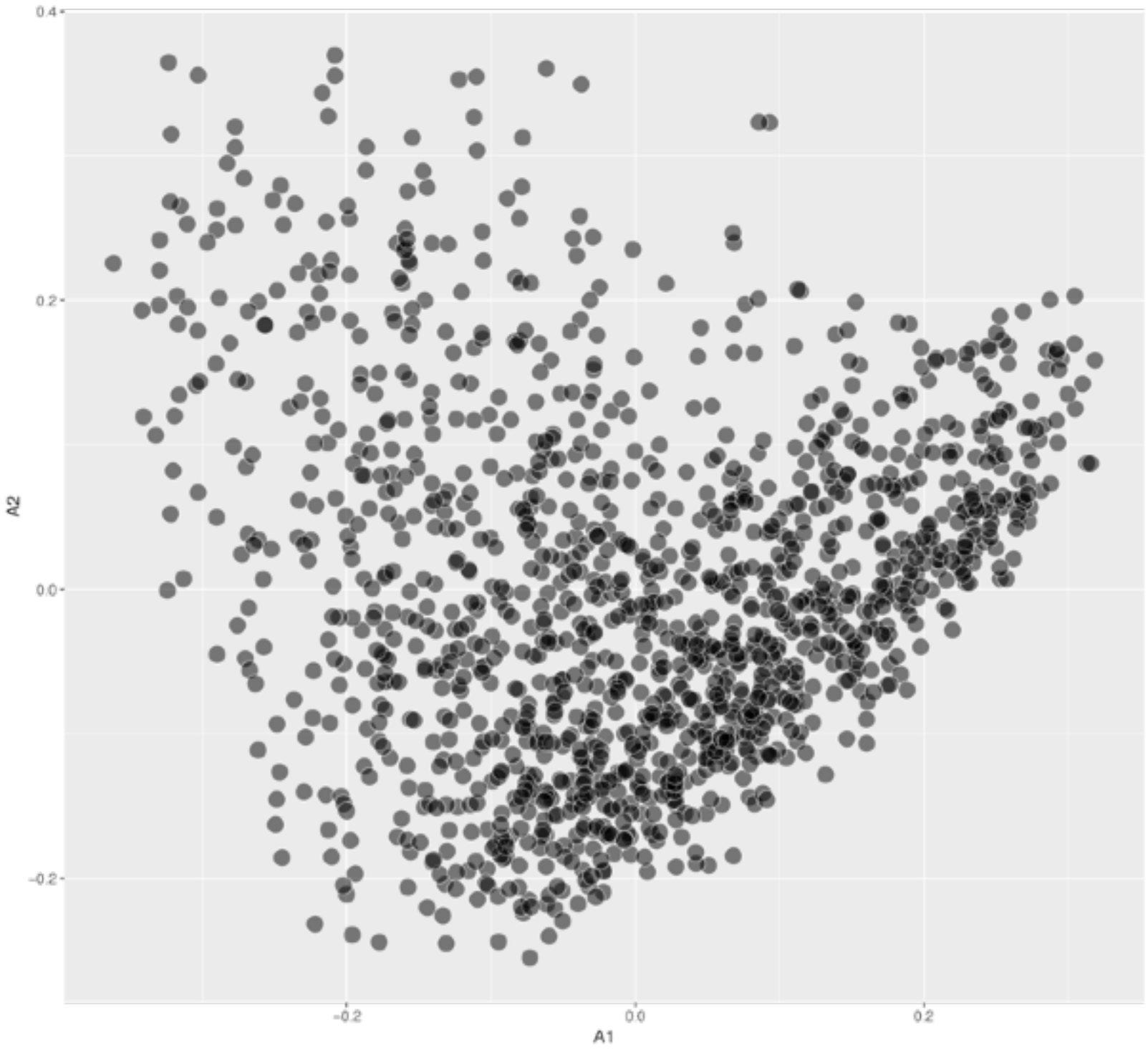
Instituto
René Rachou
FIOCRUZ MINAS

Por que tá complicado?

- Diversidade do microbioma humano enorme
- Experimentação em humanos é limitada:
 - Hábitos
 - Bases genéticas

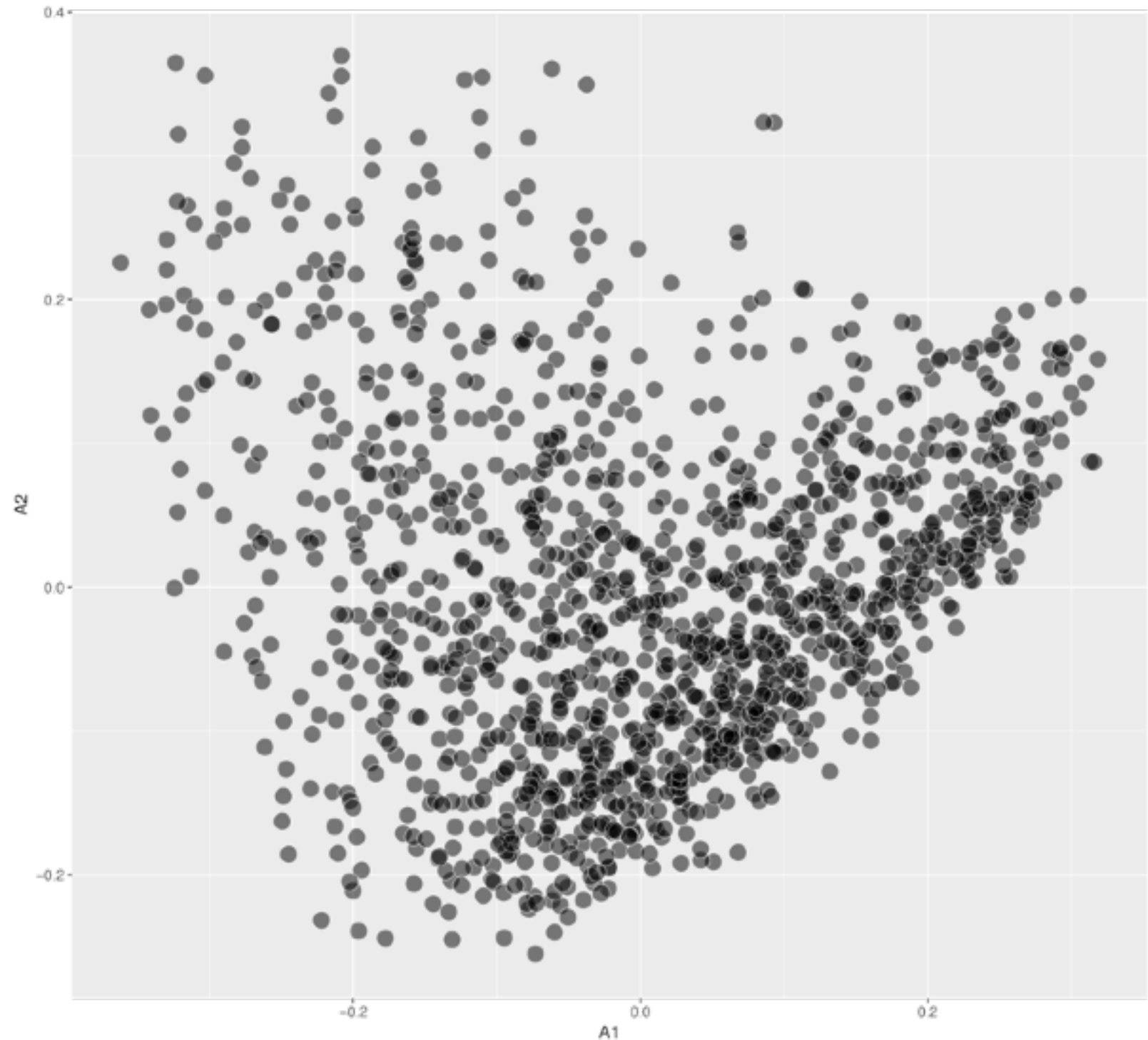
	😊			😓		
	👨	👵	👨	👩	👮	👴
Bactéria A	1205	2450	3015	5014	6523	7564
Bactéria B	2034	5624	7021	5204	4024	8953
Bactéria C	5435	2645	10256	9652	3245	8621
Bactéria D	1238	864	6018	2031	1025	986

























Por que é tão complicado?

- Diversidade do microbioma humano enorme
- Experimentação em humanos é limitada:
 - Hábitos
 - Bases genéticas



						
						
Bactéria A	1205	2450	3015	5014	6523	7564
Bactéria B	2034	5624	7021	5204	4024	8953
Bactéria C	5435	2645	10256	9652	3245	8621
Bactéria D	1238	864	6018	2031	1025	986
						
						

Genes marcadores

- Usados para classificação taxonômica
- Região conservada - primers
- Região variável - diversidade
- Exemplos: 16s rRNA, ITS, MLST
- Respostas:
 - Quantificação
 - Estrutura taxonômica
 - Diversidade

