

- ⑤ Si  $m$  y  $n$  no estén en el mismo grupo, entonces se forma un nuevo grupo con estos y se elimina el valor de  $d$  encontrado en 4
  - ⑥ Construir la matriz de distancias con los nuevos grupos
- 7 Detener el proceso cuando:
- (a) Todos los grupos fueron aglomerados en  $X$
  - (b) El valor de  $d$  satisface un criterio preestablecido

## Representación Gráfica de la sucesión de agrupamientos

### DENDOGRAMA

Una gráfica muy usada para representar la sucesión de agrupamientos es el dendograma. Esta gráfica despliega las observaciones, la sucesión de grupos producida por el algoritmo de agrupamiento y las distancias entre los grupos. En el eje horizontal

se suelen representar a los individuos con índices y en el eje vertical se representan las distancias entre los grupos (en algunos paquetes en el eje horizontal se representan distancias y en el eje vertical a los individuos). El dendrograma es similar a un árbol que "ramifica" conforme las distancias se hacen pequeñas, al trazar una línea horizontal y cortar el árbol a una determinada distancia, los ramos describen una estructura de agrupamientos.

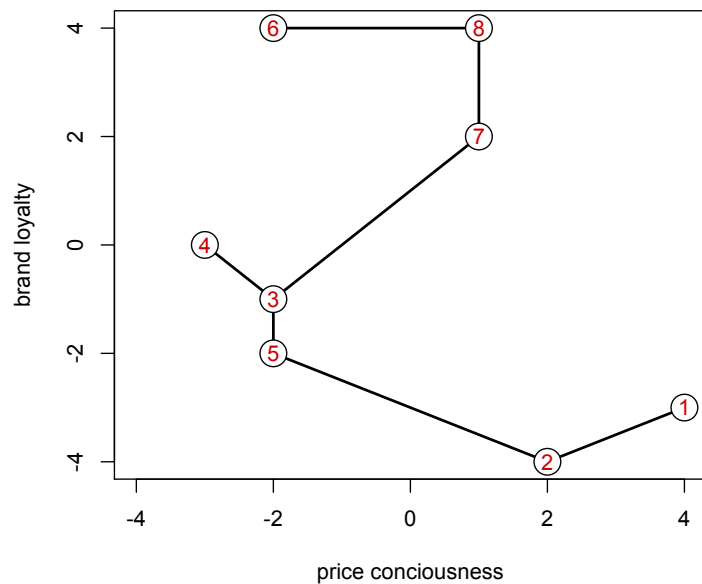
Ejemplo: Se tiene una muestra de 8 puntos

$$x_1, \dots, x_8 \quad x_i' = (x_1, x_2)$$

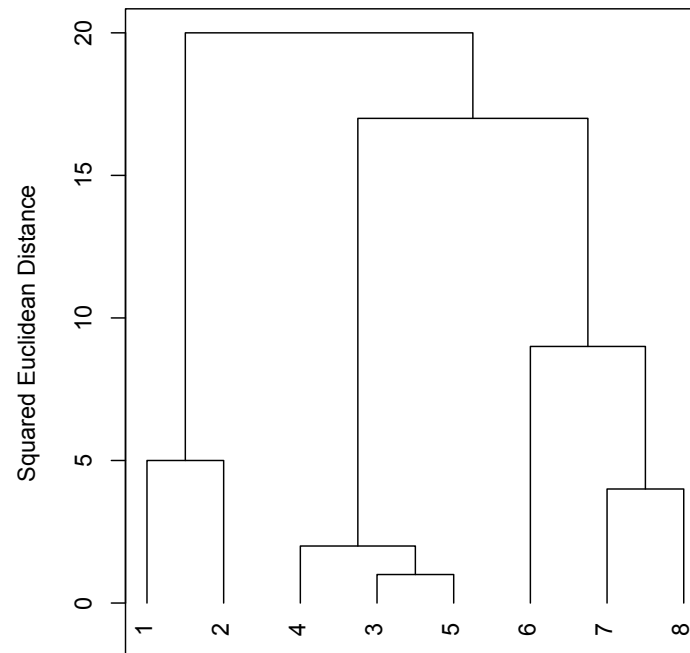
$x_1$  = Conciencia del Precio       $x_2$  = Lealtad a la marca  
VEÁSE FIGURA A

Supóngese que se lleva a cabo un algoritmo aglomerativo usando single linkage. La matriz de distancias (normas  $L^2$ ) está dada por

8 points



Single Linkage Dendrogram - 8 points





$$D = \begin{pmatrix} 0 & 10 & 53 & 73 & 50 & 98 & 41 & 65 \\ & 0 & 25 & 41 & 20 & 80 & 37 & 65 \\ & & 0 & 2 & 1 & 25 & 18 & 34 \\ & & & 0 & 5 & 17 & 20 & 32 \\ & & & & 0 & 36 & 25 & 45 \\ & & & & & 0 & 13 & 9 \\ & & & & & & 0 & 4 \\ & & & & & & & 0 \end{pmatrix}$$

Al aplicar el algoritmo aglomerativo se obtiene el dendograma en la figura A. Si por ejemplo el árbol se corta a nivel 10, tenemos una estructura de 3 grupos:  $\{1,2\}$ ,  $\{3,4,5\}$  y  $\{6,7,8\}$

El algoritmo single Linkage, define la distancia entre dos grupos como el mínimo de las distancias individuales (las distancias entre individuos de los grupos), de la Tabla 2 (página 10) tenemos

$$d(R, \{P, Q\}) = \frac{1}{2} d(R, P) + \frac{1}{2} d(R, Q) - \frac{1}{2} |d(R, P) - d(R, Q)|$$

caso 1:  $d(R, P) \geq d(R, Q)$

$$\begin{aligned} d(R, \{P, Q\}) &= \frac{1}{2} d(R, P) + \frac{1}{2} d(R, Q) - \frac{1}{2} (d(R, P) - d(R, Q)) \\ &= d(R, Q) = \min(d(R, P), d(R, Q)) \end{aligned}$$

Caso 2  $d(R, P) \leq d(R, Q)$

$$d(R, \{P, Q\}) = \frac{1}{2} d(R, P) + \frac{1}{2} d(R, Q) - \frac{1}{2} (d(R, Q) - d(R, P))$$

$$= d(R, P) = \min(d(R, P), d(R, Q))$$

$$\therefore d(R, \{P, Q\}) = \min(d(R, P), d(R, Q)) \dots (a)$$

Por esta razón a este algoritmo también se le llama "algoritmo del vecino más cercano".

Como consecuencia de esta característica, el algoritmo single Linkage tiende a construir grupos numerosos. Puede suceder que los grupos no resulten "muy distantes" en el sentido de que existan puntos o individuos que estén "cercaños" pese a que estos pertenezcan a diferentes grupos, lo anterior puede ocasionar que el algoritmo reuna a los correspondientes grupos en uno solo.

El algoritmo complete Linkage trata de corregir el problema anterior al considerar el máximo de las distancias individuales

Se puede argumentar, igual que como se hizo para la ecuación (a) en el single linkage, que para el caso del algoritmo complete linkage

$$d(R, \{P, Q\}) = \max \{d(R, P), d(R, Q)\},$$

razón por la cual también se le conoce como el "algoritmo del vecino más lejano"