

└ sample-metadata.tsv

└ Result_README.txt

└ Essential

| └── 4-AlphaDiversity
| └── rarefaction_otu.png
| └── rarefaction_shannon.png
| └── alpha-summary.tsv
| └── 5-BetaDiversity
| └── bray_matrix.txt
| └── unifrac_matrix.txt
| └── unifrac_PCoA.png
| └── wunifrac_matrix.txt
| └── wunifrac_PCoA.png
| └── bray_NMDS.pdf
| └── bray_PCoA.png
| └── PLSDA_plot.pdf
| └── 3-DiffOTU
| └── kruskal_wallis_Group1_diffOTU.txt
| └── genus
| └── ancom.csv
| └── index.html
| └── percent-abundances.csv

元文件

说明文件

主要信息查阅文件夹

Alpha 指数相关文件夹

observedOTU 的 rarefaction 图

shannon 的 rarefaction 图

Alpha 指数 Excel 表格

Beta 指数相关文件夹

BrayCurtis 指数 Excel 表格

unifrac 指数 Excel 表格

unifrac 指数 PCoA 图

weightedunifrac 指数 Excel 表格

weightedunifrac 指数 PCoA 图

BrayCurtis 指数 NMDS 图

BrayCurtis 指数 PCoA 图

全 OTU 水平 PLS-DA 图

差异性 OTU 数据相关文件夹

Kruskal_wallis 分析 diffOTU 的 Excel 表格

ANCOM 属水平 OTU

ANCOM 分析 diffOTU 的 Excel 表格

网页文件（请直接双击查看）

ANCOM 分析具体信息

- └── Phylum
 - ├── ancom.csv
 - ├── index.html
 - └── percent-abundances.csv
- └── 2-OTU
 - ├── barplot_genus.png
 - ├── barplot_phylum.png
 - ├── feature-table.taxonomy.txt
 - ├── index.html
 - ├── level-1.csv
 - ├── level-2.csv
 - ├── level-3.csv
 - ├── level-4.csv
 - ├── level-5.csv
 - ├── level-6.csv
 - └── level-7.csv
- └── 1-demux
 - ├── data.jsonp
 - ├── demultiplex-summary.pdf
 - ├── demultiplex-summary.png
 - ├── dist
 - ├── index.html
 - ├── overview.html
 - ├── per-sample-fastq-counts.csv
 - ├── q2templateassets
 - └── quality-plot.html

ANCOM 门水平 OTU

ANCOM 分析 diffOTU 的 Excel 表格

网页文件（请直接双击查看）

ANCOM 分析具体信息

OTU 表格基本信息文件夹

属水平 OUT 柱形图

门水平 OTU 柱形图

OUT 表格 Excel 文件

网页文件（请直接双击查看）

届

门

纲

目

科

属

种

拆分数据基本信息文件夹

网页中间文件

拆分信息总结

拆分信息总结

网页中间文件

网页文件（请直接双击查看）

网页中间文件

拆分信息总结

网页中间文件

网页中间文件

└ Detailed

└─ 1-Demux

- └─ demux.qza
- └─ demux.qzv
- └─ raw

└─ 2-OTUAnalysis

- └─ 1000
 - └─ table-l2.1000.qza
 - └─ table-l2.1000.qzv
 - └─ table-l3.1000.qza
 - └─ table-l3.1000.qzv
 - └─ table-l4.1000.qza
 - └─ table-l4.1000.qzv
 - └─ table-l5.1000.qza
 - └─ table-l5.1000.qzv
 - └─ table-l6.1000.qza
 - └─ table-l6.1000.qzv
 - └─ table-l7.1000.qza
 - └─ table-l7.1000.qzv
- └─ ANCOM
 - └─ ANCOM.l2.qzv
 - └─ ANCOM.l3.qzv
 - └─ ANCOM.l4.qzv

详细的结果报告（部分文件需要使用 Qiime2 View）

1-Demux

demultiplexedQiime2 数据文件
demultiplexedQiime2 展示文件
原 fastq 文件夹

2-OTUAnalysis

在不同分类水平上丰度超过 1000 的所有 OTU 文件夹
门水平 Qiime2 数据文件
门水平 Qiime2 展示文件
纲水平 Qiime2 数据文件
纲水平 Qiime2 展示文件
目水平 Qiime2 数据文件
目水平 Qiime2 展示文件
科水平 Qiime2 数据文件
科水平 Qiime2 展示文件
属水平 Qiime2 数据文件
属水平 Qiime2 展示文件
种水平 Qiime2 数据文件
种水平 Qiime2 展示文件

门水平 OTU 显著性分析 Qiime2 数据文件
纲水平 OTU 显著性分析 Qiime2 数据文件
目水平 OTU 显著性分析 Qiime2 数据文件

- | | |—— ANCOM.l5.qzv
- | | |—— ANCOM.l6.qzv
- | | |—— ANCOM.l7.qzv
- | | |—— composition.l2.qza
- | | |—— composition.l3.qza
- | | |—— composition.l4.qza
- | | |—— composition.l5.qza
- | | |—— composition.l6.qza
- | | |—— composition.l7.qza
- | |—— table-l7.qzv
- | |—— Classified_stat_relative.svg
- | |—— kruskal_wallis_Group1_diffOTU.txt
- | |—— dna-sequences.fasta
- | |—— feature-table.ConsensusLineage.txt
- | |—— feature-table.biom
- | |—— feature-table.taxonomy.biom
- | |—— feature-table.taxonomy.txt
- | |—— table.qzv
- | |—— taxa-bar-plots.qzv
- | |—— taxonomy.qzv
- | |—— tree.rooted.nwk
- | |—— tree.unrooted.nwk

|—— 3-AlphaDiversity

- | |—— alpha
- | |—— alpha-summary.tsv

科水平 OTU 显著性分析 Qiime2 数据文件
 属水平 OTU 显著性分析 Qiime2 数据文件
 种水平 OTU 显著性分析 Qiime2 数据文件
 门水平 OTU 显著性分析中间文件
 纲水平 OTU 显著性分析中间文件
 目水平 OTU 显著性分析中间文件
 科水平 OTU 显著性分析中间文件
 属水平 OTU 显著性分析中间文件
 种水平 OTU 显著性分析中间文件
 共享 OTUQiime2 展示文件
 注释程度
 Kruskal_wallis 分析 diffOTU 的 Excel 表格
 OTU 代表序列
 OTU 文本文件 1
 OTUbiom 文件
 OTUbiom 文件有注释
 OTU 文本文件 2
 OTU 基本数据 Qiime2 展示文件
 OTU 分类 Qiime2 展示文件
 注释 Qiime2 展示文件
 有根树
 无根树

3-AlphaDiversity

alpha 指数文件夹
 alpha 指数汇总

- ├── chao1
 - ├── alpha-diversity.tsv
 - └── alpha_diversity.qza
- ├── faith_pd
 - ├── alpha-diversity.tsv
 - └── alpha_diversity.qza
- ├── observed_otus
 - ├── alpha-diversity.tsv
 - └── alpha_diversity.qza
- ├── shannon
 - ├── alpha-diversity.tsv
 - └── alpha_diversity.qza
- ├── alpha-rarefaction.qzv
- ├── evenness-group-significance.qzv
- ├── evenness_vector.qza
- ├── faith-pd-group-significance.qzv
- ├── faith_pd_vector.qza
- ├── observed_otus_vector.qza
- ├── shannon-group-significance.qzv
- └── shannon_vector.qza

chao1 指数文件夹
 文本文件
 Qiime2 数据文件
 faithpd 指数文件夹
 文本文件
 Qiime2 数据文件
 observedOTU 指数文件夹
 文本文件
 Qiime2 数据文件
 shannon 指数文件夹
 文本文件
 Qiime2 数据文件
 alpha 指数稀释曲线 Qiime2 展示文件
 evenness 显著性 Qiime2 展示文件
 evenness 显著性 Qiime2 数据文件
 faith-pd 显著性 Qiime2 展示文件
 faith_pd 显著性 Qiime2 数据文件
 observed_otus 显著性 Qiime2 数据文件
 shannon 显著性 Qiime2 展示文件
 shannon 显著性 Qiime2 数据文件

4-BetaDiversity

- ├── BetaDiversity_heatmap.svg
- ├── bray_NMDS.pdf
- ├── bray_betadiversity_heatmap.pdf
- └── bray_curtis-Group1-significance.qzv

4-BetaDiversity

BetaDiversityheatmap 图
 BrayCurtisNMDS 图
 BrayCurtisheatmap 图
 BrayCurtis 显著性 Qiime2 展示文件

	——	bray_curtis-anosim-Group1-significance.qzv	BrayCurtis 显著性 Qiime2 展示文件
	——	bray_curtis-permanova-Group1-significance.qzv	BrayCurtis 显著性 Qiime2 展示文件
	——	bray_curtis_distance_matrix.qza	BrayCurtis 显著性 Qiime2 数据文件
	——	bray_curtis_emperor.qzv	BrayCurtisPCoAQiime2 展示文件
	——	bray_curtis_pcoa_results.qza	BrayCurtisPCoAQiime2 数据文件
	——	bray_matrix.csv	BrayCurtis 文本文件
	——	jaccard_NMDS.pdf	jaccardNMDS 图
	——	jaccard_betadiversity_heatmap.pdf	jaccardheatmap 图
	——	jaccard_matrix.csv	jaccard 文本文件
	——	unifrac_NMDS.pdf	unweighted-unifracdNMDS 图
	——	unifrac_betadiversity_heatmap.pdf	unweighted-unifracheatmap 图
	——	unifrac_matrix.csv	unweighted-unifrac 文本文件
	——	unweighted-unifrac-Group1-significance.qzv	unweighted-unifracc 显著性 Qiime2 展示文件
	——	unweighted-unifrac-anosim-Group1-significance.qzv	unweighted-unifracc 显著性 Qiime2 展示文件
	——	unweighted-unifrac-permanova-Group1-significance.qzv	unweighted-unifracc 显著性 Qiime2 展示文件
	——	unweighted_unifrac_distance_matrix.qza	unweighted-unifracQiime2 数据文件
	——	unweighted_unifrac_emperor.qzv	unweighted-unifracPCoAQiime2 展示文件
	——	unweighted_unifrac_pcoa_results.qza	unweighted-unifracPCoAQiime2 展示文件
	——	weighted-unifrac-Group1-significance.qzv	weighted-unifrac 显著性 Qiime2 展示文件
	——	weighted-unifrac-anosim-Group1-significance.qzv	weighted-unifrac 显著性 Qiime2 展示文件
	——	weighted-unifrac-permanova-Group1-significance.qzv	weighted-unifrac 显著性 Qiime2 展示文件
	——	weighted_unifrac_distance_matrix.qza	weighted-unifracQiime2 数据文件
	——	weighted_unifrac_emperor.qzv	weighted-unifracPCoAQiime2 展示文件
	——	weighted_unifrac_pcoa_results.qza	weighted-unifracPCoAQiime2 展示文件
	——	wunifrac_NMDS.pdf	weighted-unifracheatmap 图
	——	wunifrac_betadiversity_heatmap.pdf	weighted-unifracheatmap 图

└──────────

L p

└──────────

weighted-unifrac 文本文件

全 OTU 水平 PLS-DA 图

5-OTUPhylogenetics

全部微生物的系统分析树图

Bacteroidetes 的系统分析树图

Firmicutes 的系统分析树图

Proteobacteria 的系统分析树图

6-AssociationAnalysis

RDA 在门水平结果

PERMANOVA 结果

iTOL 文件夹

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 分析绘图中间文件

iTOL 绘图文件

iTOL 绘图文件

			table.1000.qza	iTOL 分析绘图中间文件
			taxonomy.1000.qza	iTOL 分析绘图中间文件
			tol_multibar10.txt.txt	iTOL 绘图文件
			tol_ranges.txt	iTOL 绘图文件
			tree.rooted.nwk	iTOL 绘图文件

7-FunctionAnalysis

			PCA_L1	PICRUSt 结果一级功能 PCA 图
			PCA_L2	PICRUSt 结果一级功能 PCA 图
			PCA_L3	PICRUSt 结果一级功能 PCA 图
			clustered_table.qzv	功能分析中间文件
			clustered_table.qzv	功能分析中间文件
			feature-table.biom	功能分析中间文件
			feature-table.metagenome.KEGG_Pathways.STAMP.spf	STAMP 输入文件
			feature-table.metagenome.L1.txt	PICRUSt 结果一级功能文件
			feature-table.metagenome.L2.txt	PICRUSt 结果二级功能文件
			feature-table.metagenome.L3.txt	PICRUSt 结果三级功能文件
			feature-table.metagenome.biom	功能分析中间文件
			feature-table.normalized.biom	功能分析中间文件
			feature-table.txt	功能分析中间文件
			level1.relative.tree	功能分析中间文件
			percent.feature-table.metagenome.L1.svg	PICRUSt 结果一级功能柱形图
			percent.feature-table.metagenome.L1.tab	功能分析中间文件
			percent.feature-table.metagenome.L1.txt	功能分析中间文件
			percent.feature-table.metagenome.L2.svg	PICRUSt 结果二级功能柱形图
			percent.feature-table.metagenome.L2.tab	功能分析中间文件

7-FunctionAnalysis

	——	percent.feature-table.metagenome.L2.txt	功能分析中间文件
	——	percent.feature-table.metagenome.L3.svg	PICRUSt 结果三级功能柱形图
	——	percent.feature-table.metagenome.L3.tab	功能分析中间文件
	——	percent.feature-table.metagenome.L3.txt	功能分析中间文件
	——	tree.feature-table.metagenome.L1.svg	PICRUSt 结果一级功能树图
	——	tree.feature-table.metagenome.L2.svg	PICRUSt 结果二级功能树图
	——	tree.feature-table.metagenome.L3.svg	PICRUSt 结果三级功能树图
	——	unmatched_sequences.qza	功能分析中间文件
	——	unmatched_sequences.qzv	功能分析中间文件

|—— **FigureandTable** **FigureandTable** 表格及图表文件夹

	——	Figure3-1.svg -> ../2-OTUAnalysis/Classified_stat_relative.svg
	——	Figure3-10.pdf -> ../4-BetaDiversity/unifrac_NMDS.pdf
	——	Figure3-11.qzv -> ../4-BetaDiversity/unweighted-unifrac-permanova-Group1-significance.qzv
	——	Figure3-12.pdf -> ../5-OTUPhylogenetics/Bacteria.phylogeny.pdf
	——	Figure3-14.pdf -> ../6-AssociationAnalysis/Phylum.rda.pdf
	——	Figure3-15.pdf -> ../6-AssociationAnalysis/permanova.pdf
	——	Figure3-18.svg -> ../7-FunctionAnalysis/percent.feature-table.metagenome.L1.svg
	——	Figure3-19.pdf -> ../7-FunctionAnalysis/PCA_L1/PCA-2D.pdf
	——	Figure3-20.svg -> ../7-FunctionAnalysis/tree.feature-table.metagenome.L1.svg
	——	Figure3-2.qzv -> ../2-OTUAnalysis/taxa-bar-plots.qzv
	——	Figure3-3.qzv -> ../2-OTUAnalysis/1000/table-l2.1000.qzv
	——	Figure3-4.qzv -> ../2-OTUAnalysis/ANCOM/ANCOM.l7.qzv
	——	Figure3-6.qzv -> ../3-AlphaDiversity/shannon-group-significance.qzv
	——	Figure3-7.qzv -> ../3-AlphaDiversity/faith-pd-group-significance.qzv
	——	Figure3-8.svg -> ../4-BetaDiversity/BetaDiversity_heatmap.svg

- | |—— Figure3-9.qzv -> ../4-BetaDiversity/unweighted_unifrac_emperor.qzv
- | |—— Table3-1.qzv -> ../2-OTUAnalysis/ANCOM/ANCOM.l7.qzv
- | |—— Table3-2.qzv -> ../2-OTUAnalysis/table-l7.qzv
- | |—— Table3-3.tsv -> ../3-AlphaDiversity/alpha/alpha-summary.tsv
- | |—— Table3-4.qzv -> ../3-AlphaDiversity/shannon-group-significance.qzv
- |—— Table3-5.qzv -> ../4-BetaDiversity/unweighted-unifrac-permanova- $\{group_1\}$ -significance.qzv