Machine Learning aplicado a las Ciencias Sociales

Clase 3. Fundamentos de clustering

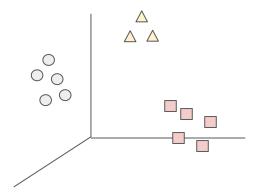


 Amplia clase de métodos que buscan detectar grupos y subgrupos en los datos

- Dado un conjunto de clientes, ¿es posible encontrar segmentos de clientes similares, según su historial de compras?
- Agrupar películas en función de sus clasificaciones
- Encontrar grupos de jurisdicciones en función de características sociodemográficas
- o Etc...

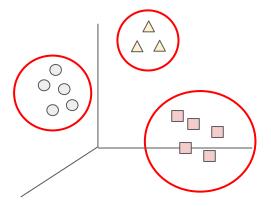


Encontrar **subgrupos** (clústers) en los datos



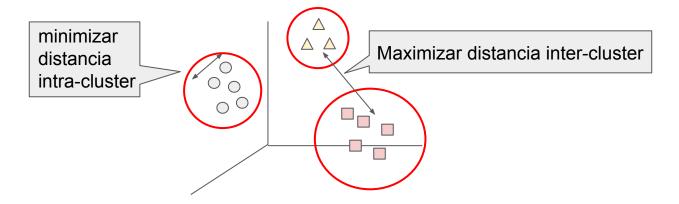


Encontrar **subgrupos** (clústers) en los datos



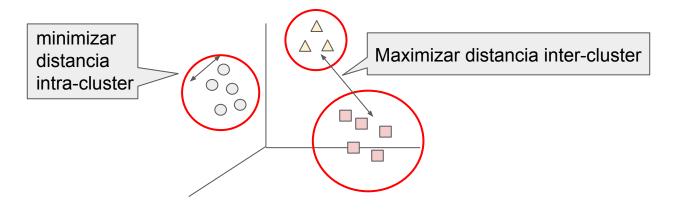


Encontrar **subgrupos** (clústers) en los datos



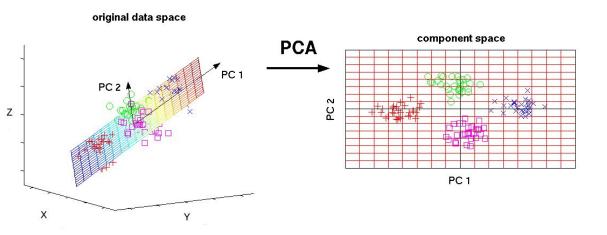


Encontrar **subgrupos** (*clústers*) en los datos



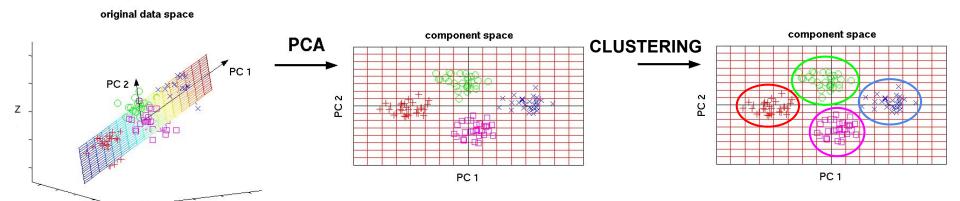
Observaciones dentro de un cluster **similares**Observaciones entre clusters **no similares**





Reducir dimensión maximizando la varianza

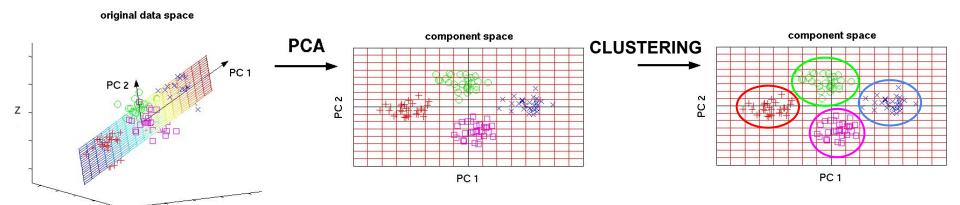




Reducir dimensión maximizando la varianza



X

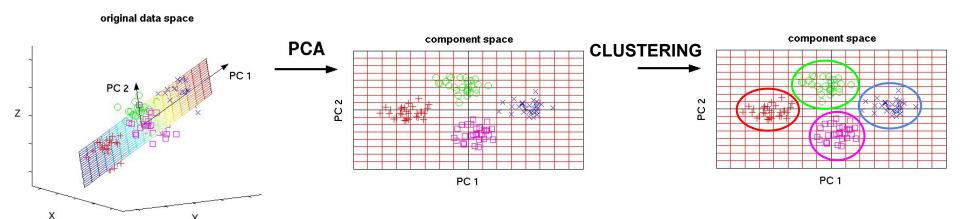


Reducir dimensión maximizando la varianza

Encontrar grupos homogéneos



X



Reducir dimensión maximizando la varianza

Encontrar grupos homogéneos

Se puede encontrar grupos en el espacio de features original Si son muchos

- -> podría ser costoso computacionalmente
- -> podrían esconderse las características que mejor agrupan los datos



Tipos de problemas

- Buscamos encontrar grupos de casos que sean parecidos entre sí
- Es necesario definir qué significa similitud o diferencia
- El conocimiento del dominio es fundamental en esta definición



Dos métodos (entre muchos otros)

K-medias

Encontrar una partición de las observaciones según un número pre-definido de clusters



Dos métodos (entre muchos otros)

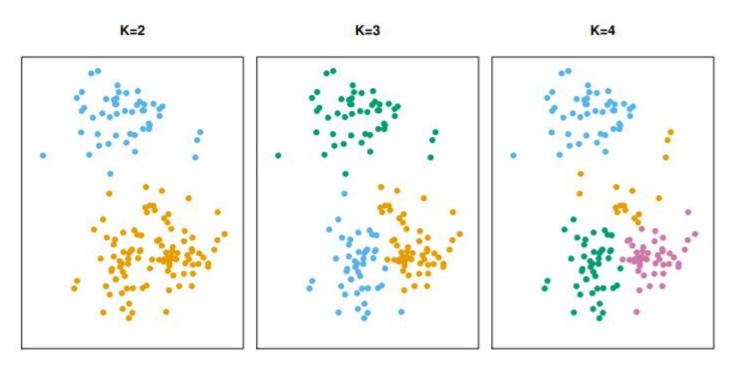
- No conocemos a priori el número de clusters
- Usamos el *dendograma* para definirlo





- Cada puntito es una persona,
 caracterizada por su experiencia laboral
 (eje X) y su ingreso (eje Y)
- ¿Cuántos grupos existen?







- Tenemos K grupos C₁, C₂,..., C_K
- Cada grupo tiene dos propiedades:

$$C_1 \cup C_2 \cup \ldots \cup C_K = \{1,2,3,\ldots,n\}$$
 , es decir que cada unidad pertenece a un cluster

 $\circ \ C_1 \cap C_2 \cap \ldots \cap C_K$, es deriver, que elemento queda clasificado en un solo cluster



- La idea es que un buen esquema de clustering implica que adentro del cluster existe la menor variabilidad posible
- Variabilidad intra-cluster WCV(C_k): medida que indica cuánto se diferencian los elementos al interior de un cluster

$$\min_{C_1,C_2,...,C_K} \left\{ \sum_{k=1}^K WCV(C_k)
ight\}$$



 ¿Cómo definimos la medida de variación intra cluster -WCV-? Típicamente, la distancia euclidiana:

$$WCV(C_k) = rac{1}{|C_k|} \sum_{i,i^{'} \in C_k} \sum_{j=1}^p \left(x_{i,j} - x_{i^{'},j}
ight)^2$$

Entonces, queremos minimizar (nuestra función objetivo)

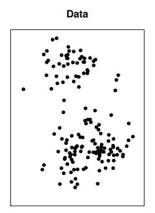
$$\min_{C_1,C_2,...,C_k} \left\{ \sum_{k=1}^K rac{1}{|C_k|} \sum_{i,i^{'} \in C_k} \sum_{j=1}^p \left(x_{i,j} - x_{i^{'},j}
ight)^2
ight\}$$



- 1. Asignar aleatoriamente cada observación a un cluster (entre 1 y K). Esto sirve como un punto de inicialización
- 2. Repetir hasta que la asignación deje de cambiar:
 - 2.1 Para cada uno de los K clusters, computar el centroide (el vector que contiene el promedio de cada una de las variables a considerar)
 - 2.2 Computar la distancia euclidiana de cada caso a cada centroide y asignar cada caso al cluster con el centroide más cercano



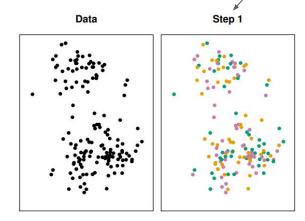
Definimos el número de clusters que buscamos (k)





Inicializamos los centroides de forma aleatoria

Definimos el número de clusters que buscamos (k)

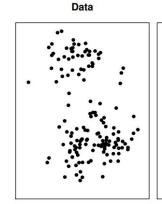


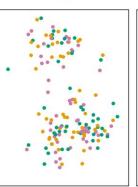


Inicializamos los centroides de forma aleatoria

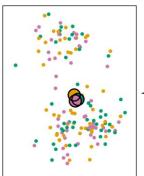
Iteration 1, Step 2a

Definimos el número de clusters que buscamos (k)





Step 1

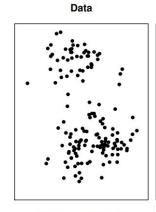


Calculamos los centroides (centros) de cada cluster como el promedio de las features de sus samples

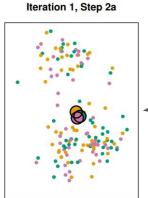


Inicializamos los centroides de forma aleatoria

Definimos el número de clusters que buscamos (k)



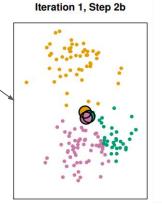




Calculamos los centroides (centros) de cada cluster como el promedio de las features de sus samples

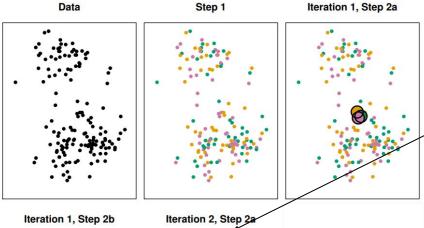
Asignamos cada caso al cluster con centroide más cercano





Inicializamos los centroides de forma aleatoria

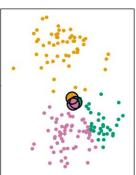
Definimos el número de clusters que buscamos (k)

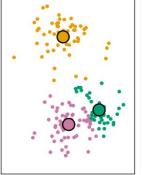


Calculamos los centroides (centros) de cada cluster como el promedio de las features de sus samples

Asignamos cada caso al cluster con centroide más cercano



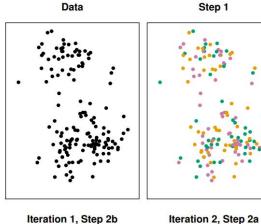


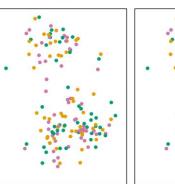


Inicializamos los centroides de forma aleatoria

Iteration 1, Step 2a

Definimos el número de clusters que buscamos (k)



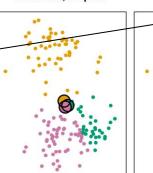


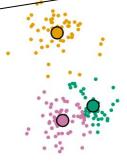
Step 1

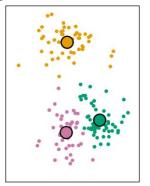
Calculamos los centroides (centros) de cada cluster como el promedio de las features de sus samples

Asignamos cada caso al cluster con centroide más cercano



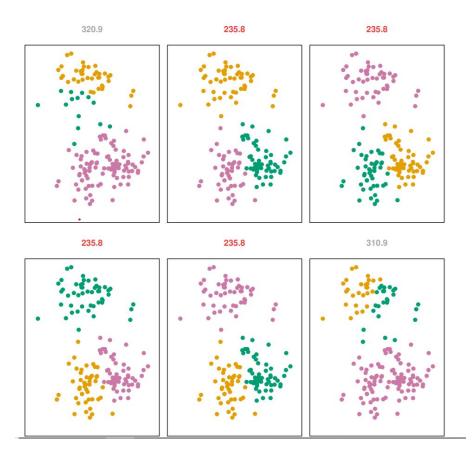






Final Results

K-Medias - Diferentes inicializaciones

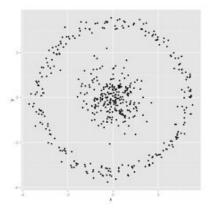


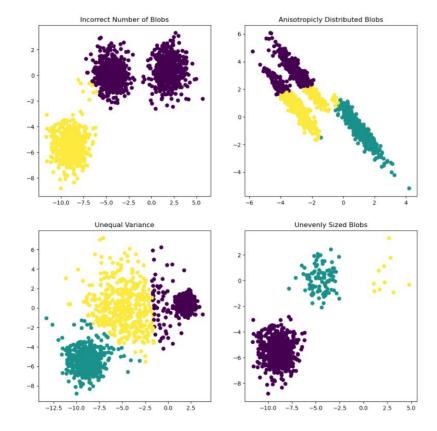
- Inicialización aleatoria: modelo no determinista
- Los resultados dependen de esa inicialización



K-Medias - Ventajas y límites

- + Simple y Fácil de implementar
- Orden del algoritmo es lineal
- Depende de la inicialización
- Tiende a caer en un mínimo local
- Sensible a outliers
- Los clusters tienen que tener forma esférica
- No se puede aplicar a data categórica

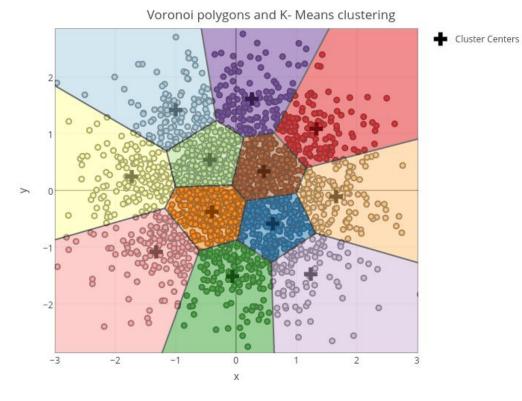






K-Medias - Ventajas y límites

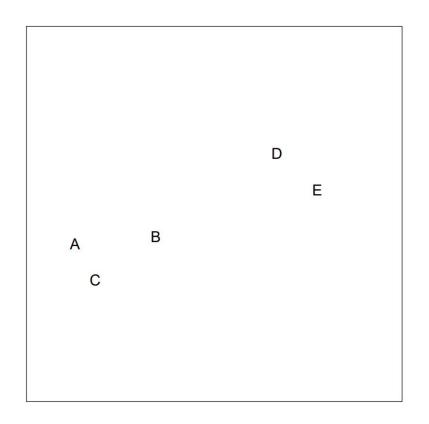
 Da un clustering de los datos aún si los datos no están "clusterizados"





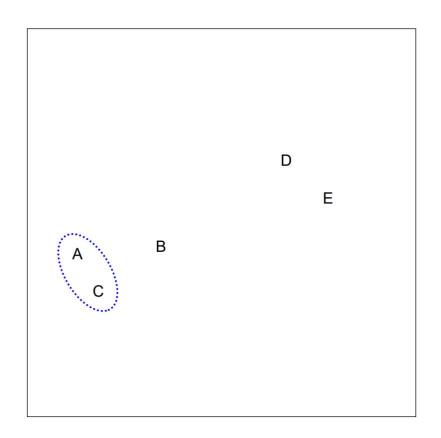
- K-medias requiere especificar de antemano la cantidad de clusters buscados
- El clustering jerárquico ofrece un método para tratar de estimarlo
- Veremos el método más común de clustering jerárquico: bottom-up o "aglomerativo"

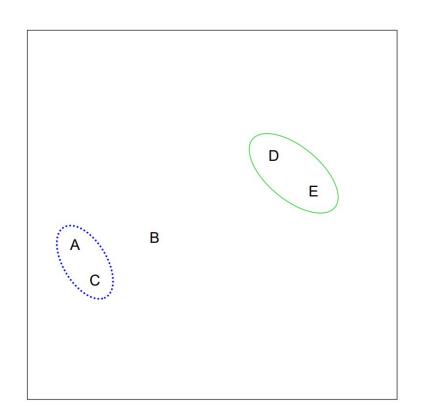




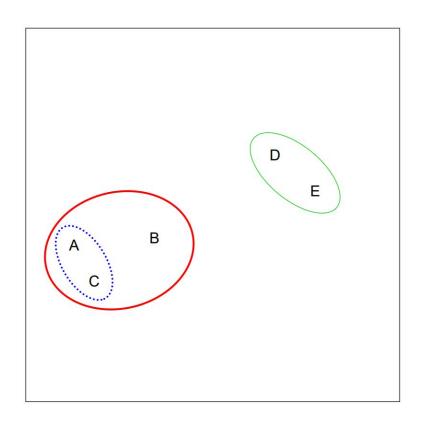


factor~data EIDAES UNSAM

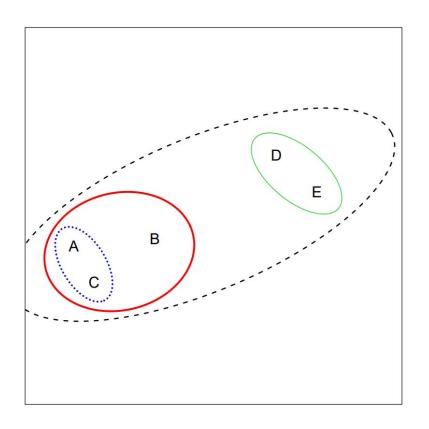








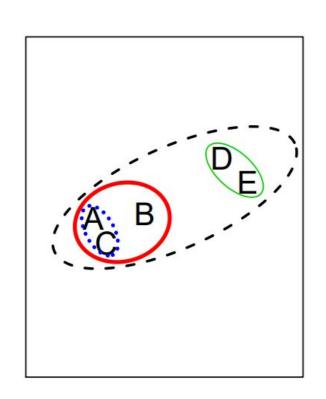




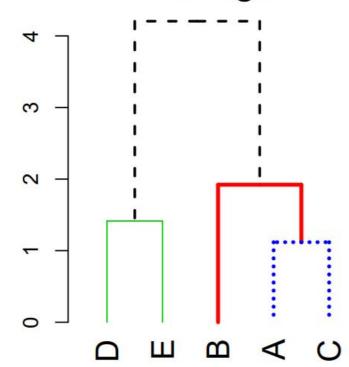


- Empieza con cada caso como un cluster único
- Identifica los clusters más cercanos y los une
- Repite el procedimiento
- Finaliza cuando todos los puntos han sido asignados a un único cluster



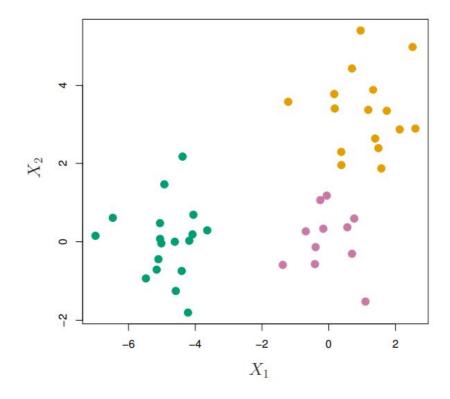


Dendrogram

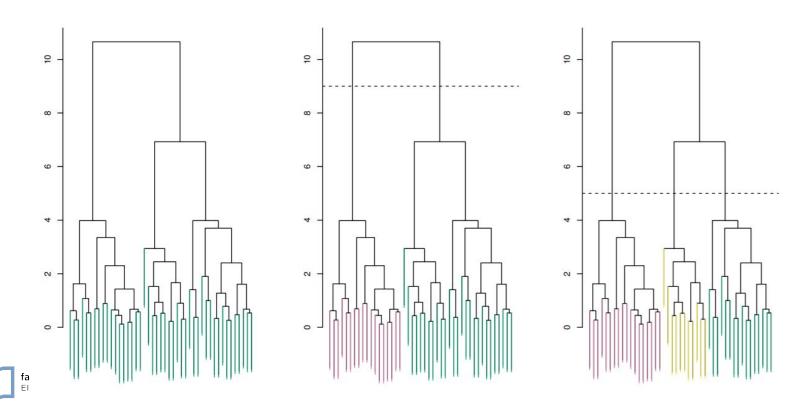




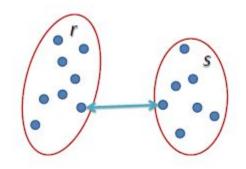
Otro ejemplo





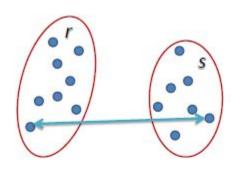


¿Cómo definir el método de aglomeración?



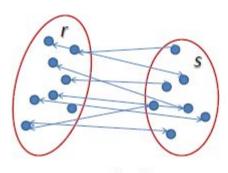
$$L(r,s) = \min(D(x_{ri}, x_{sj}))$$

Single Linkage



$$L(r,s) = \max(D(x_{ri}, x_{sj}))$$

Complete Linkage



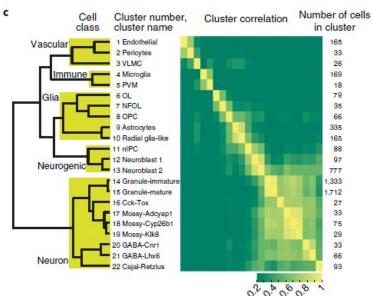
$$L(r,s) = \frac{1}{n_r n_s} \sum_{i=1}^{n_r} \sum_{j=1}^{n_s} D(x_{ri}, x_{sj})$$

Average Linkage



Clustering jerárquico. Ventajas y limitaciones

- + Pueden revelar detalles finos en la relación de los datos
- + Proveen un dendograma interpretable
- + Son determinísticos producen el mismo resultado si se corre
- el mismo modelo con el mismo input
- Son computacionalmente costosos





Problemas prácticos

- ¿Es necesario normalizar las escalas de las variables?
- ¿Qué métrica de similaridad usar?
- ¿Qué método de aglomeración?
- ¿Cuál es el número óptimo de clusters a utilizar?

