

DISCUSSIONE COLLEGIALE

MOLECULAR TUMOR BOARD

ANAGRAFICA PAZIENTE

ID Paziente:	21
Età:	32 anni
Sesso:	-
Data di nascita:	-

DIAGNOSI

Diagnosi primaria:	-
Stadio:	-
Codice ICD-O:	-
Istologia:	-

TEST GENOMICI ESEGUITI

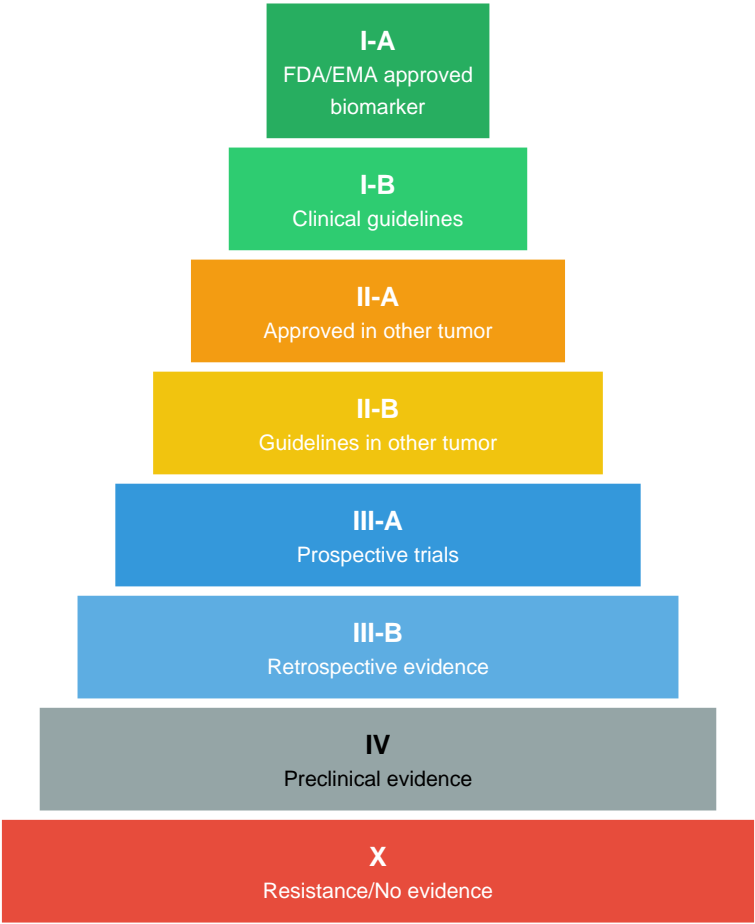
Metodologia:	sul tessuto pre-trattamento (non disponibile internamente) per stabilire se le nuove alterazioni riscontrate (a carico di BRAF, MYCN, MET) siano ab initio o acquisite.
Panel utilizzato:	Comprehensive Cancer Panel
Numero di geni:	198
Biomarker analizzati:	TMB, MSI, HRD

VARIANTI GENOMICHE IDENTIFICATE

Gene	cDNA	Proteina	VAF%	Classificazione	ESCAT	HGNC
ALK::EML4	-	fusion	-	Pathogenic	I-B	HGNC:427

LIVELLI DI EVIDENZA CLINICA (ESCAT)

ESCAT - Scala di Actionability Clinica



Tier I (verde): Massima evidenza clinica | Tier X (rosso): Resistenza o assenza evidenza

Distribuzione varianti per livello ESCAT:

- I-B: 1 variante

Report generato automaticamente da MTBParser il 23/10/2025 alle ore 14:22