# Rendimiento

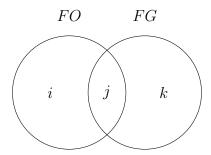


Figura 1: FO corresponde a Fenotipos Observados, con media en los sets de bitgenia y clinvar en una cantidad de 5. Mientras que Fenotipos del Gen, corresponde a los fenotipos registrados en OMIM para el gen candidato.

**Notar** que FG es variable para cada gen candidato. Mientras que FO es constante. Esto puede explicar luego los resultados con respecto a k.

Al principio habíamos definido:

$$C = \frac{j}{i+j} \quad E = \frac{j}{k+j} \quad S = \frac{j}{i+j+k} \tag{1}$$

Donde otras opciones eran:

$$\frac{i}{i+j}, \quad \frac{k}{j+k} \tag{2}$$

Pero como notamos que cuando j=0, nuestra métrica sería máxima, igual a 1, la modificamos del siguiente modo:

$$1 - \frac{i}{i+j}, \quad 1 - \frac{k}{k+j} \tag{3}$$

Lo cual, si hacemos un poquito de algebra vemos que son equivalentes a C y E definidas en (1).

$$\frac{i+j}{i+j} - \frac{i}{i+j}, \quad \frac{k+j}{k+j} - \frac{k}{k+j} \tag{4}$$

Sacamos factor común  $\frac{1}{i+j}$ ,  $\frac{1}{k+j}$  y tenemos que:

$$\frac{j}{i+j} = C, \quad \frac{j}{k+j} = E \tag{5}$$

**Dicho eso:** Para empezar a definir métricas desde lo más simple, las preguntas que pensé que serían correctas hacerse son:

- 1. ¿Qué queremos **priorizar**, i,j o k?
- 2. ¿Qué queremos **penalizar**, i,j o k?

De lo cual concluí que por la naturaleza de nuestro problema, queremos **priorizar** j y **penalizar** i y k. Con lo cual ahora quedaría evaluar cómo debemos priorizar j y cómo penalizar i y k.

### Resultados

A continuación evaluo muchas combinaciones de métricas como habíamos hablado. También, para tener una manera cuantitativa de decidir la mejor, definí "accumulated accuracy", que es la suma acumulada del rendimiento para cada métrica a lo largo de N, normalizada. Accumulated accuracy igual a 1 significa que la métrica obtuvo un rendimiento del  $100\,\%$  desde N=1 hasta N=10. Al final, elijo las 3 mayores.

#### Lo más simple

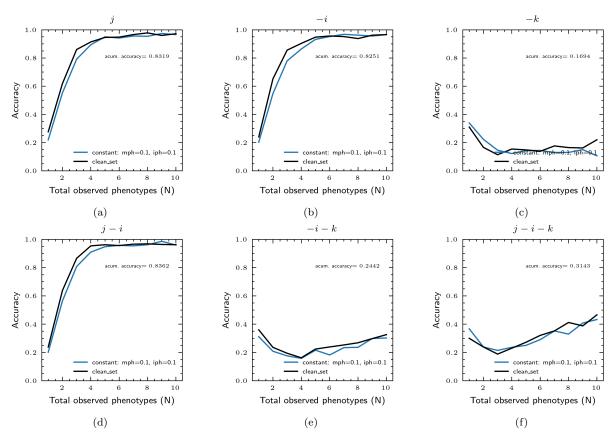


Figura 2: Rendimiento para cada métrica individual. Se puede observar que -k no solo no contribuye al accuracy sino que lo perjudica. Por otro lado -i y j es esperable que den muy parecidas ya que son complementos en el conjunto FO.

### Ahora normalizando

La primera, segunda y tercera columna, corresponden a Capitalidad, Especificidad y Similaridad, respectivamente. Normalizadas primero linealmente, después exponencialmente y por último logarítmicamente, en cada fila. Hay casos que no están evaluados, varios los consideré innecesarios, si te parece que hay alguno que no debería obviarlo decime.

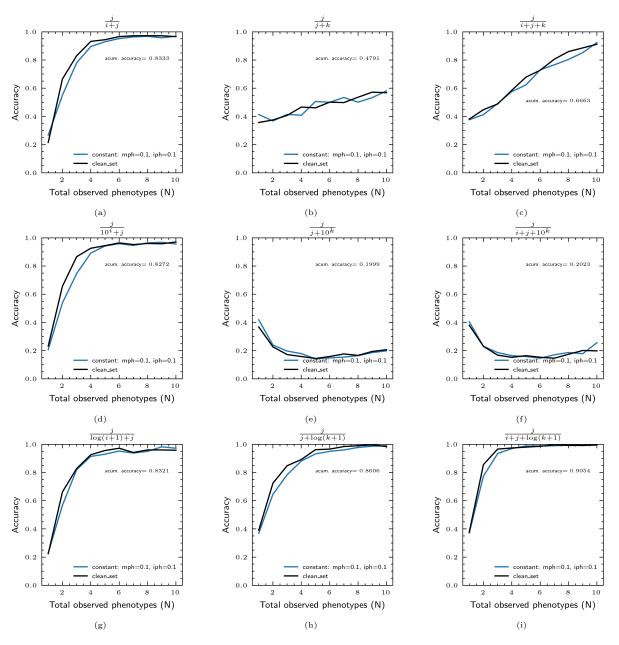


Figura 3: En la primera fila las métricas que habíamos definido inicialmente. La segunda fila con penalizaciones exponenciales en la normación y la tercera logarítmica.

Lo más interesante es que en la primera columna, tratar a i lineal, exponencial o logarítmicamente no cambia en el rendimiento. Después, en el caso de la especificidad, tratar a k logarítmicamente mejoró un montón. Y luego, en la similaridad también.

#### Las tres más altas

Tomando las tres métricas que mayor acumulación de rendimiento tienen, procedí a probar combinaciones. No encontré ninguna que sea significativamente mejor a la de la Figura 3.i, con un accum. accuracy = 0,9054.

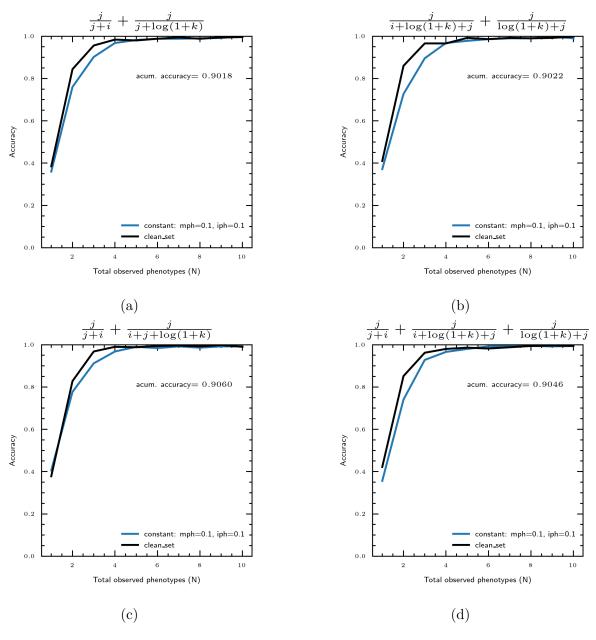


Figura 4

Pensamientos Alcanzado este punto, lo que quedaría probar, sería pesar las métricas con una restricción del tipo  $\alpha + \beta + \gamma = 1$  y con algún algoritmo encontrar  $\alpha, \beta, \gamma$  tal que maximice la función objetivo, que podría ser el rendimiento acumulado, actualmente en 0,905. Pero quizás en esta etapa eso sea hilar demasiado fino y sea mejor avanzar en otros aspectos. Otra cosa que pensé fue empezar a analizar cuáles son los casos para los que el modelo falla, ver qué propiedades tienen y ver si eso me pueda dar insights. Y por último, algo que hace bastante quiero probar, sería agregar una métrica más (que va por fuera del álgebra de conjuntos que estuvimos haciendo ahora), que consistiría básicamente

en convertir a FO y FG en vectores n-dimensionales, y (en lugar de intersección como venimos haciendo) medir la distancia coseno entre vectores, qué opinás?.

# Pesando fenotipos

Acá estuve haciendo algunos avances también, pero lo dejamos para la semana que viene mejor.