

# LAND/ sMon Community Workshop 2026

19.01. - 20.01. 2026 (offen für alle)  
& 21.01.24 (internes Arbeitstreffen)

iDiv, Puschstraße 4, 04103 Leipzig

## Programm (Stand: 14.01.26)

<b>Montag, 19.01.2026</b> <b>Tag 1: Mobilisierung und Vernetzung</b>	
ab 11:30	Ankunft und Registrierung
12:00	Gemeinsames Mittagessen (Foyer)
13:00	<b>Willkommen und Einführung</b> <ol style="list-style-type: none"><li>1. Willkommensworte und Einführung (Aletta Bonn, Thore Engel, Marie Meemken, iDiv)</li><li>2. Werkzeuge und Services für die fröhe Datenmobilisierung (Pascal Scherreiks, Uni Jena)</li></ol>
13:30 Moderation: Aletta	<b>Impulse zu Datenmobilisierung (12+ 3 min)</b> <ol style="list-style-type: none"><li>1. Impuls vom NABU Naturgucker (Alexander Wirth, NABU Naturgucker)</li><li>2. Das vernetzte Portal für Biodiversität und Monitoring – Stand und Ausblick (Swantje Preuschmann, NMZB BfN)</li><li>3. Bürger*innen beobachten Biodiversität - Einblicke in die Daten des Wildbienen-Monitorings in Agrarlandschaften (Sophie Ogan, Thünen Institut)</li><li>4. Datenannotation - warum und wie? (Anton Güntsch, BGBM Berlin)</li></ol>
14:30 Moderation: Thore	<b>Kurze Vorstellung neuer Darwin Core Schnittstellen</b> <ol style="list-style-type: none"><li>1. MultibaseCS (Tino Kohbach, 34u GmbH)</li><li>2. Bexis2 (David Schöne, Uni Jena)</li><li>3. BioMe (Alexander Harpke, UFZ)</li></ol>
15:00	Kaffeepause
15:30	<b>Interaktive Workshops</b>

Moderation: Marie	<p>15 Min Kurzeinführung im Plenum danach 2 Sessions von je 40 Min</p> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. Austauschrunde zu Darwin Core Schnittstellen (Thore Engel, iDiv; Jörg Holetschek, BGBM; Tino Kohbach 34u GmbH; David Schöne, Uni Jena, Alexander Harpke, UFZ)</li> <li>2. Von glücklichen Datenkurator*innen empfohlen - So klappt die Dateneinreichung beim GFBio Submission Service (Judith Engel, Universität Bremen; Marcus Ernst, BGBM)</li> <li>3. Einfach verfügbare Biodiversitätsdaten? Was sollte es geben vs. was gibt es? (Martin Friedrichs-Manthey, Uni Jena; Marten Winter, iDiv, Jana Bürger, Uni Rostock)</li> </ol>
17:30	<b>Kurze Zusammenfassung der Workshop Ergebnisse im Plenum</b>
18:00	Freizeit, Pause, Hotel check-in
19:00	<p><b>Gemeinsames Abendessen (NFDI4Biodiversity und sMon laden ein)</b></p> <p>Ratskeller Leipzig  <a href="http://Lotterstraße 1, 04109 Leipzig">Lotterstraße 1, 04109 Leipzig</a>  (direkt beim Neuen Rathaus am Burgplatz)</p> <p>Anreise mit den Öffis vom iDiv:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Tram 16 Richtung Messegelände bis Roßplatz</li> <li>• Dann ca. 500m zu Fuß.</li> <li>• Einfach Richtung Rathaufturm laufen →</li> </ul> 
<p><b>Dienstag 20.01.2026</b></p> <p><b>Tag 2: Integration und Analyse</b></p>	
8:30	Ankunft und Registrierung
9:00 Moderation: Anton (Dag Endersen); Helge (Stephan Kambach)	<p>Kurze Begrüßung und Recap</p> <p><b>Keynote talks (30+5 min):</b></p> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. Building the GBIF network in Norway (Dag Endresen, GBIF Norway/Uni Oslo)</li> <li>2. MOTIVATE: Monitoring Of Terrestrial habitats by Integrating Vegetation Archive Time series in Europe (Stephan Kambach, MLU Halle)</li> </ol> <p>Kurze Vorstellung der folgenden Workshop session</p>
10:30	Kaffeepause
11:00 Moderation: Marten	<b>Workshops (2 mal 40 Min)</b>

	<ol style="list-style-type: none"> <li>1. EBV portal mit GBIF SQL API und dem EBVcube (Christian Langer, MLU Halle, Martin Friedrichs-Manthey, iDiv)</li> <li>2. Daten Publizieren mit dem IPT (Jörg Holetschek, BGBM; Marie Meemken, iDiv)</li> <li>3. Wie entwickeln wir LAND zu einem attraktiven Portal für die deutsche Biodiversitätscommunity? (Aletta Bonn, UFZ/Uni Jena; Anton Güntsch, BGBM; Birgitta König-Ries, Uni Jena)</li> </ol>
12:30	<b>Gruppenfoto + Gemeinsames Mittagessen (Foyer)</b>
13:30 Moderation: Reinhard	<b>Gastvorträge mit Fokus auf Zeitreihenanalyse</b> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. VegCHange (Jürgen Dengler, ZHAW, Schweiz)</li> <li>2. Gefährdete Segetalflora (Leonie Clauß, Stiftung Kulturlandschaft Sachsen-Anhalt)</li> <li>3. TrendDNA - Umweltprobenbank des UBA (Julian Hans, Universität Trier)</li> <li>4. How to estimate overall population trends when sites show varying population counts over time? (Saskia Schirmer, Marco Fritze, Universität Greifswald)</li> </ol>
14:45	Kaffeepause
15:15 Moderation: Florian	<b>Vorträge mit Fokus auf Zeitreihenanalyse aus dem sMon Team</b> <ol style="list-style-type: none"> <li>1. Funktionelle Trends der deutschen Vegetationszeitreihen (Helge Bruehlheide, Uni Halle)</li> <li>2. MEROS (Martin Friedrichs-Manthey, Uni Jena/iDiv)</li> <li>3. Zeitreihen der Pilze in Deutschland (Reinhard Klenke, Uni Halle)</li> <li>4. Pflanzenarten-Trends in bundesweiten Monitoringprogrammen (Jana Bürger, Uni Rostock)</li> <li>5. Resurvey Germany - Trends in Feuchthabitate (Ita Weinrich, Uni Halle)</li> <li>6. Vergleichende Analyse bayerischer Artvorkommen von 1845 und heute (Thore Engel, Ricarda Huter, Uni Jena)</li> </ol>
16:45 Moderation: Florian	Zusammenfassung & Ausblick
17:00	<b>Verabschiedung</b>
<b>Mittwoch, 21.01.2026 (gesonderte Einladung)</b> <b>Interner Arbeitstag mit Fokus auf sMon Analyse - Workshops</b>	
9:00 - 12:00	sMon - Taxonspezifische Workshops (eingeladene Teilnehmer*innen)

12:00 -  
14:30

sMon internes Team-Meeting