# 高勇

*算法工程师* 可实习一年





## 教育背景

2015 - 现在 中国科学技术大学软件学院,硕士,软件系统设计,预计 2018 年 3 月毕业.

2010 - 2014 中南大学软件学院, 本科, 软件工程.

## 专业技能

编程 Python, C/C++, Java, Matlab and SQL, 有相关实践经验.

擅长 机器学习,数据分析,数据结构.

熟悉 Linux, Vim, Git, Markdown, LaTeX.

语言 英语 (CET-6).

#### ■ 个人经验

科研项目(1)分别使用集成学习和半监督学习方法来预测蛋白质磷酸化位点. 在项目中负责数据提取、预处理、特征工程、模型训练与评估等多个过程,并在独立测试集上与 SVM、Adaboost、RF 等多个算法以及 GPS, PPSP等多个磷酸化位点预测工具进行了对比. 熟悉了解 SVM 和 Ensemble 集成算法。

(2) 申请通过本科生自由探索计划, 担任项目负责人, 已投稿英文论文两篇, 分别为 SCI 和 EI 检索.

数学建模 在全国大学生数学建模竞赛中建立一个基于典型相关分析的数学模型,对葡萄酒质量进行评价,利用 SPSS 进行数据分析,获得国家二等奖;在全美大学生数学建模大赛中建立一个优化模型来优化国内水资源分配,并使用 MATLAB 和 LINGO 编码求最优解,获得美赛一等奖.

Python 熟练使用 Nnumpy、Pandas、Scikit-learn 工具包及正则表达式进行数据处理和分析, 并实现 LR、DT、Adaboost、KNN、KMeans 及 KMeans++ 等多个机器学习算法.

## 获得奖励

- 2014 中南大学自由探索计划项目顺利结题.
- 2013 全美大学生数学建模竞赛一等奖.
- 2012 全国大学生数学建模竞赛国家二等奖,中软实训"个人优胜奖"与"优秀开发团队奖".
- 2011 中软实训"个人优胜奖".

# 发表论文

- [1] **Yong Gao**, Weilin Hao, Jing Gu, Diwei Liu, Chao Fan and Lei Deng, PredPhos: An Ensemble Framework for Structure-based Prediction of Phosphorylation Sites, Journal of Biological Research-Thessalonki, 2015.
- [2] **Yong Gao**, Weilin Hao and Lei Deng, Structure-Based Prediction of Protein Phosphorylation Sites Using an Ensemble Approach, [M]//Intelligent Computing in Bioinformatics. Springer International Publishing, 2014: 119-125.

# 个人评价

- 1 具有较强的适应能力与自学能力,能够快速适应新环境.
- 2 做事勤奋认真,对自己要求严格,做每件事坚持有始有终.
- 3 热爱机器学习, 渴望学习新知识, 善于向周围人请教学习与归纳总结.