

## TIB: Tarea 4

Esta tarea está íntimamente ligada con la clase impartida sobre BLAST.  
Para ello, vamos a realizar los siguientes pasos:  
Con lo que ya hemos visto para las proteínas, podemos realizar este ejercicio:

- Acceder al servidor de NCBI <sup>1</sup>.
- Determinar si esta secuencia <sup>2</sup> de ADN que hemos obtenido en un secuenciador tiene similitud con algunos genes conocidos, para poder consultar anotaciones.
- Quedarnos con la primera secuencia cuyo gen tenga RefSeq a revisado (accession NM....).
- ¿Cómo se llama el gen? ¿Podemos en principio considerarlo homólogo?

---

<sup>1</sup><http://blast.ncbi.nlm.nih.gov/Blast.cgi>

<sup>2</sup><http://www.cs.us.es/~lvalencia/cursos/TIB2015/SecuenciaADN.txt>