Biogeografía de islas

Modelos

Gerardo Martín

28-07-2023

Intro

- Modelos de metapoblaciones ightarrow parches ocupados por poblaciones por una sola especie
- Modelos de islas \rightarrow parches ocupados por varias especies

Los métodos

- · Crearemos un conjunto de parches de hábitat
- · Parches estarán conectados con parches adyacentes
- · Conjunto de parches: matriz de coordenadas geográficas
- Conexiones entre parches: matriz que indica pares de parches conectados

Creando la matriz de coordenadas

```
parches <- expand.grid(x = 1:4, y = 1:4)
plot(parches$x, parches$y)
            parches$\
                  2.5
                                      3.0
                       1.0
                              2.0
                                              4.0
                              parches$x
```

Matriz de adyacencias

Ponemos esto y lo otro...