



## 1+1 > 2 Darwin Core und ABCD rücken zusammen

Anton Güntsch

Zentrum für Biodiversitätsinformatik und Sammlugsdatenintegration

Freie Universität Berlin / Botanischer Garten und Botanisches Museum Berlin

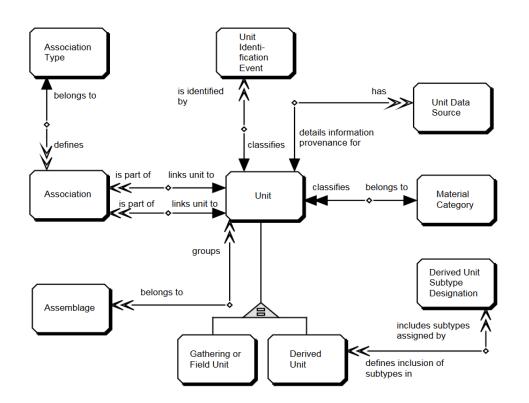




**Erste Ideen** zu internationalen Netzwerken Mitte der 90er Jahre.

Table 6. Unit attributes (description, data type, short name; see Section 2)

Attributes of entity type UNIT		
Unit key	int	Unit_ID
Unit is derived flag (classification variable, indicating the subtype derived unit when set to true)	bool	DerivFlag
Material category key	int	MtCateg_Fk
Owned by (agent key)	int	Owner_Fk
Unit notes	text	UTxt
Unit data transcribed flag	bool	Trnscr
Gathering site doubtful	bool	GSiteDbt
Attributes of entity type UNIT DATA SOURCE		
Unit key	int	Unit_Fk
Data source category (e.g.: field book, original entry, literature, label)	char	SrcCateg
Unit data transcribed by (person team key)	int	Trnscr_Fk
Unit data transcription notes	text	TrnscrNote
Original source text of transcription	text	SrcText
Attributes of entity type MATERIAL CATEGORY		
Material category key	int	MtCateg_Pk
Material category name	str	MtCategNam
Material category description	text	MtCategTxt



**Erste Ideen** zu internationalen Netzwerken Mitte der 90er Jahre.

z.B. auf EU-Ebene:

A Common Datastructure for European Floristic Databases (**CDEFD**)



### Resource Identification for a Biological Collection Information Sel Europe

BioCISE was a Concerted Action project funded European Commission, <u>Directorate-General XII</u>, <u>Biotechnology Programme</u>. The site is currently the Botanic Garden and Botanical Museum Berli

BioCISE is followed up by a new project BioCASE (www.biocase.org)

Results of the project

The survey (questionnaire: English Deutsch ]

Collection catalogue

Software for biological collections

The BioCISE information model for biol collections

Reference list of standards and models
Project members and staff

#### BioCISE results on-line

dress information on more than 2500 European biological collections available in the <u>Catalogue</u>.

BioCISE initiated the <u>Portuguese Biological Collection Data Resource</u>. Collection in <u>BIODIV</u> programme, the <u>Index Herbariorum</u> for the herbaria of the World, the <u>Instituy of Sciences, Cracow</u> for Polish herbaria, the <u>CABRI Project</u> for biotechnological <u>NatureWeb</u> for Austrian collections and the <u>IPGRI Directory of Germplasm Collection</u> through the BioCISE collection catalogue; this serves as an example for the kind of a greement we envision for the next phase of BioCISE.





#### INDEX HERBARIORUM

THE NEW YORK BOTANICAL GARDEN/
INTERNATIONAL ASSOCIATION FOR PLANT TAXONOMY



#### Vernetzung von Biodiversitätsdaten – wie alles begann

**Erste Ideen** zu internationalen Netzwerken Mitte der 90er Jahre.

z.B. auf EU-Ebene:

A Common Datastructure for European Floristic Databases (**CDEFD**)

Resource Identification for a Biological Collection Information Service in Europe (**BioCISE**)



**Erste Ideen** zu internationalen Netzwerken Mitte der 90er Jahre.

z.B. auf EU-Ebene:

A Common Datastructure for European Floristic Databases (**CDEFD**)

Resource Identification for a Biological Collection Information Service in Europe (**BioCISE**)

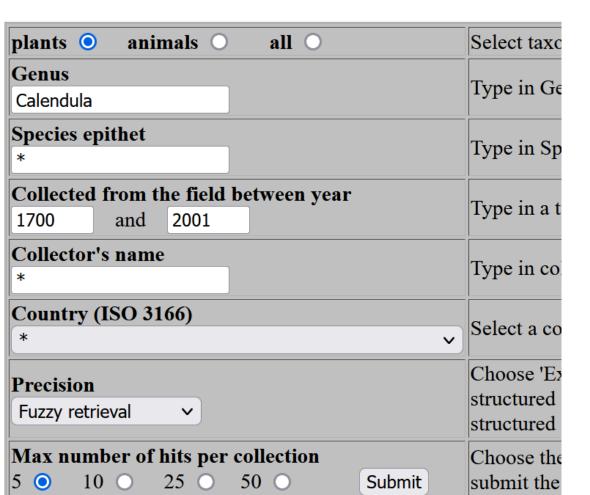
Aber: Noch schlechte technische Voraussetzungen in den Häusern (Netzanbindung, Verfügbarkeit von Servern, know how).

#### (ENHSIN experim

This is an experimental interface providing common access to dis level). The queries are propagated to XML wrapped collection da common document type definition (DTD). The interface collects simple table.

Document type definition | Description of data

Examples for correct input



#### **Erste Netzwerk-Prototypen**

USA: **Species Analyst** (U Kansas)

Brasilien: **SpeciesLink** (CRIA)

Europa: **ENHSIN** (BGBM)

ENHSIN ist das erste **XML-basiert**e Netzwerk für Sammlungsdaten (aus London, Paris, Berlin, Bonn, Salzburg)



Wie kocht man ein internationales Datennetzwerk?



## Wie kocht man ein internationales Datennetzwerk?

Hauptzutaten:

**Datenstandards** 

**Protokolle** 



## Wie kocht man ein internationales Datennetzwerk?

#### Hauptzutaten:

#### **Datenstandards definieren**

- die zu verwendenden Elemente
- Syntax
- Vokabulare
- Beziehungen zwischen Konzepten

#### **Protokolle**

- Regeln die Kommunikation zwischen Komponenten in Datennetzwerken.
- Was sind die gültigen Anfragen und Antworten?
- Wie werden Nachrichten übermittelt?

#### **Beispiel**

```
<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
request xmlns="http://www.biocase.org/schemas/protocol/1.3" xmlns:xsi="http://www.w3.org/2001/XMLSchema-instance" xsi:schemaLocation="
http://www.bgbm.org/biodivinf/Schema/protocol 1 3.xsd">
    <header>
       <version>0.93</version>
       <sendTime>2001-09-11T09:30:47-05:00</sendTime>
       <source>192.168.1.105
       <destination>http://www.collection.org/myCollection.py</destination>
       <type>search</type>
   </header>
    <search>
       <requestFormat>http://www.tdwg.org/schemas/abcd/1.2</requestFormat>
       <responseFormat start="0" limit="10">http://www.tdwg.org/schemas/abcd/1.2</responseFormat>
       <filter>
           <like path="/DataSets/DataSet/Units/Unit/Identifications/Identification/TaxonIdentified/NameAuthorYearString">Ast*</like>
       </filter>
       <count>false</count>
   </search>
</request>
```



### Parallelentwicklungen USA/Europa

#### Europa

ABCD & BioCASe Strukturierte Daten und generisches Protokoll

#### **USA**

DwC & DiGIR
Flache Daten und gekoppeltes Protokoll



### Parallelentwicklungen USA/Europa

#### Europa

ABCD & BioCASe Strukturierte Daten und generisches Protokoll

#### **USA**

DwC & DiGIR
Flache Daten und gekoppeltes Protokoll

#### **Versuch einer Einigung**

TAPIR: TDWG Access Protokoll for Information Retrieval



### Parallelentwicklungen USA/Europa

#### Europa

ABCD & BioCASe Strukturierte Daten und generisches Protokoll

#### USA

DwC & DiGIR
Flache Daten und gekoppeltes Protokoll

#### Versuch einer Einigung

TAPIR: TDWG Access Protokoll for Information Retrieval

Sehr leistungsfähig aber nie implementiert 🕾

## ki SAWSDL ABCD 3 Base Ontology SAWSDL SAWSDL olin Core

#### **Und heute?**

#### **ABCD**

Zahlreiche **Versionen** des Kernstandards und Erweiterungen für spezielle Anwendungen.

ABCD 3.0: **Semantischer Standard**, aus dem Schemas für Anwendungen abgeleitet werden können.

#### **Darwin Core**

Kontinuierliche Entwicklung (ohne Versionen).

**Einbindung** zahlreicher **ABCD**-Konzepte.



#### SEARCH OCCURRENCES 2,804,095,704 WITH COORDINATES

# **TAXONOMY METRICS ■** DOWNLOAD ce\_status=present BIF.

#### **Und heute?**

Sowohl Darwin Core als auch ABCD werden von **GBIF unterstützt**.

Hoher Grad an **Überlappung** zwischen den beiden Standards.



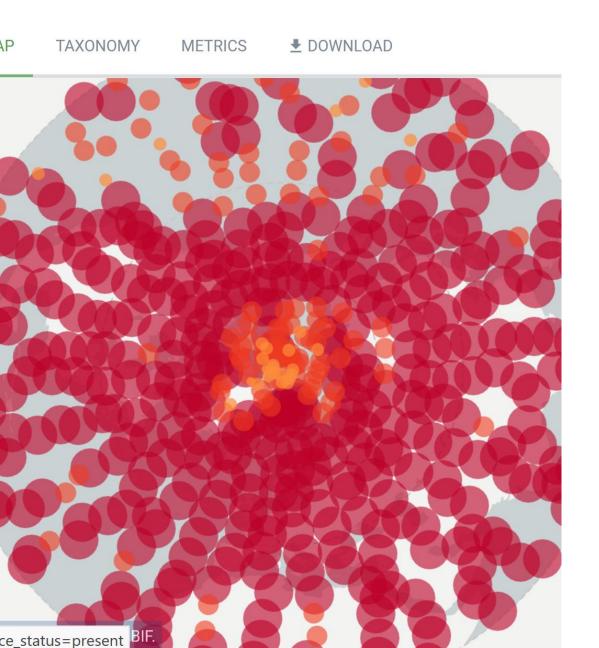
#### SEARCH OCCURRENCES 2,804,095,704 WITH COORDINATES

#### **Und heute?**

Sowohl Darwin Core als auch ABCD werden von **GBIF unterstützt**.

Hoher Grad an Überlappung zwischen den beiden Standards.

Gleichzeitig: Hoher Bedarf bei GBIF für einen höheren Grad an Daten-Strukturierung (z.B. klare Darstellung der Beziehungen zwischen Feldbeobachtungen, Sammlungsobjekten, Gewebe, DNA, Multimedia, etc.) ohne die Datenanbieter zu überfordern.





1 + 1 > 2



1 + 1 > 2

Die ABCD- und DarwinCore-Teams arbeiten bei der Schaffung eines neuen gemeinsamen Standards zusammen.



#### 1 + 1 > 2

Die ABCD- und DarwinCore-Teams arbeiten bei der Schaffung eines neuen gemeinsamen Standards zusammen.

Ziel: Möglichst einfache Übertragbarkeit strukturierter Sammlungs- und Observationsdaten.

Die Datenbestände des **BGBM** werden als **Pilot-Anwendungsfall** für die erarbeiteten Konzepte genutzt.

Veröffentlichung für Herbst 2025 geplant.





Die Unterstützung für ABCD und BioCASe wird weitergeführt (z.B. durch den BioCASe-Helpdesk und das GBIF-Team).



Die Unterstützung für ABCD und BioCASe wird weitergeführt (z.B. durch den BioCASe-Helpdesk und das GBIF-Team).

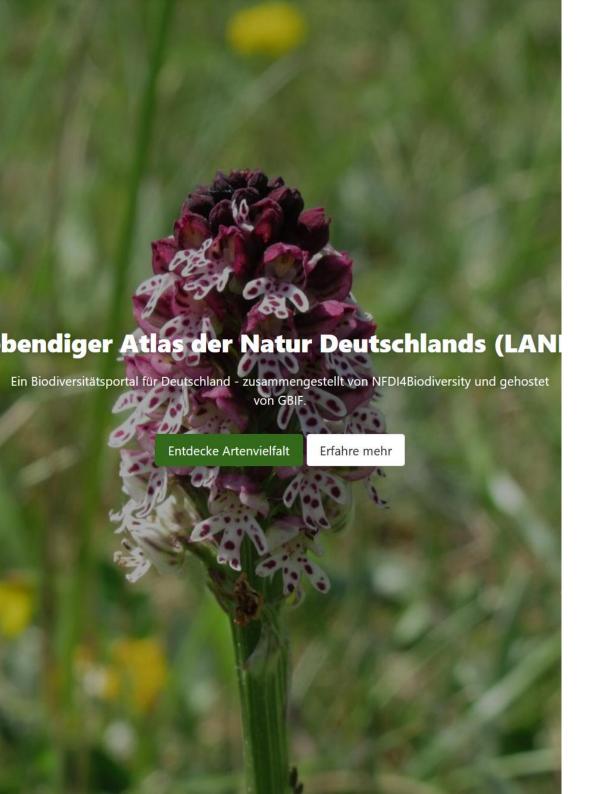
Die aktuelle Version 3.0 wird als Referenz publiziert. **Aktuelle Anforderungen** an ABCD (z.B. aus NFDI) **werden** noch **umgesetzt**.



Die Unterstützung für ABCD und BioCASe wird weitergeführt (z.B. durch den BioCASe-Helpdesk und das GBIF-Team).

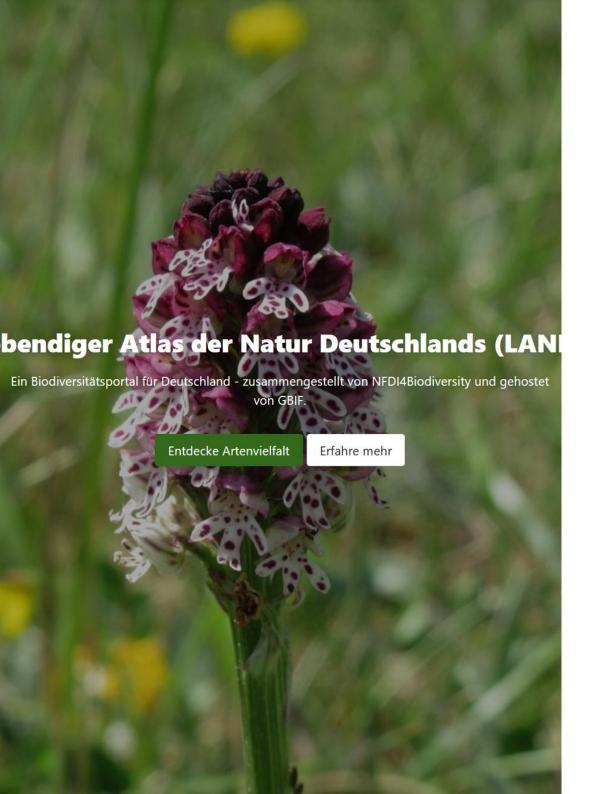
Die aktuelle Version 3.0 wird als Referenz publiziert. **Aktuelle Anforderungen** an ABCD (z.B. aus NFDI) **werden** noch **umgesetzt**.

Der BGBM wird ABCD darüber hinaus nicht mehr erweitern und seinen Fokus auf die generelle Unterstützungen von Datenanbietern, insbesondere beim Thema "strukturiert Daten" richten.





Der BioCASe Helpdesk wird LAND-Provider weiterhin unterstützen.



Der BioCASe Helpdesk wird LAND-Provider weiterhin unterstützen.

Der BioCASe Helpdesk stellt sicher, dass **aktuelle Entwicklungen** bei Standards, Protokollen und Softwarekomponenten Eingang in das LAND-Netzwerk finden können.



Der BioCASe Helpdesk wird LAND-Provider weiterhin unterstützen.

Der BioCASe Helpdesk stellt sicher, dass **aktuelle Entwicklungen** bei Standards, Protokollen und Softwarekomponenten Eingang in das LAND-Netzwerk finden können.

LAND-Anforderungen können direkt (durch die Teilnahme) in die internationalen Entwicklungen und Arbeitsgruppen eingehen.



#### Vielen Dank!

#### BioCASe-Team:

- Jörg Holetschek\*
- Gabi Dröge
- David Fichtmüller\*
- Dominik Röpert
- Marcus Ernst
- \* Vor Ort und ansprechbar.

#### Kontakt:

biodiversityinformatics@bo.berlin j.holetschek@bo.berlin d.fichtmuelle@bo.berlin a.guentsch@bo.berlin