PROBABILIDAD Y ESTADÍSTICA

Curso de R

Gustavo A. Colmenares

gcolmenares@yachaytech.edu.ec gcolmena@gmail.com

5- Paquetes





Paquetes

R puede ser expandido con paquetes. Cada paquete es una colección de funciones diseñadas para atender una tarea o área específica. La lista de paquetes disponibles puede consultarse en https://cran.r-project.org/web/packages/. En Enero de 2018 esta lista incluye algo más de 12000 paquetes. En la dirección https://cran.r-project.org/web/views/ se puede consultar una lista de paquetes ordenada según áreas de aplicación.

La función .libPaths() muestra dónde se encuentra la biblioteca y la función library() muestra qué paquetes se han instalado.

R viene con un conjunto estándar de paquetes preinstalados que están disponibles por defecto (incluyendo base, datasets, utils, gr-Devices, gráficos, estadísticas y métodos) que proporcionan una amplia gama de funciones y conjuntos de datos.

La función **search()** devuelve qué paquetes están cargados y listos para ser utilizados.

Paquetes

La información básica sobre un paquete es proporcionada en el archivo **Description**, en el que encontraremos que utilidad tiene el paquete, el autor, la versión, fecha, tipo de licencia y las dependencias del paquete. Para acceder a este archivo se usa la función **packageDescription("package")**. Y con la función **help(package = "package")** se puede obtener la documentación completa del paquete.

Un repositorio es el lugar dónde están alojados los paquetes y desde el cuál podemos descargarlos. Los repositorios mas populares de paquetes **R** son:

- **CRAN**: Es el repositorio oficial compuesto de un conjunto de servidores web y ftp mantenidos por la comunidad **R** a lo largo de todo el mundo (https://cran.r-project.org/). Para que un paquete pueda ser publicado en el mismo, necesita pasar por diferentes pruebas para asegurar que cumple con las políticas de CRAN.
- **Bioconductor**: Se trata de un repositorio específico para bioinformática. Tiene sus propias políticas de publicaciones y procesos de revisión, disponiendo de una comunidad muy activa que proporciona numerosas conferencias y encuentros a lo largo del año.
- **Github**: Su popularidad procede del espacio que proporciona para el alojamiento de proyectos open source, la integración con git (un software de control de versiones) y, la facilidad de compartir y colaborar con otras personas.

Paquetes

Podemos instalar paquetes usando la función **install.packages()**, dando como argumento el nombre del paquete que deseamos instalar, entre comillas. Hecho esto, aparecerán algunos mensajes en la consola mostrando el avance de la instalación.

<u>Sólo es necesario instalar un paquete una vez</u>, pero como cualquier software, los paquetes son actualizados a menudo por sus autores. Si se quiere actualizar cualquier paquete que instalado, utilice **update.packages()**.

La función installed.packages() muestra los paquetes instalados, junto con su número de versión, dependencias e información adicional.

Para utilizar un paquete instalado en una sesión de **R**, es necesario cargar el paquete mediante el función library() usando como argumento el nombre del paquete que se quiere utilizar.

<u>Recomendación</u>: Después de instalado cualquier paquete, coloque un comentario (#) al comienzo de la línea, para evitar la instalación redundante de paquetes en futuras sesiones.







