

讨论简报

丁阳

WES CNV 噪音大，原因：WES与WGS的区别，测序前捕获外显子，有捕获效率的误差。丁阳认为这个数据可能看到CNV层次的特别强的信号，高老师认为只靠这个数据没有湿实验的证据，只能作为resource，丁阳认为发到NC困难。是否测序WGS，需要与老师进一步讨论（并且这个数据没有健康人的样本）

丁阳展示C3补体的区域CNV突变的结果，如此大规模的CNV可能不是随机现象，但是不敢肯定

钱博士：C3补体是一个比较有意思的结果，因为C3是SLE中的一个重要的指标，有几个问题

1. 有没有SLE中的CNV报道，
2. 有没有目前其他的数据作为参考或者比对，
3. 狼疮有现成的样本，可以在商量之后加测数据

对于WES/WGS问题初步的讨论的结果

1. 看一下SLE中CNV文献，目前比较少WGS做的基本没有，有用array做的，协和另一个老师报道了SLE 中C4 基因的CNV
2. 找一找有没有SLE的WGS数据
3. mRNA的数据 :但是C3不是由免疫细胞表达，辰睿看一下C3受体的表达情况
4. 丁阳整理一个简单的报告，钱博想和曾老师汇报一下。可能和华大签新合同，但是之前会和高老师预约 讨论一次这个问题

辰睿

1. 依据周报讨论TLB 是否是T cell和B cell形成的功能复合物还是一种正常的细胞
2. 主要等贝瑞公司将剩下两个样本的数据给我们，就可以看看TLB_plasma的到底是不是在SLE中特有的，以及混合表达多种细胞类型marker 的细胞是啥
3. 与Nat Imm的数据对比
4. VDJ数据分析
5. 优化marker

钱博

协和和流式细胞仪联系起来比较费劲，周期也比较长。并且按照贝瑞公司的10x上机量，血样中的TLB可能不够，能否在BIOPIC中进行流式细胞仪和上机测序（需要请教高老师）

协和可以提供血样，需要多少血样依据想测序的TLB细胞量估算，价格上没有问题

之前说的bulk RNA seq可以先不做，等TLB的单细胞的结果出来之后在看情况