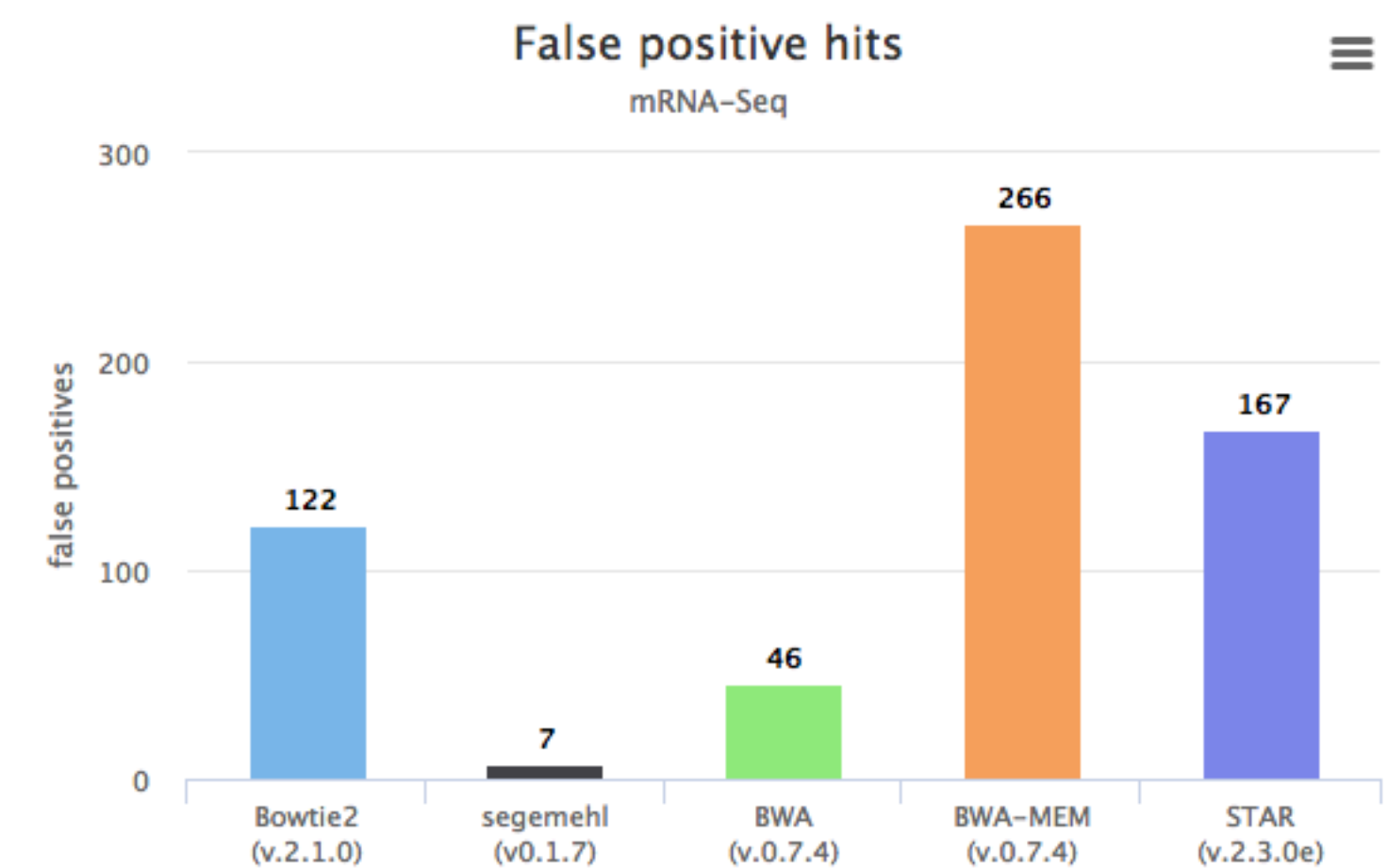
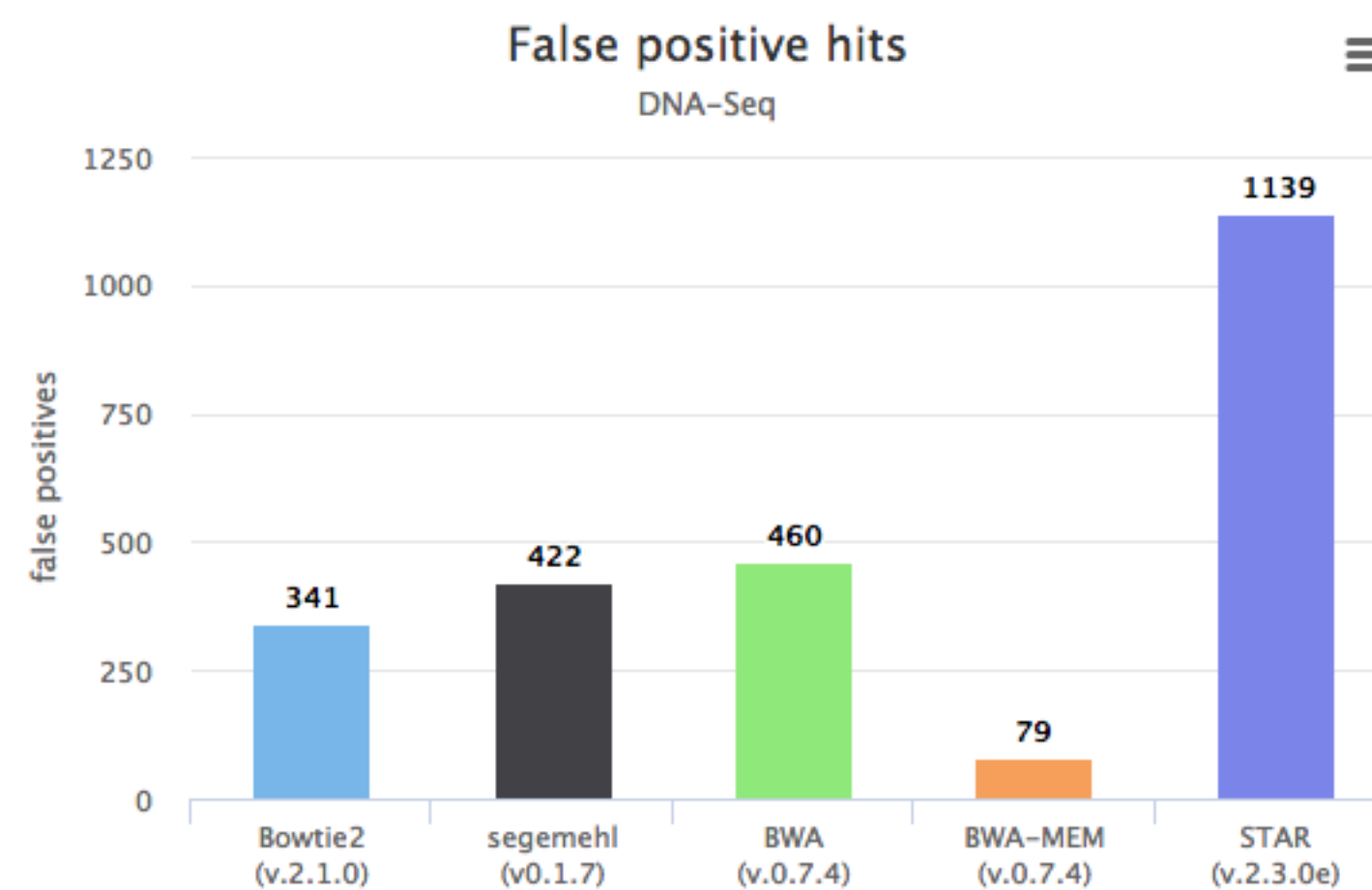
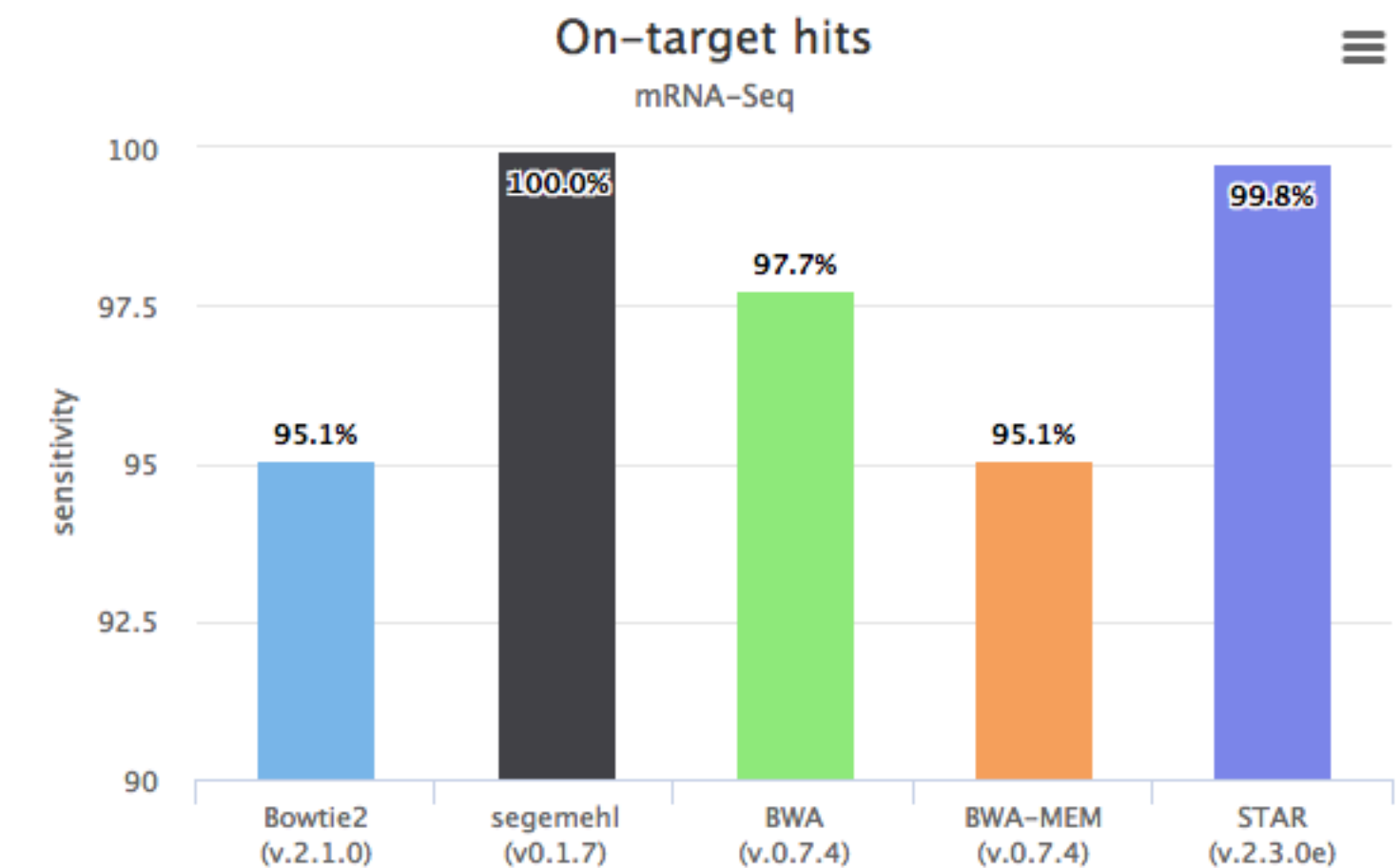
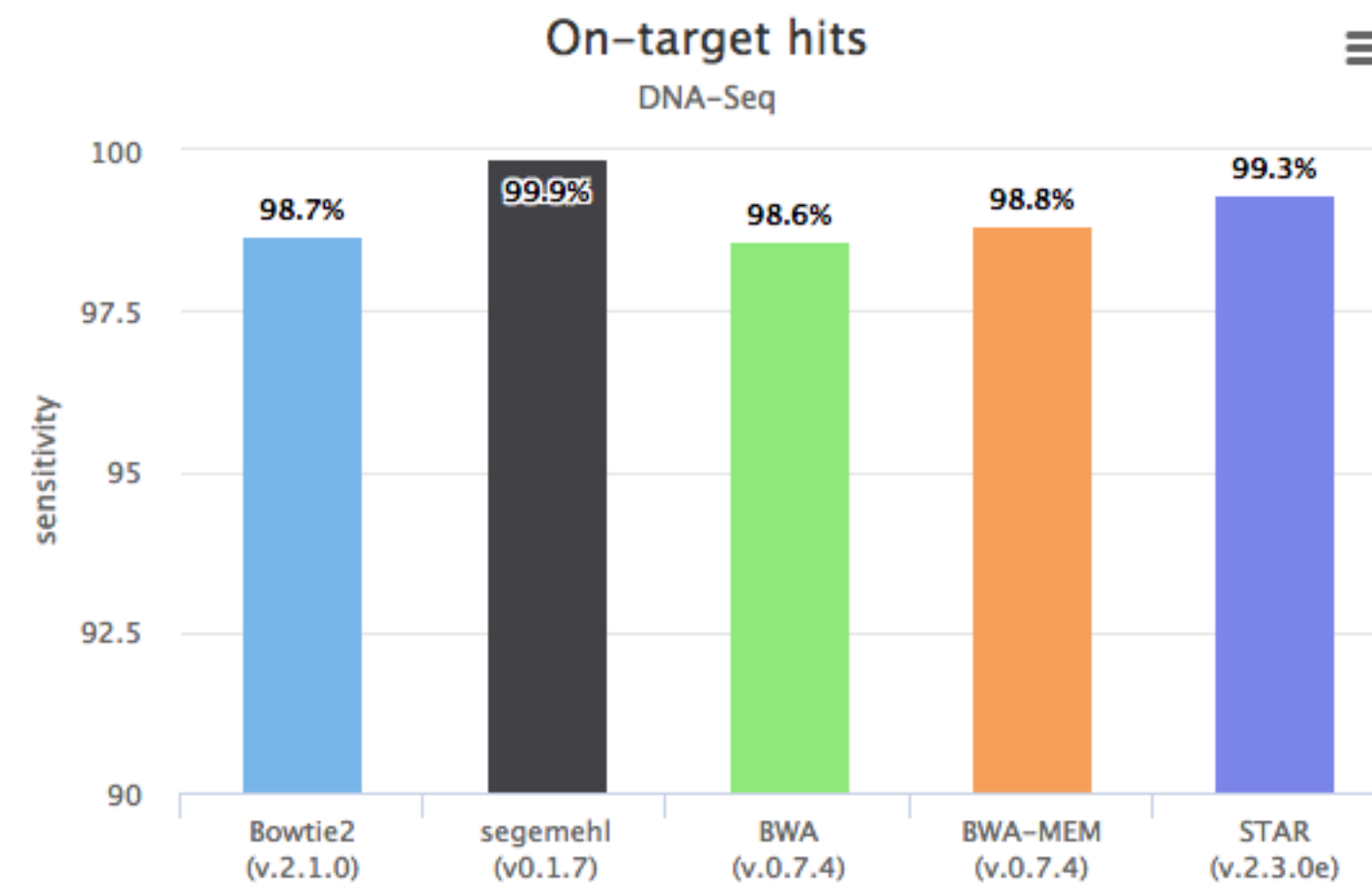


- Identificação de variantes:
 - Poucos falso positivos
 - Alinhamento global (identifica indel)
- Quantificação:
 - Alta sensibilidade
 - Alinhamento local (splice aware)



- Conhecer bem a pergunta a ser respondida:
 - Escolha do número de amostras a serem sequenciadas.
 - Escolha da plataforma de sequenciamento => profundidade
 - Escolha do mapeador.
 - Escolha da abordagem estatística.

