## NMDA 2021 第二次作业

推荐安装Anaconda软件包。每道题提交一个Jupyter Notebook文件,其中包括可直接运行的Python Code,以及Markdown文字说明和结果讨论。

1. Labeled Faces in the Wild (LFW)是 University of Massachusetts 从网络上搜集的自然条件下的人脸图像数据库,其中包括 13233 张人脸图像,5749 个不同的人,其中1680 人有 2 张以上的脸部图像。 针对其中一个结果预处理过的数据集 lfw\_funneled,提取了其中每人有 70 张以上照片的一个子集,包含 7 个人的 1288 张人脸),Scikit-learn 网站给出了采用主成分分析降维之后通过支持向量机 SVM分类人脸的方法代码:http://scikit-

<u>learn.org/stable/auto\_examples/applications/plot\_face\_recognition.html#sphx-glr-auto-examples-applications-plot-face-recognition-py</u>

请完成以下任务,作业要求提交文件 lfw. ipynb:

- 1) 自己编写主成分分析PCA函数my\_PCA,替换Scikit-learn网站代码中的PCA函数。my\_PCA分别采用协方差矩阵求特征值,和奇异值分解(SVD)两种方法,比较它们的计算速度。
- 2) 采用SVM或者其他你认为合适的分类方法,完成下面的任务:

利用提供的训练数据(ex1.npz,字典中包含两个key,分别为X和y,X为2d数据矩阵,为(n\_faces,n\_dims),y为1d矩阵,(n\_faces,)),设计一个分类流程,以合理的验证方法分析结果。

将模型用于提供的测试数据test.npz,提交一个output.txt的包含预测结果的文件。不同样本间预测的类别以空格分隔,例如:0163...,(注意不要打乱原有的顺序)。

注: \*.npz使用numpy.load()读取

(<a href="https://numpy.org/doc/stable/reference/generated/numpy.load.html">https://numpy.org/doc/stable/reference/generated/numpy.load.html</a>),读取得到的结果为一个dict类。例如,要读取ex1.npz中的X数据,则:

>> x = np.load(`ex1.npz')

 $\gg$  X = x['X']

2. PCA 分类用于神经细胞放电分类: 用金属或者硅基微电极插入活体动物的大脑或者神经核团,可以记录到神经细胞的放电,即动作电位 AP(Action Potential),或者称为峰电位 Spike。通常一个电极记录到的信号来自多个临近的神经细胞,为了把这几个细胞的 AP 区分出来,要进行 Spike Sorting。Sorting 之后的 AP 序列分别归类到单个神经细胞,进行下一步的定量分析,寻找神经细胞放电和外界刺激以及

行为的关系。这是神经电生理研究的重要方法,1981 年获得诺贝尔生理与医学奖的 Hubel 和 Wiessel 采用这种神经记录方法开创了视觉神经编码研究的新领域。所附数据文件 spikewave.mat 中包括 5376 个 spike 波形,每个波形长度 40 个采样点。请完成以下任务,提交 spikesorting. ipynb:

- 1) 把这些 spike 波形叠画在一起,观察并描述它们的可分性;
- 2) 用 PCA 方法把这些 spike 分别降维到 2 维和 3 维空间,并画出来
- 3) 在 2 维和 3 维空间分别采用合适的聚类方法把它们分成合理类别,这些类别就对应于临近的神经细胞放电。
- 4) 把 Spike sorting 之后的波形按照神经细胞归类,用不同颜色再次叠画在一起,观察并描述它们的波形在类内和类间的差异
- 3. 用自己编写的my\_PCA函数完成自己头像的PCA压缩实验,说明实验方法和结果。讨论主成分个数、图像分块大小对压缩比和压缩质量影响,画出变化曲线。请选择一种定量评价压缩质量的方法,不要仅做主观比较。提交文件picom. ipynb。注:建议将图像的一个矩形小块作为一个样本进行操作

作业数据下载链接: <a href="https://cloud.tsinghua.edu.cn/d/27d8ae0eaad84f0b94d7/">https://cloud.tsinghua.edu.cn/d/27d8ae0eaad84f0b94d7/</a> 数据说明:

- exp1.npz: 第一题人脸训练数据
- test.npz: 第一题人脸测试数据
- spikewave.mat: 第二题spikes聚类数据
- read\_spikes\_mat.ipynb:第二题python读mat文件
- 第三题头像图片自己选定

每题提供一个ipynb文件,第一小题还需提供测试集结果output.txt 程序参考课堂演示程序或其他资源。