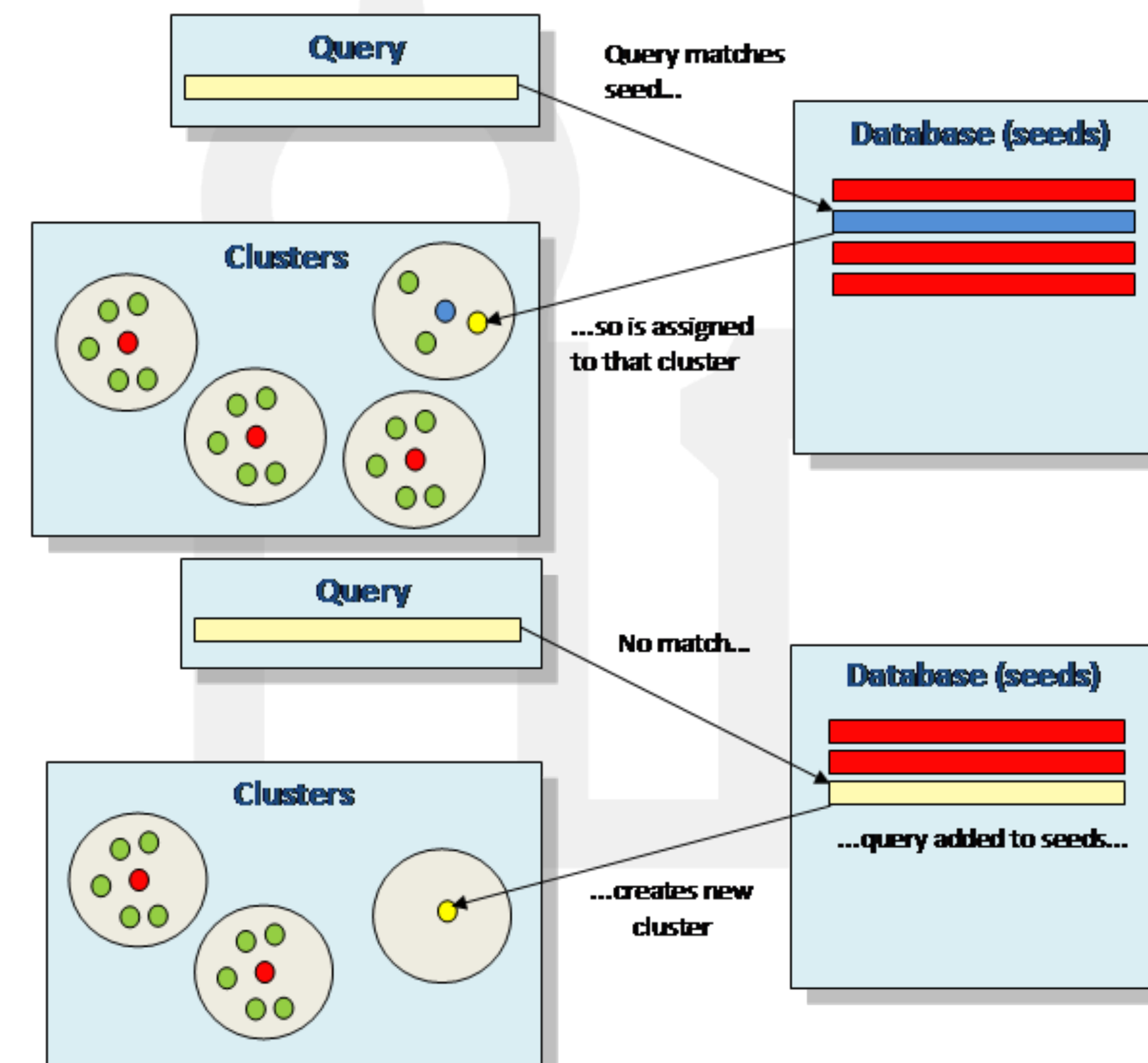
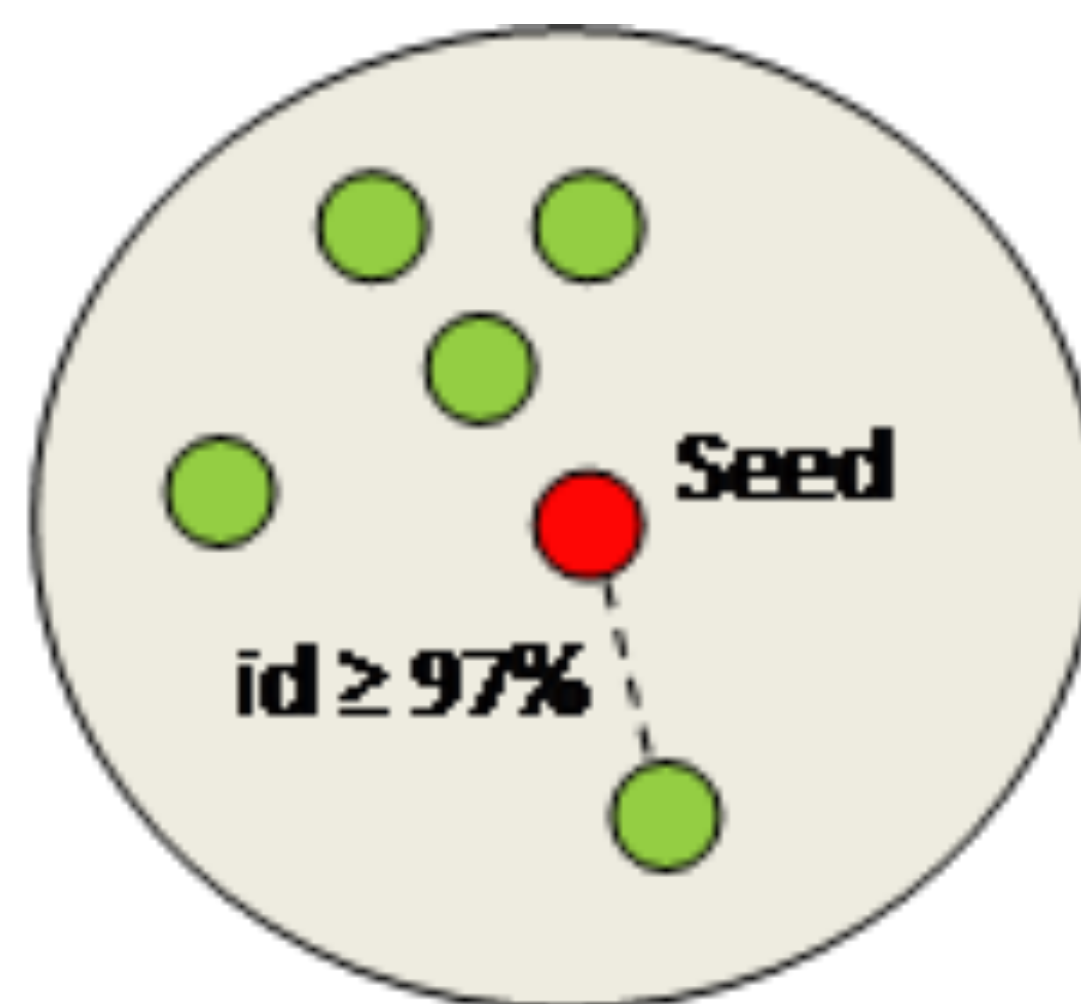
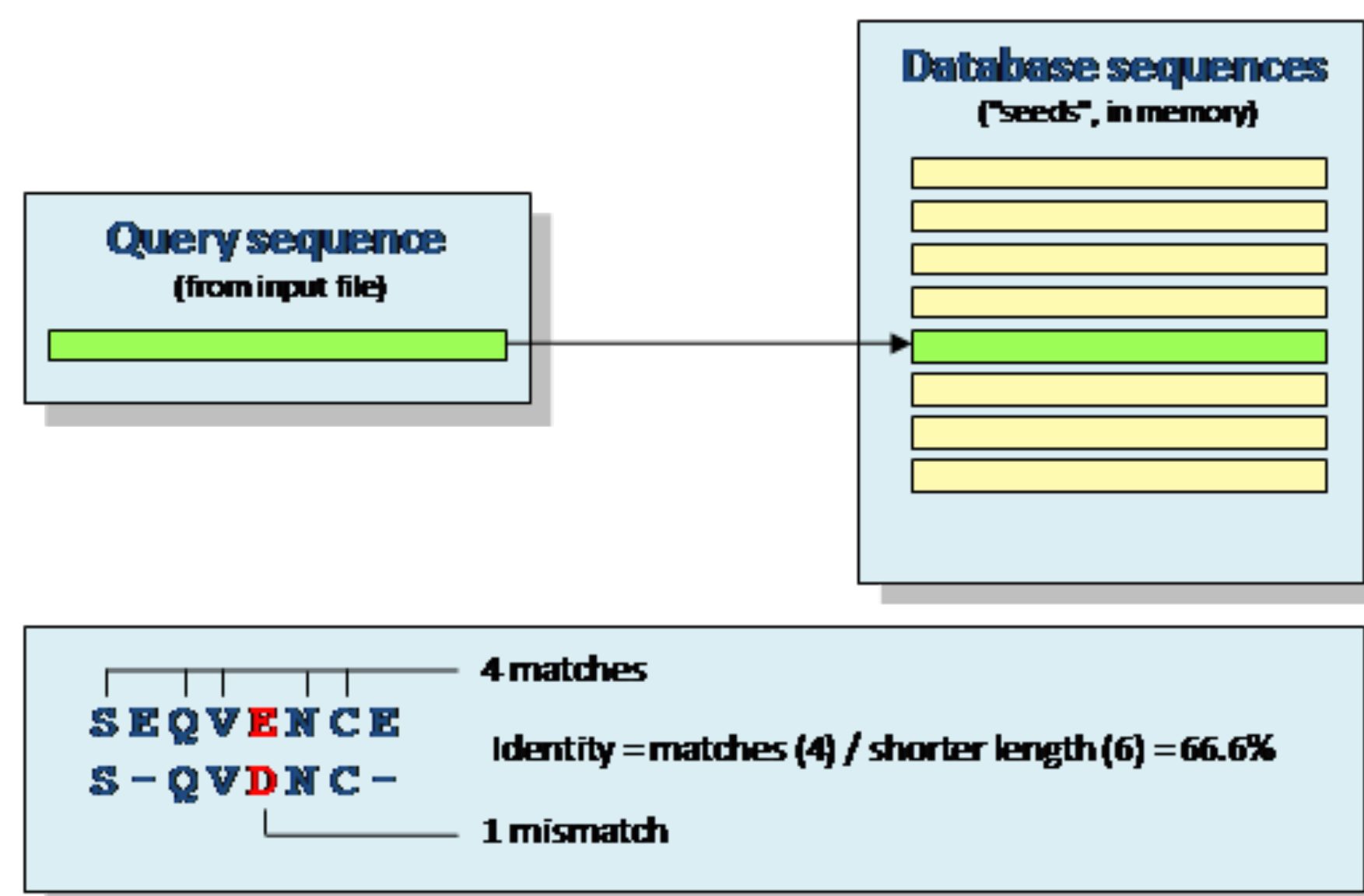


- Alinhamento simples e global
- Clusters de Unidades Taxonomicas Operacionais
- Geralmente faz-se com genes marcadores
 - 16s rRNA, 18s rRNA, MLST, ITS
- Banco de dados com taxonomia conhecida



- Alinhamento múltiplo e global
- Mesma região a ser comparada
- Cortar as diferenças é enviesar o resultado
- Reflete a evolução daquele marcador

