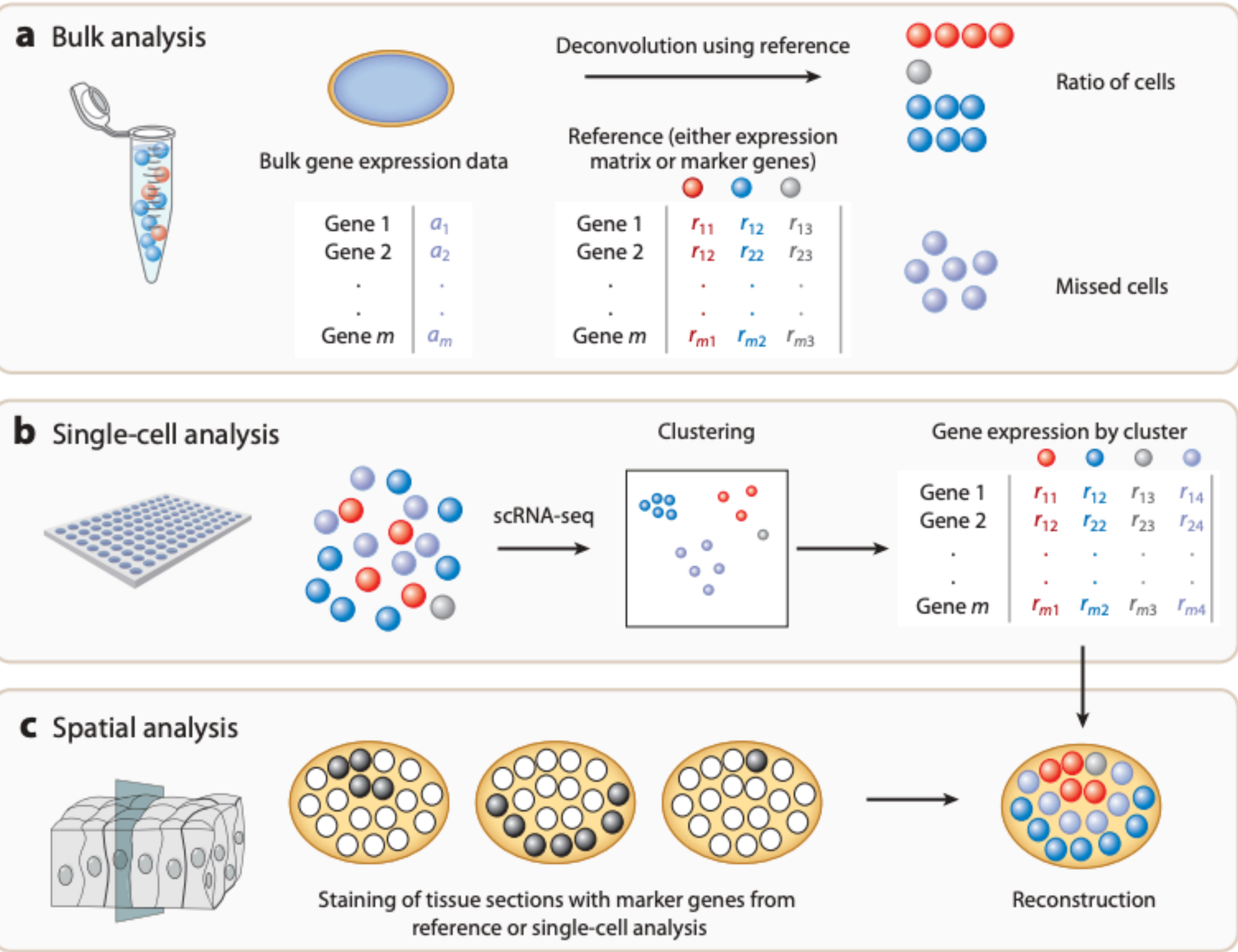
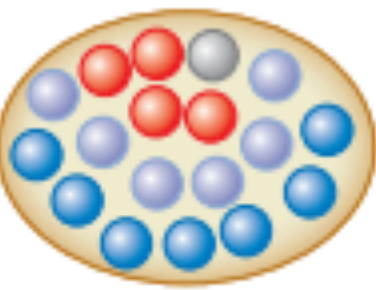


- Descritivo:
 - Descrever o repertório de genes transcritos em um tecido.
 - Identificar RNA com potencial regulatório. ex: miRNA
 - Descrever a disposição da expressão dos genes em um tecido (Spatial)
 - Comparar o papel de diferentes células em um tecido (scRNAseq)
- Quantitativo:
 - Observar evidências da expressão de um gene.

Para que serve?

Tissue sample



Annual Review of Biomedical Data Science

From Tissues to Cell Types
and Back: Single-Cell Gene
Expression Analysis of Tissue
Architecture

Xi Chen,¹ Sarah A. Teichmann,^{1,2,3}
and Kerstin B. Meyer¹

