

3.1.1

1 $\&ATAG$
2 $\&ATAA$
3 $AT\&\&A$
4 $\&ATAG$

p-Distanz

	1	2	3	4
1	0	0	2	1
2	0	2	0	0
3	1	0	0	1
4	0	0	2	1

Distribution:

- 1 und 4 sind identisch

- 1 und 3 sowie 3 und 4

haben keinerlei Übereinstimmung

- 1 und 2 sind recht ähnlich wie auch 4 und 2 hier

führen die Korrekturen zu keiner großen Veränderung

- 3 und 2 sind sehr unterschiedlich haben also große Distanz
bei den Korrekturen ist der Wert entweder nicht definiert
oder über 1

Pösson-Korrektur:

$$x = 0,223$$

$$y = 1,6$$

	1	2	3	4
1	0	x	/	0
2	x	0	y	x
3	/	y	0	/
4	0	x	/	0

Jukes-Tantor Distanz

	1	2	3	4
1	0	0	2	1
2	0	2	0	0
3	/	/	0	/
4	0	0	2	1

3.1.2 Damit dieses Verhältnis gilt muss $1' = 1 - p$

sein. Da $1 - p$ in der Regel kleiner/gleich 1 ist
und $1'$ Werte zwischen 1 und 100 hat kann das
nicht stimmen. Es würde gelten wenn man 1 anstatt
 $1'$ nehmen würde, da die Prozentuale Übereinstimmung
gleich $1 -$ der Prozentuale nicht Übereinstimmung ist.

3.2.1

Es ist eine valide Matrix, da gleiche Sequenzen 0 als Distanz
haben (auf der Diagonalen), und da die Werte auf der
Diagonalen gespiegelt identisch sind.

3.2.2