

Guillaume Devailly

Parcours et projets









Equipe GenEpi:



Génétique et Epigénétique des espèces animales d'intérêt

- Physiologie de traits d'intérêts et des pathologies animales
- Meilleurs annotations des génomes
- Sélection sur marqueurs épigénétiques ?
 EWAS
- Epi-mutations?







Vue d'ensemble



<u>Compétences :</u>

- Bio-informatique biologie computationnelle
- Biologie moléculaire, cellulaire, régulation transcriptionnelle, épigénétique

2015-2017

Post-doctorat en bio-informatique, avec Anagha Joshi Roslin Institute, Université d'Edimbourg



2011-2014

Thèse en Epigénétique & Cancer avec Robert Dante Centre de Recherche en Cancérologie de Lyon, équipe de Patrick Mehlen 3 ans de monitorat à l'Université Claude Bernard de Lyon (Lyon 1)

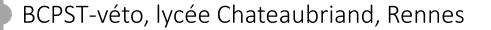
2007-2011

Normalien à l'ENS de Lyon Master Biosciences Agrégation SV-STU, option Biologie moléculaire et cellulaire





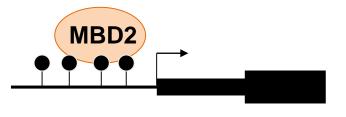


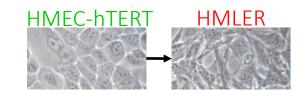


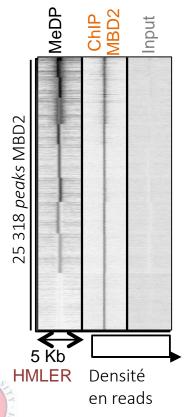
Recherche 1/3

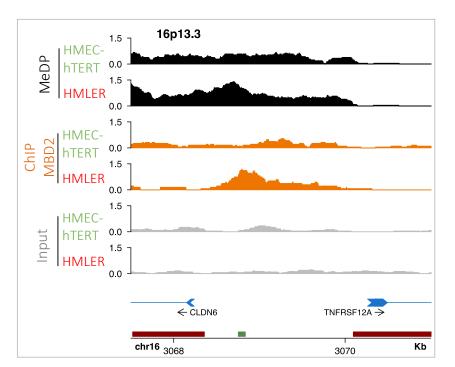


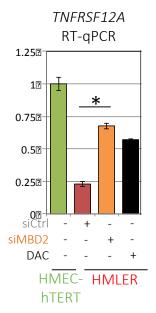
Thèse en épigénétique et cancer :









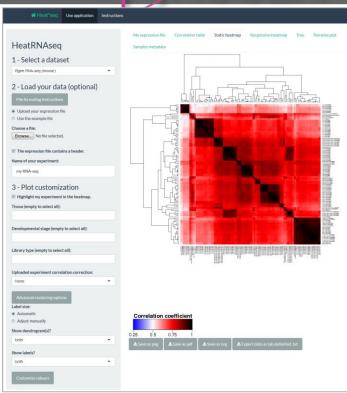




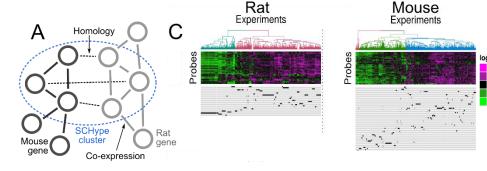
Recherche 2/3

PROSLIN

- Heat*seq
 http://www.heatstarseq.roslin.ed.ac.uk/
- Réseaux de gènes co-régulés et transfert d'annotation (soumis, prépublication disponible)
- Analyse des réplicas de ChIP-seq de FT ENCODE (publié)
- Nombreuses collaborations
 - ChIP
 - Analyses bioinformatiques



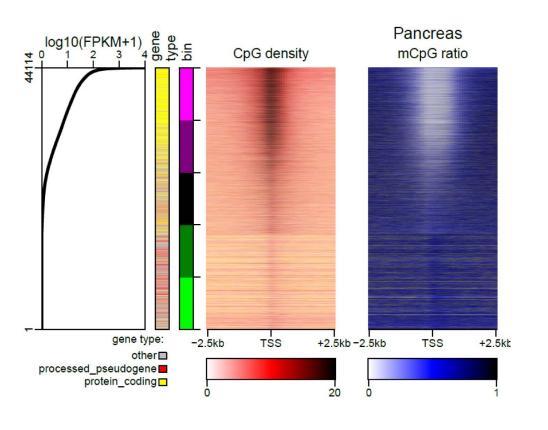




Recherche 3/3



Marques épigénétiques et diversité du transcriptome :



- 33 types cellulaires
- 28 marques histones
- DNAse1
- Sites de terminaison de la transcription
- Exons et épissage
- Promoteurs cryptiques





Responsabilités diverses



Financements





- Encadrement d'étudiants :
 - Lycéen, été 2015, visualisations des données de la base Geisha
 - Master 2, été 2016, filtrage de gènes pour les données de RNA-seq en cellule unique (package R en cours de développement)
 - Doctorante en stage d'échange, automne-hiver 2016
- Responsable financier de la société des post-doctorants du Roslin Institute
- Groupe d'utilisateurs de R d'Edimbourg
- Bloggeur sur <u>bioinfo-fr.net</u>
- Reviewer





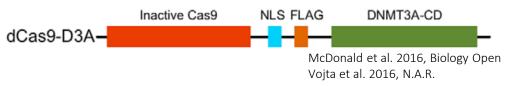




Projets de recherche



Stabilité intra- et intergénérationnelle des épi-mutations chez les volailles



ARN guide + CRISPR-Cas9*/DNMT3A

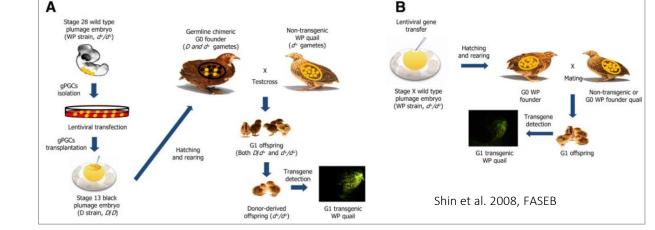


Insertion génétique sous un promoteur inductible

Contrôles négatifs:

- Guides non spécifiques
- DNMT muté
- Absence d'induction

ANR guides ciblant des promoteurs de gènes d'intérêts





Projets de recherche



Stabilité intra- et intergénérationnelle des épi-mutations chez les volailles

- Effets du stade et de la durée de l'induction
- Effets trans-générationnels
- Persistance de l'épimutation en fonction du contexte génétique
- Impact sur la voie ciblée
- Épimutation des modifications des Histones



Ingrid Taylar, wikimedia, CC-by2.0





Remerciements





Robert Dante
Mélodie Grandin
Pauline Mathot
Véronique Corset
Catherine Guy
Solène Le Guervenel
Duygu Ozmadenci
Laury Perriaud
Anne-Pierre Morel
Patrick Mehlen



CNRS UMR7216, Université Paris 7

Pierre-Antoine Defossez
Olivier Kirsh
Benoit Miotto
Audrey Roussel-Gervais









Anagha Joshi

Anna Mantsoki

Pia Loren Reyes Angeles ArzalLuz Tom Michoel Barry Horne



