Brin codant (ou sens) brin d'ADN qui contient la même séquence que celle transcrite en ARN. Par opposition au brin non codant ou transcrit.

L'ADN et l'ARN peuvent être :

Circulaire	Linéaire	Segmenté
= 6		

En fonction du nombre de brin :

monocaténaire	bicaténaire	
---------------	-------------	--

Rmq: tous les combinaisons d'ARN et d'ADN sont possible chez les Virus.

Comparaison de l'ADN entre les procaryotes et les Eucaryotes :

Type de cellules	Bactéries	Eucaryotes
Type d'ADN	circulaire, bicaténaire	Linéaire, bicaténaire
Nbre de	Unique	Plusieurs
chromosomes		
ADN annexe	Plasmides	

<u>Rmq</u>: L'ADN des mitochondries et des chloroplastes a la même structure que celui des Bactéries.

Structure de l'ADN

Un nucléotide est composé de :

Un	ou	plusieurs	Un	pentose	(sucre):	Une base azoté
pho	sphate	25	ribo	se (ARN) ou		
			désoxyribose (ADN)		ADN)	

Rmq: Le désoxyribose est un ribose ayant perdu un groupement OH sur le carbone 2.

Les bases se classent en deux catégories en fonction de leur précurseur :

Conformation de l'ADN

Chez les Bactéries, le chromosome peut avoir deux conformations :

relâchées	su	per enroulée

Chez les Eucaryotes, l'ADN est accompagné de protéines qui permettent sa compaction dans la cellule. Ils forment un complexe qui prend la forme d'un chromosome appelé ADN génomique. L'ADN est :

- 1. L'ADN est enroulé autour d'histone de façon répétitive qui forme une alternance entre d'un solénoïde et d'un nucléosome.
- 2. Boucles de chromatine · Rosettes de boucles

L'ARN est soumis à un appariement spontané et local de type :

Linéaire	Pseudo nœud	Épingle à cheveux	Tire-boucle		
À partir de son ADN, une cellule produit quatre types d'ARN :					

T de transfert R ribosomaux	M messager	sn pour petits nucléaires
-------------------------------	------------	---------------------------

Informations générales à connaitre

Un tour d'hélice d'ADN est formé par 10 bases d'ADN et mesure 3.4nm de hauteur.

Masse molaire des nucléotides (g.mol⁻¹):

	ARN	ADN
Monophosphate	340	330
Triphostate	500	490

Du code génétique à la protéine

Élongation progression du ribosome le long du brin d'ARNm

Défini une séquence de nucléotides à partir de la chaine peptidique

C'est l'ARNt qui sert de clés de traduction entre les codons et les acides aminés. Il possède une petite portion variable appelée anticodon qui assure la correspondance entre le codon et l'aa.

L'ARNt est associé par son extrémité Béta par une liaison covalente à l'acide aminé correspond à son anticodon pour former un complexe s'appelle aminoacyl-ARNt par aminoacyl-ARNt synthétase.

Traduction

Les étapes de la traduction sont :

- 1. La petite sous unité se positionne sur le brin d'ARNm.
- 2. Elle se déplace sur l'ARNm jusqu'à la séquence consensus
- 3. Recrutement de la grande sous unité
- 4. Ajout des aa grâce à l'aminoacyl-ARNt.
- 5. Lors de l'apparition du codon stop. Le facteur de terminaison s'associe à l'ARNm et provoque la dissociation du ribosome.

Il existe moins d'anticodons que de codons car pour plusieurs acides aminée. Un anticodon peut interagir avec plusieurs codons grâce soit :

- L'inosine, une base modifiée capable d'interagir avec A, C ou U
- Un apparemment G et U.

Ce type d'appariement est dit bancal. Il permet de restreindre le nombre d'ARNt nécessaire pour traduire les codons. Ainsi il augmente l'efficacité de traduction.

phase ouverte de lecture (ORF en anglais) séquence de codon traduite en acide aminé. Elle contient le codon initiateur et stop.

Manipulation de l'ADN

Objectif:

- faire synthétiser une enzyme par un autre organisme pour par exemple étudier ses effets.
- Réaliser des copies d'une séquence d'ADN

Pour pouvoir étudier les effets d'une séquence d'ADN, il faut :

- 1. Isoler la séquence d'intérêt.
- 2. Créer un vecteur de clonage avec la séquence d'intérêt.
- 3. L'insérer dans un autre organisme.
- 4. Vérifier la présence de la séquence et sa réplication.

L'objectif du cours étant d'être capable d'élaborer un protocole pour étudier une séquence d'ADN particulière.

Banque introduction d'une multitude de fragments pour déterminer ultérieurement le gène d'intérêt.

Protéine de fusion combinaison de séquences de gènes pour former une protéine chimérique.

Les OGN sont interdits car il existe des risques probables pour la santé. Leur culture est interdite car les gènes d'OGN peuvent contaminer lors de fécondation avec des espèces non modifiées, par exemple lorsque les champs sont proches.

Extraire la séquence d'ADN d'intérêt

L'extraction et l'identification de la séquence d'ADN d'intérêt nécessite :

- 1. Extraire et purifier l'ADN de la cellule.
- 2. Extraire la séquence d'intérêt.

Insert séquence d'ADN d'intérêt.

Extraire l'ADN d'une cellule

Pour pouvoir récupérer l'ADN d'une cellule, il faut procéder à :

- 1. La libération de l'ADN des cellules en utilisant des détergents et des protéinases.
- 2. La purification de l'ADN génomique avec du phénol ou du chloroforme pour éliminer les protéines associées à l'ADN.
- 3. Précipité l'ADN pour le concentrer. La précipitation a lieu en utilisant de l'éthanol ou de l'isopropanol.

Reconnaitre et sélectionner le fragment d'intérêt

Pour déterminer le fragment d'intérêt, il est possible de procéder :

- En utilisant une sonde d'hybridation avec la séquence étudiée.
- Par sélection fonctionnelle Par l'indentification de la protéine d'intérêt. Tous les fragments sont insérés dans des vecteur d'expression puis on identifie la protéine d'intérêt.

Sonde d'hybridation courte séquence complémentaire de celle étudiée.

Vecteur d'expression vecteur de clonage avec un promoteur bactérien.

L'organisme modèle eucaryote utilisé est la levure offre l'avantage d'être facile à cultiver et qui possède une capacité rare chez les eucaryotes de pouvoir utiliser les plasmides.

Couper la séquence d'intérêt

Une séquence d'ADN peut être couper par l'utilisation d'enzymes soit :

Endonucléase	exonucléase

L'ADN peut être coupé à un endroit particulier en utilisant une endonucléase appelé endonucléase de restriction. Elle reconnait une séquence spécifique et réalise une coupure de l'ADN.

<u>Rmq</u>: Contrairement aux autres endonucléases, les enzymes de restrictions coupent l'ADN au niveau de la zone de reconnaissance.

Enzyme de restriction enzyme reconnaisse des séquences d'ADN et qui les supprimes produit par les bactéries. Elle fait partie des mécanismes de défense des bactéries contre les virus.

Palindrome séquence reconnue par l'endonucléase de restriction. Elle ne dépend pas du brin.

Site de clonage site reconnu par l'enzyme de restriction.

Les enzymes de restriction se composent de deux sous unités (dimère). La coupe est :

Franche,	les	deux	brins	sont	Cohésive, la séparation à lieu
coupés au	ı mêr	me nive	au.		

Lorsque les extrémités sont cohésives, il faut préciser l'extrémité sortante 5' ou 3'.

<u>Rmq</u>: Deux enzymes différentes peuvent produire des extrémités complémentaires.

Exemple : Enzyme II (G/ATC) coupe au premier nucléotide du palindrome : G-ATC et CTA-G.

Extraire l'ADN de la chaine peptidique de cellules eucaryotes

Chez les eucaryotes, l'épissage complique l'extraction du gène lorsque l'on souhaite le faire exprimer par une bactérie car ce processus est absent chez ces dernières. Il faut récupérer la séquence composée uniquement des exons. Pour cela, il faut :

- 1. Extraire l'ARNm mature càd après l'épissage du gène d'intérêt.
- 2. Rétro transcrire ARNm en ADN avec une transcriptase, une enzyme d'origine virale.
- 3. Supprimer le brin d'ARN avec une Rnase H.
- 4. Ajouter une amorce TTTTTT appelée, oligo T. Elle vient se fixer sur la queue poly A de l'ARNm.
- 5. Ajouter un ADN polymérase pour synthétiser le brin complémentaire.

<u>Rmq</u>: la transcriptase synthétise le brin non codant et l'ADN polymérase le brin codé appelé ADN complémentaire.

Attention les modifications post-traductionnelles des protéines eucaryotes ne sont pas réalisable dans les Bactéries.

Fabrication d'un vecteur de clonage

Un vecteur (ou véhicule) de clonage est plasmide qui possède :

- un site d'origine de réplication qui permet la réplication autonome du vecteur càd indépendamment de la cellule.
- Un site de multiclonage (appelé aussi polylinker). Ce sont les zones d'intégration possible. Le site contient plusieurs sites de restriction uniques pour qu'une seule ouverture soit possible

Très souvent, on ajoute :

- Un agent de sélection caractère sélectif
- (si on chercher à faire exprimer le gène) avoir un promoteur en amont pour permettre la transcription du gène.

Vecteur de clonage plasmide ayant reçu une séquence d'ADN extérieure.

Vecteur recombinant vecteur qui possède l'insert.

<u>Rmq</u>: Chez les Bactéries, les plasmides confèrent un avantage mais ne sont pas indispensables à la survie.

NB : Le cours se limite à la présentation des plasmides. Ils sont capables d'accueillir des insertions ayant de maximum 10Kb

Cartographie de restriction

Une cartographie de restriction permet de connaître la structure du vecteur de clonage. Elle se présente sous la forme d'une cercle avec la position par rapport à une origine relative de :

- Les sites de restriction des principales enzymes.
- La séquence d'intérêt.

Pour la réaliser, il faut mesurer la taille et le nombre de fragments générés par chaque enzyme de restriction. Ces informations sont déterminées par électrophorèse.

<u>Rmq</u>: Une bande peut contenir plusieurs fragments. Le nombre de fragments équivaut au nombre de sites +1.

Lier l'ADN

Une liaison entre deux extrémités d'ADN peut être créer par une ligase. Elle a besoin d'hydrolyser de l'ATP pour fonctionner. Pour que deux extrémités puissent être liées, il faut qu'elles soient complémentaires.

Pour que l'ADN ne se lie qu'entre les séquences désirées, il faut modifier les groupements phosphodiesters. Pour cela, deux enzymes peuvent être utilisée :

		Supprimer (phosphatase)	Ajouter (polynucléotide kinase)
--	--	-------------------------	---------------------------------

Modifier les extrémités de l'ADN

L'extrémité cohésive de brins d'ADN peut être modifier par l'utilisation de :

	Présence de dNTP	Absence de dNTP
ADN polymérase I	Complète 5'-3'	Supprime 3'-5' et 5'-3'
Enzyme Klenow ou	Complète 5'-3'	Supprime 5'-3'
ADN polymérase T4		

Insérer le vecteur de clonage dans une cellule

Pour qu'un vecteur de clonage puisse entrer dans une cellule, il faut que cette dernière soit dans un état particulier appelé état de compétence. Il peut être obtenu par l'utilisation :

- par électroporation qui consiste à appliquer un champs électrique.
- en bombardant.
- par l'utilisation d'un autre organisme (virus).
- avec une aiguille.
- un choc thermique.
- De produits chimiques.

NB: Un seul plasmide peut entrer par bactérie.

Transmutation application d'un choc thermique ou électrique pour rendre instable la membrane et permettre l'entrée du vecteur dans la bactérie.

Transduction processus de transfert de gènes dans une cellule eucaryotes en utilisant un virus. Par opposition à la transfection qui s'effectue sans.

Déterminer les cellules ayant reçu la vecteur de clonage

À l'issue de l'insertion du vecteur de clonage, toutes les cellules n'ont pas reçu le vecteur recombinant.

Les bactéries obtenues sont diluées suffisamment que l'on prélève la solution pour les déposer sur le gel, elles ne le sont qu'une par une. Elles sont ensuite cultivées.

La détection peut se faire par :

- par anticorps. On utilise un anticorps dirigé contre la protéine pour reconnaitre les colonies qui possèdent le vecteur recombinant.
- par hybridation en utilisant une sonde qui possède des atomes radioactifs ou fluorescents.
- par gène inductible.

Détection du vecteur par gène inductible

Caractère sélectif caractère exprimé par la cellule servant à identifier son génotype. Il s'agit souvent d'une résistance à un antibiotique.

La détection du vecteur recombinant peut être facilité en utilisant un vecteur qui possède :

- Un caractère sélectif. Par exemple qui confère une résistance à une molécule.
- Un gène inducteur qui lorsqu'il est coupé par le vecteur recombinante ne s'exprime plus de façon fonctionnelle.

Exemple : Un vecteur qui possède :

- Un inducteur IPTG qui produit une protéine produit transforme le galactose en un produit de couleur bleu.
- Un caractère sélectif de résistance à la pénicilline.

Si les Bactéries sont alors celle possédant :

- sans plasmide meurent.
- Avec le vecteur recombinant apparaissent blanches.
- Avec le vecteur vide apparaissent bleu.

Techniques complémentaires

Amplification en chaîne par polymérase ACP (ou PCR en anglais)

L'amplification en chaîne polymérase permet de dupliquer un grand nombre de fois des séquences d'ADN ou d'ARN à partir d'une faible quantité. Cela peut servir aussi bien dans les enquêtes criminelles ou pour obtenir le génome de momies ou de mammouths.

Il faut une amorce pour la séquence à amplifier. La méthode consiste à répéter un grand nombre de fois les étapes suivantes :

- 1. Dénaturer en chauffant. L'ADN est dénaturé en étant soumis à une température de 95°C.
- 2. Hybridation avec la sonde. Reformation des liaison d'hydrogène avec une amorce pour chaque brin par une baisse de la température qui correspond à la température de fusion -2°C.
- 3. Réplication. On ajout l'amorce avec des polymérases et des nucléotides pour que l'élongation est lieu. ADN polymérase résistante à la chaleur pour polymériser les séquences. L'ADN polymérase utilisé est issue d'une bactérie vivant dans des sources chaudes. L'élongation a lieu à la température de 72°C et à la vitesse de 1 Kb/min.

Sonde séguence d'ADN courte et complémentaire du monobrin d'intérêt.

Dénaturation de l'ADN

La température de fusion est donnée par 2x(A+T) + 4x(G+C).

Stringence ensemble des conditions de température, pH et de concentrations de ions permettant l'hybridation. Plus les conditions sont favorables à une hybridation plus sa valeur est élevée.

L'utilisation de sels neutralisent les charges et baisse la stringence.

PCR analyse jusqu'à l'épuisement du dNTP

Cette technique permet d'estimer le nombre de matériel de départ (nombre de séquences initiales) ce qui peut être utile pour connaitre le niveau d'expression d'une protéine.

- 1. La quantité de nucléotides est fixé au départ.
- 2. Les cycles sont réalisés jusqu'à épuisement des nucléotides.

Plus le matériel de départ étaient nombreux, plus la phase de réplication aura lieu prématurément.

Séquençage : déterminer la séquence de nucléotides

Pour déterminer la suite de nucléotides, on utilise la technique de terminaison. L'ADN est monobrin est polymérisé avec des nucléotides fluorescents. Le code de la séquence est lu grâce à un laser.

Auparavant:

- Séquençage chimique. Le brin d'ADN est clivé par des molécules qui clivent chaque base de manière spécifique séparer par petit fragment.
- Copie de la séquence avec des nucléotides appelé ddbase avec un H à la place du groupement 3-OH ce qui empêche la liaison appelé terminateur de chaine. Le brin monocaténaire amorce puis le

fragment est testé avec chaque type de ddbase en faible proportion en DNtP.

Électrophorèse sur gel

L'électrophorèse sur gel permet de séparer les acides nucléiques ou les protéines en fonction de leur taille et leur charge. Les morceaux d'ADN ou d'ARN sont déposés sur un gel de polymère comme de polysaccharide (agarose). Ils migrent du – cathode vers le + (anode).

La taille est déterminée à l'aide d'une gamme de référence. Les séquences migrent d'autant plus lentement à travers le réseau de fibre de gel qu'elles sont longues.

Buvard de Southern

Le buyard de Southern se déroule :

- 1. Électrophorèse sur gel.
- 2. Transfert sur buvard en utilisant une solution alcalin (basique). Le buvard est posé sur le gel.
- 3. Hybridation avec une sonde radioactive complémentaire du gène pour les visualiser

Buvard de Nothern buvard avec ARN transcription inverse puis d'une amplification en chaine polymérase ou RT-PCR.

Le clonage

Clonage obtention d'organisme génétiquement identique

Il existe de trois types de clonage :

- D'organisme qui consiste à substituer le génome d'un organisme par un autre notamment celle d'un zygote (cellule œuf).
- Moléculaire (introduction d'un morceau d'ADN dans un autre organisme).
- Cellulaire lié à la reproduction par exemple chez les Bactéries.

Totipotente cellule capable de se dédifférencier. La plupart des cellules végétales dispose de cette capacité contrairement aux cellules animales.

Par exemple, les cellules de la moelle ne sont capables que de donner nombre limité de type cellulaire.

Clonage des Animaux

Des recherches sur le clonage de cellules animales son menées notamment dans le but de développer des traitements par le clonage thérapeutique pour soigner des maladies. L'objectif est de produire des cellules souches càd des cellules peu spécialisées capables de se diviser et de se différencier en d'autres types de cellules.

Le clonage ne donne pas un individu identique à l'original. Cela a permis de démontrer que l'activation de certains gènes durant de développement embryonnaire se produit aléatoirement.

Un des façon de réaliser le clonage d'un animal est de transplanter le noyau d'une cellule de l'animal à cloner dans un ovocyte. Plus vieux le donneur sera vieux moins il y aura de chance que le développement embryonnaire est lieu normalement. Cette faible efficacité est liée à de nombreuses anomalies et changements épigénétiques qui se traduisent par l'acétylation des histones et la méthylation de l'ADN. Chez les Animaux, seules les cellules souche embryonnaire issue du blastocyte sont capables de donner toutes les types cellulaires. Des recherches sont menées pour rendre pluripotente les cellules appelées cellules souches pluripotentes induites.