

## ▼ Bosque Aleatorio

```
import pandas as pd
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
```

```
from google.colab import drive
drive.mount('/content/drive')
```

Mounted at /content/drive

## ▼ Clasificacion

```
df = pd.read_csv('/content/drive/MyDrive/Inteligencia Artificial Avanzada/car_data.csv')
```

```
df.head()
```

	User ID	Gender	Age	AnnualSalary	Purchased
0	385	Male	35	20000	0
1	681	Male	40	43500	0
2	353	Male	49	74000	0
3	895	Male	40	107500	1
4	661	Male	25	79000	0

```
from sklearn import preprocessing
gender = preprocessing.LabelEncoder()
gender.fit(df['Gender'].unique().tolist())
df['Gender'] = gender.transform(df['Gender'])
```

```
df.head()
```

	User ID	Gender	Age	AnnualSalary	Purchased
0	385	1	35	20000	0

## Separación de datos en sets de entrenamiento, validación y prueba

Es una técnica utilizada para construir modelos confiables que no caigan en resultados con bias que den una falsa impresión sobre la precisión de estos. En este caso se van a utilizar un 80% de los datos para entrenar los modelos, un 10% para ir validando con pruebas y al final el 10% restante para probar el modelo.

```
from sklearn.model_selection import train_test_split

X = df.drop(['Purchased','User ID'], axis = 1)
y = df['Purchased']
X_train, X_rem, y_train, y_rem = train_test_split(X, y, test_size=0.20,random_state=9)

X_valid, X_test, y_valid, y_test = train_test_split(X_rem,y_rem, test_size=0.5,random_state=8)
```

## Modelo Inicial

Este modelo inicial se realiza con los parámetros que tiene por default la librería, entre los que destacan que no tienen límites los árboles generados por lo que se pueden extender hasta donde sean tomando una hoja por cada variable. Esto puede contribuir a un overfitting, por lo que no debería de ser la primera opción el dejarla así.

Para comprender el overfitting primero se tienen que explicar los conceptos de bias y varianza. El bias es la diferencia entre la predicción promedio que calcula el modelo y el valor real. Y la varianza es la variabilidad de la predicción del modelo contra el valor real. Esto quiere decir que un modelo con un bias alto no aprende bien los datos y por lo tanto va a presentar underfitting. Mientras que un modelo con alta varianza aprendió completamente los datos y por lo tanto presenta overfitting. El objetivo de estas pruebas para optimizar los parámetros es encontrar un equilibrio entre estos dos conceptos para que sea un modelo que haga predicciones correctas.

```
from sklearn import metrics
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier

clf=RandomForestClassifier()
```

```

clf.fit(X_train,y_train)

y_pred=clf.predict(X_valid)
y_pred_1 = clf.predict(X_train)

print("Precisión Entrenamiento:",metrics.accuracy_score(y_train, y_pred_1))
print("Precisión Validación:",metrics.accuracy_score(y_valid, y_pred))

    Precisión Entrenamiento: 0.9975
    Precisión Validación: 0.87

```

A pesar de ser un modelo sin optimizar, se obtuvieron muy buenos resultados en cuanto a la precisión con el set de validación.

Grado de bias y varianza: el set de entrenamiento presenta una alta varianza, ya que se ajusta de gran manera y se aprendió los datos. Para el bias hay un nivel medio, ya que no aprendió más o menos para las predicciones con la validación.

Nivel de ajuste del modelo: Si se compara con el valor de train se observa overfitting, ya que existe una gran diferencia entre las precisiones.

```

from sklearn.metrics import roc_curve, auc
false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_valid, y_pred)
roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
roc_auc

    0.8696943972835314

```

Es bueno el puntaje de roc\_auc que se utiliza para clasificaciones binarias como en este caso, ya que el máximo valor es de 1.

```

from sklearn.model_selection import cross_val_score

scores = cross_val_score(clf, X, y, cv=5)

print("%0.2f accuracy with a standard deviation of %0.2f" % (scores.mean(), scores.std()))

    0.90 accuracy with a standard deviation of 0.02

```

La validación cruzada es una alternativa a la técnica de separar en sets de entrenamiento, validación y prueba. Con la librería de sklearn se puede simular el modelo previo con todo el conjunto de datos y obtener otra métrica con la cual evaluar si el modelo es bueno sin obtener overfitting o underfitting.

```

from sklearn.metrics import mean_squared_error

```

```

from sklearn.metrics import mean_squared_error
from matplotlib.legend_handler import HandlerLine2D

train_results = []
test_results = []
validation_results = []
list_nb_trees = [5, 10, 15, 30, 50, 75, 100, 150, 200]

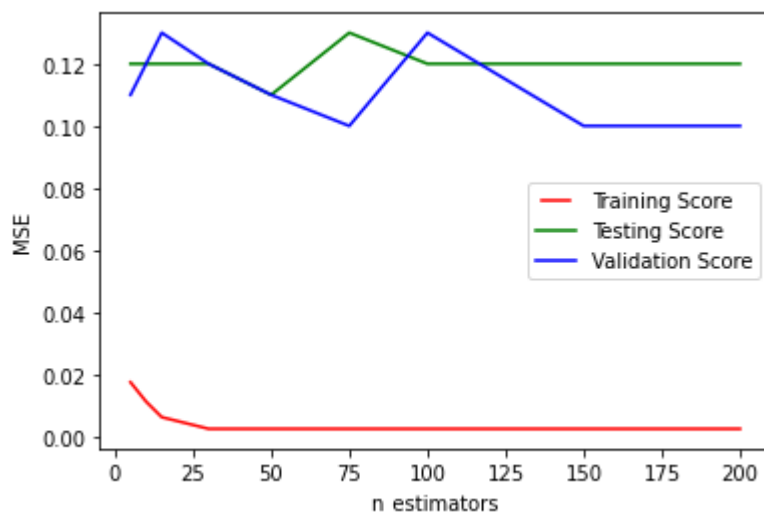
for nb_trees in list_nb_trees:
    clf=RandomForestClassifier(n_estimators=nb_trees)
    clf.fit(X_train, y_train)

    train_results.append(mean_squared_error(y_train, clf.predict(X_train)))
    test_results.append(mean_squared_error(y_test, clf.predict(X_test)))
    validation_results.append(mean_squared_error(y_valid, clf.predict(X_valid)))

line1, = plt.plot(list_nb_trees, train_results, color="r", label="Training Score")
line2, = plt.plot(list_nb_trees, test_results, color="g", label="Testing Score")
line3, = plt.plot(list_nb_trees, validation_results, color="b", label="Validation Score")

plt.legend(handler_map={line1: HandlerLine2D(numpoints=2)})
plt.ylabel('MSE')
plt.xlabel('n_estimators')
plt.show()

```



En esta gráfica se comparan los errores cuadrados medios de los diferentes sets de datos al ir aumentando el número de árboles en el bosque. Se puede observar como el set de entrenamiento tiene el valor más bajo de error, y que este se estabiliza después de un gran número de iteraciones. Los otros dos sets tienen que

```

from sklearn.metrics import confusion_matrix
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns

```

```

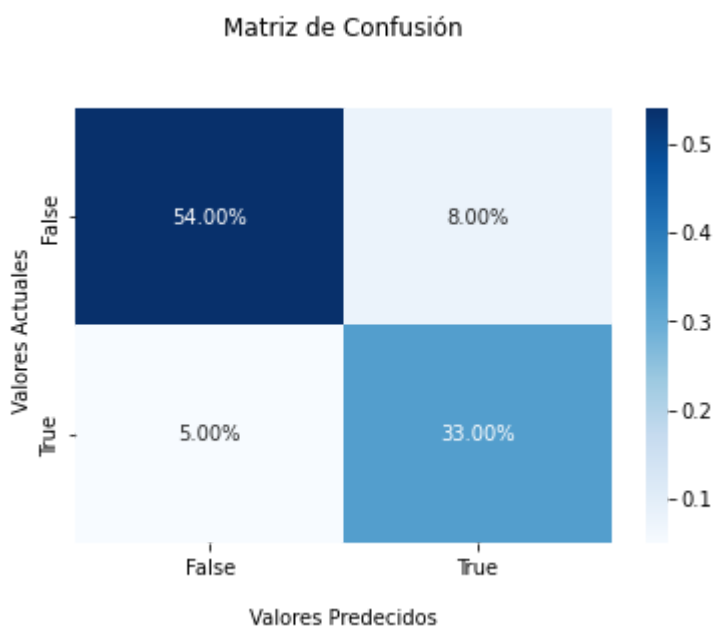
cf_matrix = confusion_matrix(y_valid, y_pred)
ax = sns.heatmap(cf_matrix/np.sum(cf_matrix), annot=True,
                  fmt='.2%', cmap='Blues')

ax.set_title('Matriz de Confusión\n\n');
ax.set_xlabel('\nValores Predecidos')
ax.set_ylabel('Valores Actuales ');

ax.xaxis.set_ticklabels(['False','True'])
ax.yaxis.set_ticklabels(['False','True'])

plt.show()

```



Se puede observar con la matriz de confusión que los errores de clasificación son mínimos y que más que nada hay falsos positivos.

## ▼ Búsqueda para encontrar los mejores parámetros

```

n_estimators = [1, 2, 4, 8, 16, 32, 64, 100, 200]
train_results = []
test_results = []
for estimator in n_estimators:
    rf = RandomForestClassifier(n_estimators=estimator, n_jobs=-1)
    rf.fit(X_train, y_train)
    train_pred = rf.predict(X_train)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_train, train_pred)

```

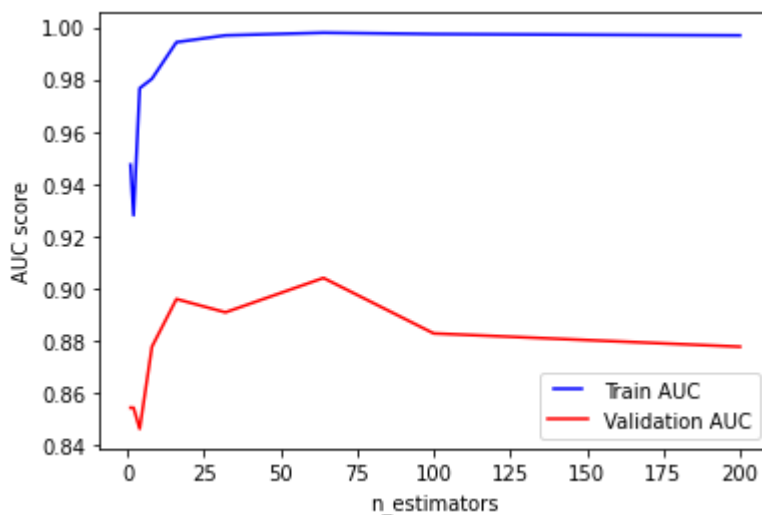
```

roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
train_results.append(roc_auc)
y_pred = rf.predict(X_valid)
false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_valid, y_pred)
roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
test_results.append(roc_auc)
from matplotlib.legend_handler import HandlerLine2D
print(max(train_results))
print(max(test_results))
line1, = plt.plot(n_estimators, train_results, 'b', label='Train AUC')
line2, = plt.plot(n_estimators, test_results, 'r', label='Validation AUC')
plt.legend(handler_map={line1: HandlerLine2D(numpoints=2)})
plt.ylabel('AUC score')
plt.xlabel('n_estimators')
plt.show()

```

0.997907949790795

0.9040747028862478



De este gráfica se puede rescatar el número de estimadores que son necesarios, donde se puede observar que llega un momento en el que los dos sets se estabilizan que es a partir del 100.

```

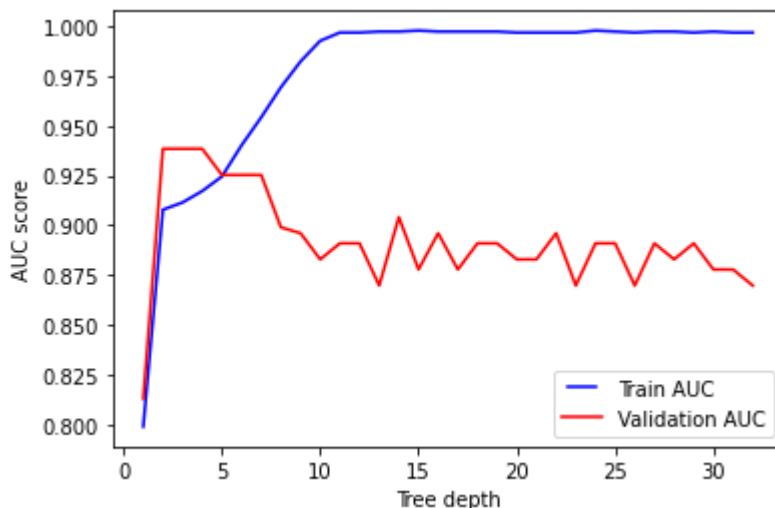
max_depths = np.linspace(1, 32, 32, endpoint=True)
train_results = []
test_results = []
for max_depth in max_depths:
    rf = RandomForestClassifier(max_depth=max_depth, n_jobs=-1)
    rf.fit(X_train, y_train)
    train_pred = rf.predict(X_train)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_train, train_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
    train_results.append(roc_auc)
    y_pred = rf.predict(X_valid)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_valid, y_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)

```

```

test_results.append(roc_auc)
from matplotlib.legend_handler import HandlerLine2D
line1, = plt.plot(max_depths, train_results, 'b', label='Train AUC')
line2, = plt.plot(max_depths, test_results, 'r', label='Validation AUC')
plt.legend(handler_map={line1: HandlerLine2D(numpoints=2)})
plt.ylabel('AUC score')
plt.xlabel('Tree depth')
plt.show()

```



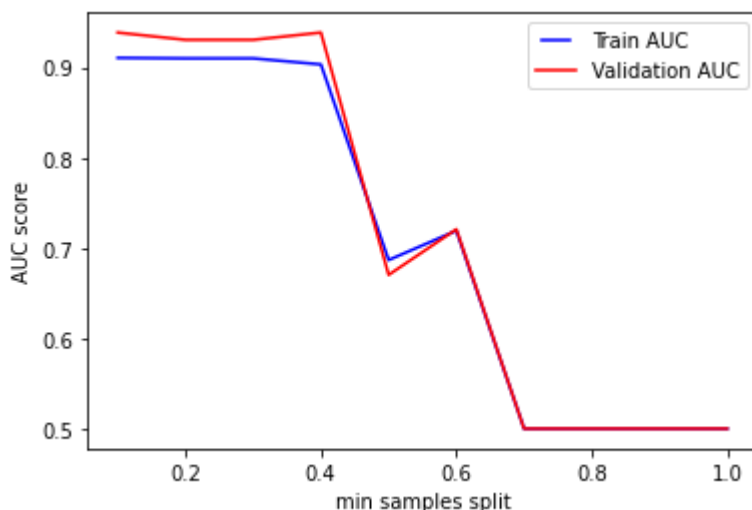
En esta se puede observar que hay un punto en el que está subiendo el puntaje con el set de validación y llega a ser el mismo que con el set de entrenamiento. Después de esto al seguir subiendo el nivel de profundidad se genera overfitting, ya que mejora el set de entrenamiento y varía el de validación.

```

min_samples_splits = np.linspace(0.1, 1.0, 10, endpoint=True)
train_results = []
test_results = []
for min_samples_split in min_samples_splits:
    rf = RandomForestClassifier(min_samples_split=min_samples_split)
    rf.fit(X_train, y_train)
    train_pred = rf.predict(X_train)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_train, train_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
    train_results.append(roc_auc)
    y_pred = rf.predict(X_valid)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_valid, y_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
    test_results.append(roc_auc)
from matplotlib.legend_handler import HandlerLine2D
line1, = plt.plot(min_samples_splits, train_results, 'b', label='Train AUC')
line2, = plt.plot(min_samples_splits, test_results, 'r', label='Validation AUC')
plt.legend(handler_map={line1: HandlerLine2D(numpoints=2)})
plt.ylabel('AUC score')
plt.xlabel('min samples split')

```

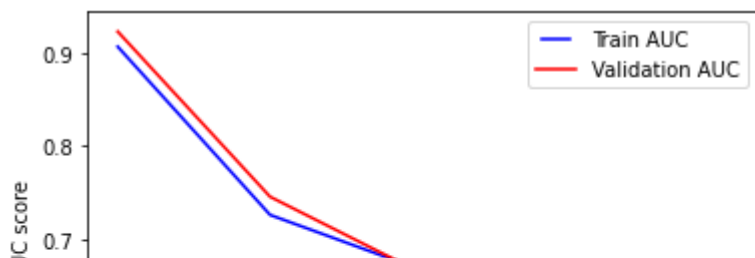
```
plt.show()
```



Los puntajes son cada iguales, por lo que este parámetro no contribuye al overfitting, y se puede observar de la importancia de que este valor sea bajo.

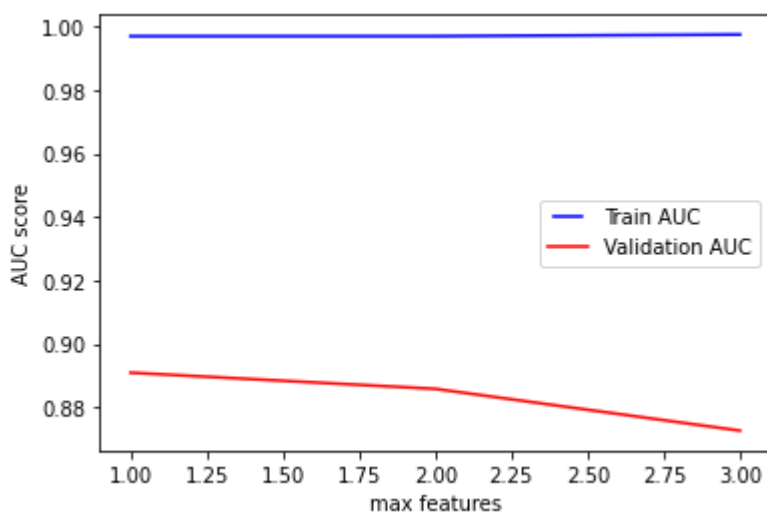
```
min_samples_leafs = np.linspace(0.1, 0.5, 5, endpoint=True)
train_results = []
test_results = []
for min_samples_leaf in min_samples_leafs:
    rf = RandomForestClassifier(min_samples_leaf=min_samples_leaf)
    rf.fit(X_train, y_train)
    train_pred = rf.predict(X_train)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_train, train_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
    train_results.append(roc_auc)
    y_pred = rf.predict(X_valid)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_valid, y_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
    test_results.append(roc_auc)
from matplotlib.legend_handler import HandlerLine2D
line1, = plt.plot(min_samples_leafs, train_results, 'b', label='Train AUC')
line2, = plt.plot(min_samples_leafs, test_results, 'r', label='Validation AUC')
plt.legend(handler_map={line1: HandlerLine2D(numpoints=2)})
plt.ylabel('AUC score')
plt.xlabel('min samples leaf')
plt.show()
```





Algo parecido al parámetro anterior, no cambian mucho entre los dos sets, y hay que cuidar que sea bajo.

```
max_features = [1,2,3]
train_results = []
test_results = []
for max_feature in max_features:
    rf = RandomForestClassifier(max_features=max_feature)
    rf.fit(X_train, y_train)
    train_pred = rf.predict(X_train)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_train, train_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
    train_results.append(roc_auc)
    y_pred = rf.predict(X_valid)
    false_positive_rate, true_positive_rate, thresholds = roc_curve(y_valid, y_pred)
    roc_auc = auc(false_positive_rate, true_positive_rate)
    test_results.append(roc_auc)
from matplotlib.legend_handler import HandlerLine2D
line1, = plt.plot(max_features, train_results, 'b', label='Train AUC')
line2, = plt.plot(max_features, test_results, 'r', label='Validation AUC')
plt.legend(handler_map={line1: HandlerLine2D(numpoints=2)})
plt.ylabel('AUC score')
plt.xlabel('max features')
plt.show()
```



De aquí se puede rescatar que son necesarios todos los features posibles.

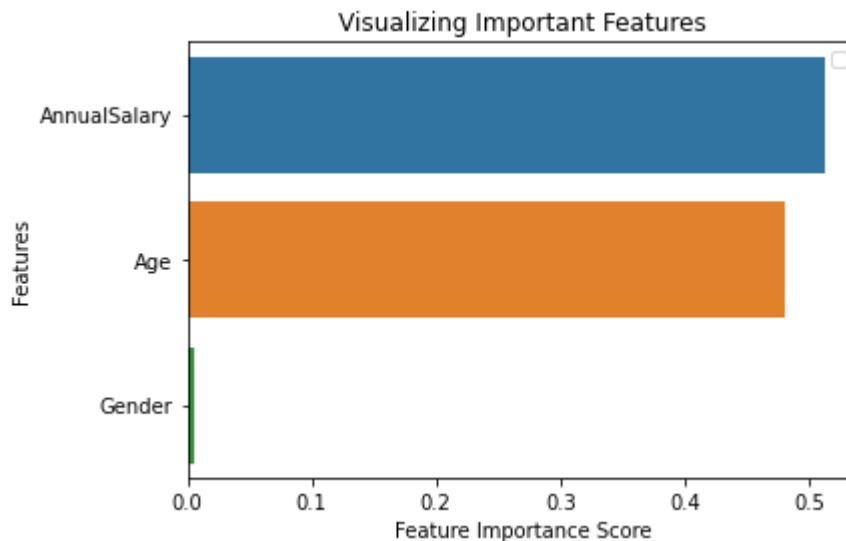
```

names = list(X_test.columns)
feature_imp = pd.Series(clf.feature_importances_,index=names).sort_values(ascending=False)
sns.barplot(x=feature_imp, y=feature_imp.index)

plt.xlabel('Feature Importance Score')
plt.ylabel('Features')
plt.title("Visualizing Important Features")
plt.legend()
plt.show()

```

WARNING:matplotlib.legend:No handles with labels found to put in legend.



En el análisis de la importancia de cada variable para el modelo se puede observar que la variable de género no aporta al modelo.

## ▼ Modelos conforme a las pruebas realizadas

```

X_train_1 = X_train.drop(['Gender'],axis=1)
X_valid_1 = X_valid.drop(['Gender'],axis=1)
X_test_1 = X_test.drop(['Gender'],axis=1)

```

## ▼ Modelo 1

```

clf_1=RandomForestClassifier(n_estimators = 100,max_depth=6,random_state=0)

clf_1.fit(X_train_1,y_train)

y_pred=clf_1.predict(X_valid_1)
y_pred_1 = clf_1.predict(X_train_1)

```

```

y_pred_1 = clf_1.predict(X_train_1)
y_pred_3 = clf_1.predict(X_test_1)

print("Precisión Entrenamiento:",metrics.accuracy_score(y_train, y_pred_1))
print("Precisión Validación:",metrics.accuracy_score(y_valid, y_pred))
print("Precisión Testeo:",metrics.accuracy_score(y_test, y_pred_3))

    Precisión Entrenamiento: 0.94125
    Precisión Validación: 0.91
    Precisión Testeo: 0.93

```

El modelo sin la variable previamente mencionada y tomando en cuenta los dos parámetros más significativos en las pruebas arrojó muy buenos resultados. Se observa que hay menor overfitting que en el modelo original, y que existe una buena combinación entre el nivel de varianza y el de bias, los cuales se podrían decir que están en un nivel bajo.

## ▼ Modelo 2

```

from sklearn import metrics
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier

clf=RandomForestClassifier(max_depth=6,n_estimators=150, min_samples_leaf=0.1,random_state=0,

clf.fit(X_train,y_train)

y_pred=clf.predict(X_valid)
y_pred_1 = clf.predict(X_train)
y_pred_2 = clf.predict(X_test)

print("Precisión Entrenamiento:",metrics.accuracy_score(y_train, y_pred_1))
print("Precisión Validación:",metrics.accuracy_score(y_valid, y_pred))
print("Precisión Testeo:",metrics.accuracy_score(y_test, y_pred_2))

    Precisión Entrenamiento: 0.89375
    Precisión Validación: 0.89
    Precisión Testeo: 0.87

```

Al poner los parámetros que más aumentarían la precisión con el set de validación se benefició únicamente este y bajaron las precisiones con los otros dos sets, por lo que no es el modelo correcto.

## ▼ Modelo 3

```

clf=RandomForestClassifier(max_depth=6,random_state=0)

clf.fit(X_train,y_train)

y_pred=clf.predict(X_valid)
y_pred_1 = clf.predict(X_train)
y_pred_2 = clf.predict(X_test)

print("Precisión Entrenamiento:",metrics.accuracy_score(y_train, y_pred_1))
print("Precisión Validación:",metrics.accuracy_score(y_valid, y_pred))
print("Precisión Testeo:",metrics.accuracy_score(y_test, y_pred_2))

    Precisión Entrenamiento: 0.9325
    Precisión Validación: 0.91
    Precisión Testeo: 0.89

```

Un modelo bastante simple que tiene buen equilibrio entre la varianza y bias, por lo cual no tiene overfitting o underfitting. Este modelo se realizó debido a que es de los parámetros que mayor precisión proporcionaban en las pruebas.

## ▼ Métricas de Desempeño

A partir de los resultados de los modelos, se puede observar que el mejor fue el primero, el cual tuvo la mejor precisión en todos los sets.

```

train_results = []
test_results = []
validation_results = []
list_nb_trees = [5, 10, 15, 30,50,75,100,150]

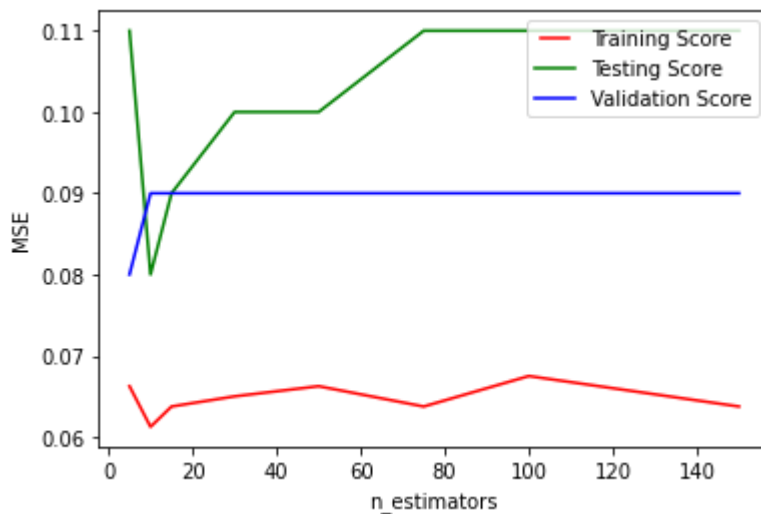
for nb_trees in list_nb_trees:
    clf=RandomForestClassifier(max_depth=6,random_state=0, n_estimators=nb_trees)
    clf.fit(X_train, y_train)

    train_results.append(mean_squared_error(y_train, clf.predict(X_train)))
    test_results.append(mean_squared_error(y_test, clf.predict(X_test)))
    validation_results.append(mean_squared_error(y_valid, clf.predict(X_valid)))

line1, = plt.plot(list_nb_trees, train_results, color="r", label="Training Score")
line2, = plt.plot(list_nb_trees, test_results, color="g", label="Testing Score")
line3, = plt.plot(list_nb_trees, validation_results, color="b", label="Validation Score")

```

```
plt.legend(handler_map={line1: HandlerLine2D(numpoints=2)})
plt.ylabel('MSE')
plt.xlabel('n_estimators')
plt.show()
```



```
from sklearn.model_selection import cross_val_score

scores = cross_val_score(clf_1, X, y, cv=5)

print("%.2f accuracy with a standard deviation of %.2f" % (scores.mean(), scores.std()))

0.91 accuracy with a standard deviation of 0.01
```

Con la cross validation se pudo obtener una precisión bastante alta que refleja el equilibrio entre las precisiones obtenidas con los sets diferentes.

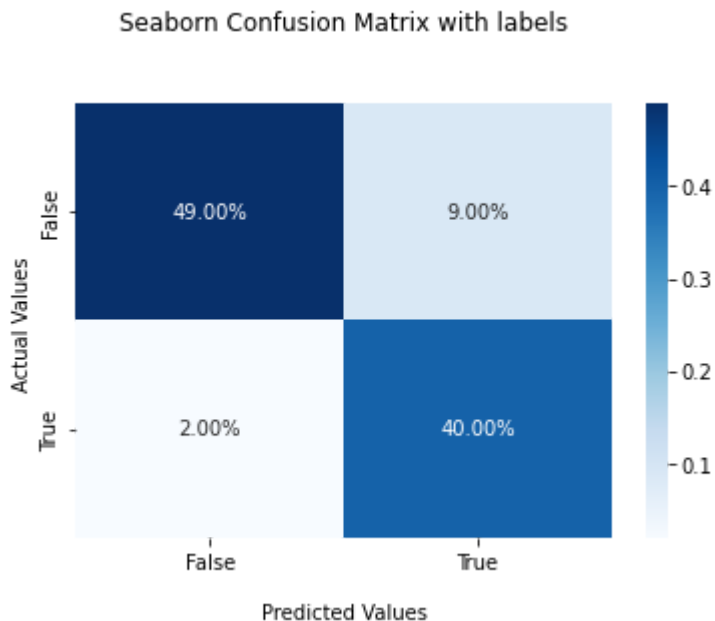
```
from sklearn.metrics import confusion_matrix
import matplotlib.pyplot as plt
import seaborn as sns

cf_matrix = confusion_matrix(y_test, y_pred_3)
ax = sns.heatmap(cf_matrix/np.sum(cf_matrix), annot=True,
                 fmt='.2%', cmap='Blues')

ax.set_title('Seaborn Confusion Matrix with labels\n\n');
ax.set_xlabel('\nPredicted Values')
ax.set_ylabel('Actual Values ');

ax.xaxis.set_ticklabels(['False', 'True'])
ax.yaxis.set_ticklabels(['False', 'True'])
```

```
plt.show()
```



Conclusión del modelo de clasificación: Al principio presentaba unos cuantos errores de overfitting, entonces la idea era optimizar los parámetros para encontrar un modelo que tuviera un balance con todos los sets de entrenamiento. En el modelo elegido se puede considerar que se logró el balance entre el bias y la varianza, por lo cual se obtuvo un modelo con la capacidad de predecir muy buena.

## ▼ Regression

```
df_1 = pd.read_csv('/content/drive/MyDrive/Inteligencia Artificial Avanzada/insurance.csv')
```

```
df_1.head()
```

	age	sex	bmi	children	smoker	region	charges
0	19	female	27.900	0	yes	southwest	16884.92400
1	18	male	33.770	1	no	southeast	1725.55230
2	28	male	33.000	3	no	southeast	4449.46200
3	33	male	22.705	0	no	northwest	21984.47061
4	32	male	28.880	0	no	northwest	3866.85520

## Variables Categóricas a numéricas

```
sex = preprocessing.LabelEncoder()
sex.fit(df_1['sex'].unique().tolist())
df_1['sex'] = sex.transform(df_1['sex'])

smoker = preprocessing.LabelEncoder()
smoker.fit(df_1['smoker'].unique().tolist())
df_1['smoker'] = smoker.transform(df_1['smoker'])

region = preprocessing.LabelEncoder()
region.fit(df_1['region'].unique().tolist())
df_1['region'] = region.transform(df_1['region'])

df_1.head()
```

	age	sex	bmi	children	smoker	region	charges
0	19	0	27.900	0	1	3	16884.92400
1	18	1	33.770	1	0	2	1725.55230
2	28	1	33.000	3	0	2	4449.46200
3	33	1	22.705	0	0	1	21984.47061
4	32	1	28.880	0	0	1	3866.85520

## Separación de datos

```
X = df_1.drop(['charges'], axis = 1)
y = df_1['charges']

X_train, X_rem, y_train, y_rem = train_test_split(X, y, test_size=0.20,random_state=5)

X_valid, X_test, y_valid, y_test = train_test_split(X_rem,y_rem, test_size=0.5,random_state=5)
```

## Modelo simple

Al igual que con clasificación se utilizan los parámetros por default que contiene la librería de bosques aleatorios, pero ahora de tipo regresión.

```
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
```

```

forest=RandomForestRegressor()

forest.fit(X_train,y_train)

y_prediction = forest.predict(X_valid)
y_prediction_2 = forest.predict(X_train)

from sklearn.metrics import r2_score
from sklearn.metrics import mean_squared_error

score = r2_score(y_valid,y_prediction)
score_2 = r2_score(y_train,y_prediction_2)
print('r2 score del set de entrenamiento ',score_2)
print('r2 score del set de validacion ',score)

print('mean_sqrd_error es==',mean_squared_error(y_valid,y_prediction))
print('root_mean_squared error of es==',np.sqrt(mean_squared_error(y_valid,y_prediction)))

    r2 score del set de entrenamiento  0.9754415351267735
    r2 score del set de validacion  0.8233724450483041
    mean_sqrd_error es== 20705399.613143373
    root_mean_squared error of es== 4550.318627650527

```

Se obtiene un r2 bastante bueno para el set de entrenamiento, pero con el de validación se puede interpretar que hay overfitting debido a la gran diferencia entre puntajes. Podemos decir que este modelo tiene una alta varianza con un bias bajo.

```

scores = cross_val_score(forest, X, y, cv=5)

print("%0.2f accuracy with a standard deviation of %0.2f" % (scores.mean(), scores.std()))

    0.84 accuracy with a standard deviation of 0.03

```

Con el cross validation se puede dar una idea de la realidad del modelo, siendo que es una precisión buena más no excelente como ocurría con el set de entrenamiento.

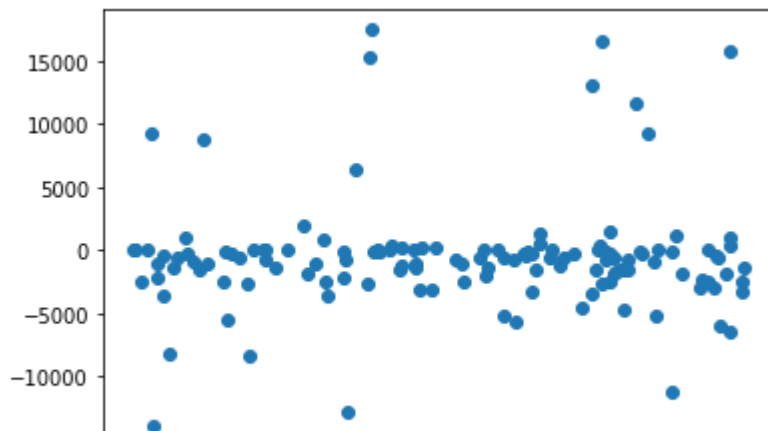
## ▼ Gráfica de error

```

g=plt.plot(y_valid - y_prediction,marker='o',linestyle='')

```





## ▼ Mejoras para el modelo

Con la función de randomized search que ofrece sklearn se puede intentar encontrar los mejores parámetros para el modelo. Se le proporciona una variación de los valores que podría tomar cada parámetro y la función se encarga de probar con todas las combinaciones posibles para así regresar el modelo con los parámetros que mejor se ajusten.

```
from sklearn.model_selection import RandomizedSearchCV

n_estimators = [int(x) for x in np.linspace(start = 20, stop = 500, num = 10)]

max_features = ['auto', 'sqrt']

max_depth = [int(x) for x in np.linspace(1, 300, num = 10)]
max_depth.append(None)

min_samples_split = [2, 5, 10]

min_samples_leaf = [1, 2, 4, 6, 8]

bootstrap = [True, False]

random_grid = {'n_estimators': n_estimators,
               'max_features': max_features,
               'max_depth': max_depth,
               'min_samples_split': min_samples_split,
               'min_samples_leaf': min_samples_leaf,
               'bootstrap': bootstrap}

print(random_grid)

{'n_estimators': [20, 73, 126, 180, 233, 286, 340, 393, 446, 500], 'max_features': ['aut

rf = RandomForestRegressor()
```

```
rf_random = RandomizedSearchCV(estimator = rf, param_distributions = random_grid, n_iter = 10)

rf_random.fit(X_train, y_train)
```

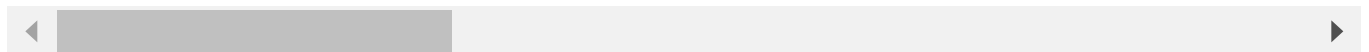
```
Fitting 3 folds for each of 100 candidates, totalling 300 fits
RandomizedSearchCV(cv=3, estimator=RandomForestRegressor(), n_iter=100,
                  n_jobs=-1,
                  param_distributions={'bootstrap': [True, False],
                                      'max_depth': [1, 34, 67, 100, 133, 167,
                                                    200, 233, 266, 300,
                                                    None],
                                      'max_features': ['auto', 'sqrt'],
                                      'min_samples_leaf': [1, 2, 4, 6, 8],
                                      'min_samples_split': [2, 5, 10],
                                      'n_estimators': [20, 73, 126, 180, 233,
                                                    286, 340, 393, 446,
                                                    500]},
                  random_state=5, verbose=2)
```

```
print ('Random grid: ', random_grid, '\n')
```

```
print ('Best Parameters: ', rf_random.best_params_, ' \n')
```

```
Random grid:  {'n_estimators': [20, 73, 126, 180, 233, 286, 340, 393, 446, 500], 'max_fe
```

```
Best Parameters:  {'n_estimators': 20, 'min_samples_split': 2, 'min_samples_leaf': 8, 'n
```



## ▼ Modelo Optimizado

```
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
```

```
forest=RandomForestRegressor(n_estimators= 20, min_samples_split= 2, min_samples_leaf= 8, boo
```

```
forest.fit(X_train,y_train)
```

```
y_prediction_2 = forest.predict(X_train)
```

```
y_prediction = forest.predict(X_valid)
```

```
from sklearn.metrics import r2_score
```

```
from sklearn.metrics import mean_squared_error
```

```
score=r2_score(y_valid,y_prediction)
```

```
score_2 = r2_score(y_train,y_prediction_2)
```

```
print('r2 score del set de entrenamiento es ',score_2)
print('r2 score del set de validacion es ',score)

print('mean_sqrd_error del set validación es==',mean_squared_error(y_valid,y_prediction))
print('root_mean_squared error of es==',np.sqrt(mean_squared_error(y_valid,y_prediction)))

r2 score del set de entrenamiento es  0.889270109688877
r2 score del set de validacion es  0.8651013775190712
mean_sqrd_error del set validación es== 15813670.1065361
root_mean_squared error of es== 3976.640555360278
```

```
y_prediction = forest.predict(X_test)
```

```
score=r2_score(y_test,y_prediction)
print('r2 score del set de prueba es',score)
print('mean_sqrd_error es==',mean_squared_error(y_test,y_prediction))
print('root_mean_squared error es==',np.sqrt(mean_squared_error(y_test,y_prediction)))

r2 score del set de prueba es 0.9095913436342439
mean_sqrd_error es== 16833006.31185797
root_mean_squared error es== 4102.804688485423
```

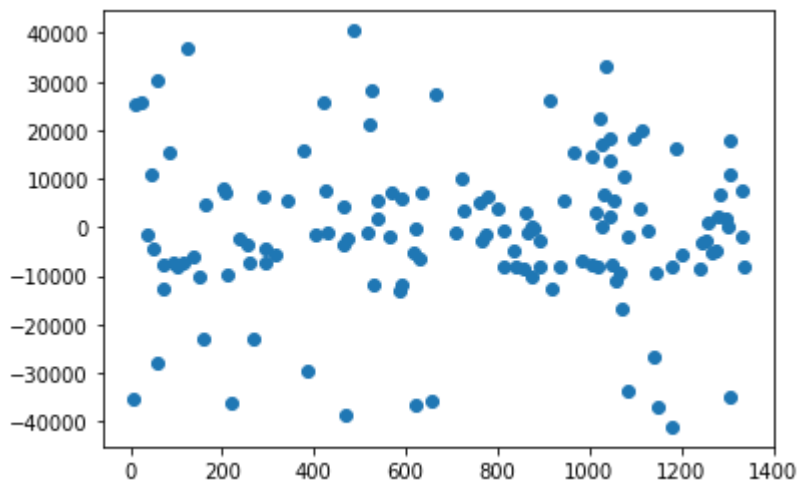
Se utilizan los parámetros actualizados y se obtiene una mejor en la precisión de todos los sets, pero por alguna razón el set de prueba es el que mejores resultados obtiene

```
scores = cross_val_score(forest, X, y, cv=5)

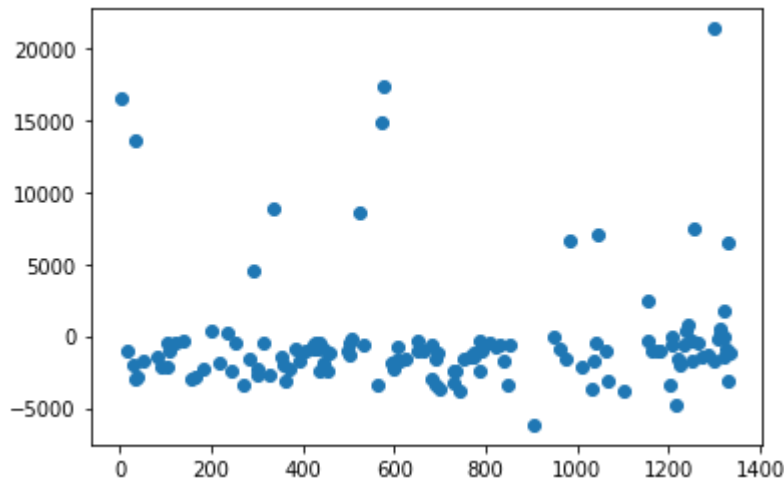
print("%0.2f accuracy with a standard deviation of %0.2f" % (scores.mean(), scores.std()))

0.86 accuracy with a standard deviation of 0.03
```

```
g=plt.plot(y_valid - y_prediction,marker='o',linestyle='')
```



```
g=plt.plot(y_test - y_prediction,marker='o',linestyle='')
```



Conclusión modelo de regresión: El mismo objetivo que con el modelo de clasificación, y se utilizó un acercamiento diferente al utilizar la librería de grid search que de manera automática buscó los mejores parámetros. Se obtuvieron resultados que mejoraron el modelo inicial, y se redujo la varianza para el set de entrenamiento. Es un buen modelo para las predicciones, pero el de validación no es el mejor.