

- A sua inferência deve ser analisada caso a caso.
- Cobertura: proteína completa ou domínio conservado?



- Bitscore
- E-value: reflete quanto aleatório pode ser seu hit.
- Similaridade: porcentagem de matches entre as duas sequências.
- Proteínas tem função conservada mesmo em similaridade baixa.

- Busca em bancos de dados secundários com informação funcional
- Grupos de ortólogos:
 - COG, Kegg Orthology
- Vias metabólicas:
 - KEGG
 - Panther
- Domínios conservados:
 - Pfam
 - CDD

