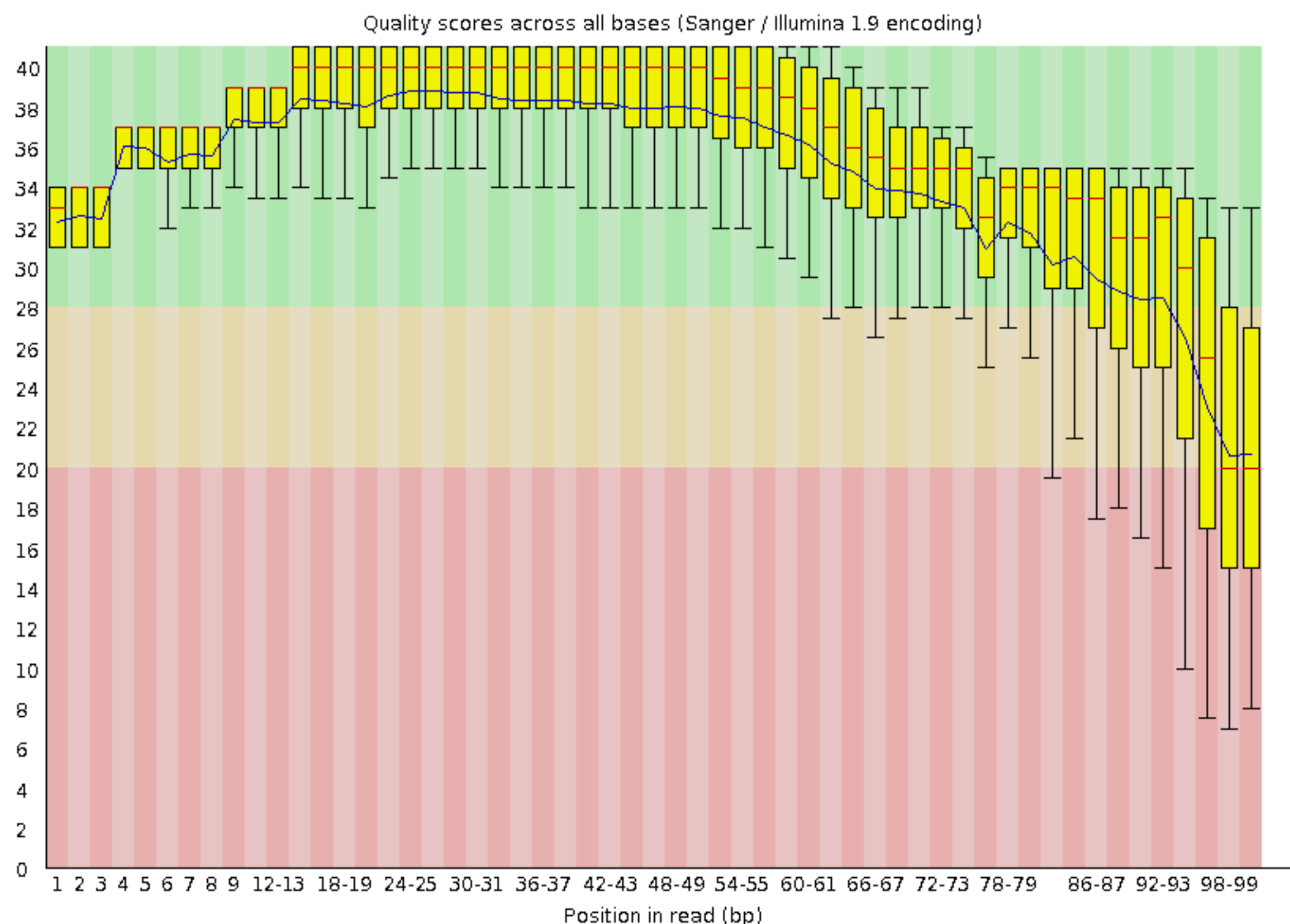


# Controle de qualidade

- Remoção de bases com grande chances de erros
- Remoção de adaptadores do sequenciamento
- Remoção de sequências de possíveis contaminantes
  - Hospedeiro
  - "Contaminante de bancada"



Genomas dos contaminantes

Filtrados

- Remover regiões de qualidade baixa
  - Evitar montagem errada
  - Evitar mapeamento impreciso.
- Remover adaptadores
  - Fragmento sequenciado é menor do que o número de bases
- Remover sequências de vetores ou hospedeiros
  - Mapeamento ao genoma de referência

