## Première partie

On représente l'ensemble des données dans un tableau et on calcule le rang de chaque observation.

La fonction rank() de R permet de calculer les rangs des observations.

On peut donc ensuite calculer les coefficients W. Pour A, la somme des rangs des 5 valeurs vaut 41 :

$$W = 41 - \frac{5 * (5 + 1)}{2} = 26$$

Pour B la somme des rangs des 6 valeurs vaut 25 :

$$W = 25 - \frac{6 * (6 + 1)}{2} = 4$$

On observe donc une différence entre le coefficient pour A et pour B, indiquant une différence entre les distributions A et B.

On peut vérifier ces résultats avec la fonction wilcox.test() de R:

```
> wilcox.test(A,B)

Wilcoxon rank sum test with continuity correction

data: A and B
W = 26, p-value = 0.05193
alternative hypothesis: true location shift is not equal to 0
> wilcox.test(B,A)

Wilcoxon rank sum test with continuity correction

data: B and A
W = 4, p-value = 0.05193
alternative hypothesis: true location shift is not equal to 0
```

Mais avec une valeur p supérieure à 0.05, nous ne sommes pas en mesure de rejeter l'hypothèse nulle. Nous ne pouvons donc pas conclure à une différence significative entre les deux distributions.

## Seconde partie

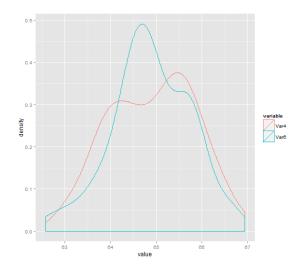
Les variables sont mesurées sur les mêmes individus, on peut donc les apparier.

Pour faire un test de wilcox apparié, on lance la commande suivante :

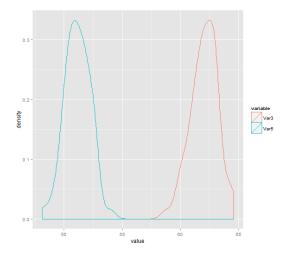
La valeur p étant supérieure à 0.05, nous ne pouvons déclarer que les distributions des variables Var4 et Var6 sont différentes.

Le résultat pour les variables Var3 et Var 5 est le suivant :

Ci-dessous les distributions des variables Var4 et Var6 :



Ci-dessous les distributions des variables Var3 et Var5 :



Ces deux graphiques corroborent les calculs précédents.