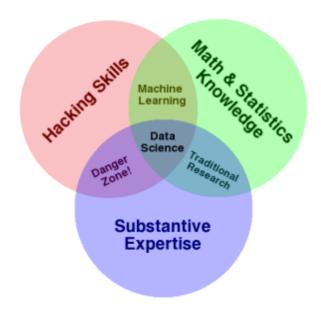


Usando El Tipo Series de Python Pandas

En estas notas se realizan pruebas con la estructura de datos "Series".



Inicialización con el tipo "Series"

Un objeto "Series" es un vector con datos indexados. Lo que sigue son algunas formas de inicialización.

In [1]:

```
#importacion estandar de pandas
import pandas as pd

edad = pd.Series([10, 20, 14, 11])
edad
```

Out[1]:

```
0 10
```

1 20



Si no se especifican indices, se asigna una secuencia de indices por defecto. Ahora asignando indices.

In [2]:

```
Out[2]:

a 10

b 20

c 14

d 11

dtype: int64
```

A partir de un diccionario

array([10, 20, 14, 11], dtype=int64)

```
In [3]:
```

```
bacteria_dict = {'a': 10, 'b': 20, 'c': 14, 'd': 11}
pd.Series(bacteria_dict)
```

```
Out[3]:
```

```
a 10
b 20
c 14
d 11
dtype: int64
```

Una "Serie" contiene los datos (*values*) en un objeto de tipo "NumPy array"

```
In [4]:
```

```
# Datos
bacteria.values
Out[4]:
```

Y los indices en un objeto "Index" de pandas.



In [5]:

```
# Indices
bacteria.index
Out[5]:
Index([u'a', u'b', u'c', u'd'], dtype='object')
```

Seleccionando Datos

Seleccionando datos segun sus posiciones

```
In [6]:
    bacteria['b']
Out[6]:
20
In [7]:
    bacteria[1]
Out[7]:
20
In [8]:
    bacteria[['a','b']]
Out[8]:
    a    10
    b    20
dtype: int64
```

Seleccionando con condiciones

In [9]:

Out[9]:

```
C
     14
     11
dtype: int64
In [10]:
 bacteria
Out[10]:
     10
     20
C
     14
     11
dtype: int64
Operaciones Basicas
In [11]:
 bacteria = bacteria + 5
 print bacteria
     15
     25
     19
     16
dtype: int64
In [12]:
 bacteria = bacteria + bacteria
 print bacteria
     30
     50
     38
     32
dtype: int64
In [13]:
 bacteria = bacteria > 30
 print bacteria
     False
b
      True
     True
```

d True
dtype: bool



Luego se puede verificar si alguno o todos son True

In [14]:

```
# retorna True si algun elemento es True
print bacteria.any()
# retorna True si todos los elementos son True
print bacteria.all()
```

True

False

Aplicando funciones

In [15]:

```
bacteria = pd.Series([10, 20, 14, 11], index=['a', 'b', 'c', 'd'])

def f(x):
    if x % 2 != 0:
        return x + 100
    else:
        return x

bacteria.apply(f)
```

Out[15]:

```
a 10
b 20
c 14
d 111
dtype: int64
```

¿Por que evitar el "for"?

In [16]:

```
%%timeit
# mostrando performance
```

```
ds = pd.Series(range(10000))
for counter in range(len(ds)):
    ds[counter] = f(ds[counter])

1 loops, best of 3: 181 ms per loop
In [17]:

%%timeit

ds = pd.Series(range(10000))
ds = ds.apply(f)

10 loops, best of 3: 25.6 ms per loop
```

En conclusion es mejor usar "apply" que usar "for"

Usando "copy"

Algo basico de python pero que a veces se olvida

```
In [18]:
```

```
x = pd.Series([10, 20, 14, 11])
x
```

Out[18]:

0 10

1 20

2 14

3 11

dtype: int64

Aqui parece que copiamos el contenido de x a y

```
In [19]:
```

```
y = x
y
```

Out[19]:

0 10

1 20

3 11
dtype: int64



Cambiamos el valor de 10 a 100

```
In [20]:
y[0]
Out[20]:
10
In [21]:
y[0] = 100
 # otra manera de cambiar un dato
y.loc[1] = 400
In [22]:
У
Out[22]:
0
     100
     400
1
2
      14
      11
dtype: int64
```

Pero tambien cambió x

dtype: int64

11

Entonces usar "y = x.copy()" solo cuando sea necesario para no sobrecargar la memoria

Otras funciones



Descriptores estadisticos

```
In [24]:
```

```
bacteria.describe(percentiles=[0.25, 0.5, 0.75])
```

Out[24]:

```
count
         4.00
       13.75
mean
std
        4.50
    10.00
min
25%
       10.75
50%
       12.50
75%
        15.50
        20.00
max
dtype: float64
```

Cambiar el tipo de los datos

```
In [25]:
```

```
import numpy as np
bacteria.astype(np.float64)
```

Out[25]:

```
a 10
b 20
c 14
d 11
```

dtype: float64

Trabajando con Datos faltantes (missing data)

Normalmente los datos faltantes se representan como:

■ "NA" = Not available

- "NaN" = Not a number
- None = Null/nonetype object



Los siguientes son ejemplos de inicializacion de datos que tienen datos faltantes.

```
In [26]:
pd.Series([632, 569, None], index=['a', 'c', 'e'])
Out[26]:
     632
     569
     NaN
dtype: float64
In [27]:
pd.Series([632, 569, np.nan], index=['a', 'c', 'e'])
Out[27]:
     632
     569
C
     NaN
dtype: float64
In [28]:
 bacteria_dict = {'a': 632, 'b': 1638, 'c': 569, 'd': 'None'}
 pd.Series(bacteria_dict, index=['a','c','e'])
Out[28]:
     632
     569
C
     NaN
dtype: float64
In [29]:
 bacteria_dict = {'a': 632, 'b': 1638, 'c': 569, 'd': None}
 pd.Series(bacteria_dict, index=['a','c','e'])
Out[29]:
     632
     569
C
     NaN
dtype: float64
```

```
In [30]:
 bacteria_dict = {'a': 632, 'b': 1638, 'c': 569, 'd': 'NA'}
 pd.Series(bacteria_dict, index=['a','c','e'])
Out[30]:
     632
     569
C
     NaN
e
dtype: float64
In [31]:
 bacteria_dict = {'a': 632, 'b': 1638, 'c': 569, 'd': 'NaN'}
 bacteria_nueva = pd.Series(bacteria_dict, index=['a','c','e'])
 bacteria_nueva
Out[31]:
     632
     569
C
     NaN
dtype: float64
Verificando si tenemos datos faltantes
In [32]:
 bacteria_nueva.notnull()
Out[32]:
      True
      True
     False
dtype: bool
Son datos completos?
In [33]:
```

```
bacteria_nueva.notnull().all()
```

Out[33]:

False

Entonces presenta datos faltantes, luego algo que podemos hacer es rellenar con promedios

```
In [34]:
```

```
# usar "inplace=True" para modificar la "Serie"
bacteria_nueva.fillna(bacteria_nueva.mean())
```

Out[34]:

- a 632.0 c 569.0 e 600.5
- dtype: float64

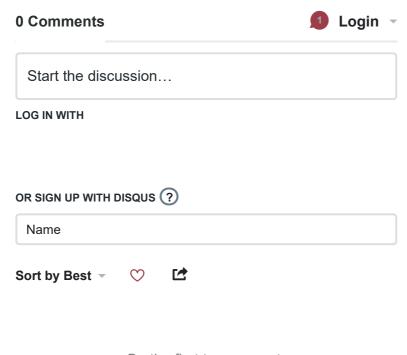
O sino eliminar los datos faltantes

In [35]:

```
bacteria_nueva.dropna()
```

Out[35]:

- a 632 c 569
- dtype: float64



Be the first to comment.



Older Posts -

Links

Github: https://github.com/rgap

Bitbucket:

https://bitbucket.org/relguzman

Researchgate:

https://www.researchgate.net/profi

le/Rel Guzman

LinkedIn:

https://www.linkedin.com/in/relgu

zman

Facebook:

https://www.facebook.com/rel.guz

man

Twitter: https://twitter.com/rgapa

Some Random Posts

Tipos De Anuncios En Google Adwords

Estos Son Los Principales Formatos De Anuncios En...



Sampling: Metropolis Hastings

Gibbs Sampling Converges Slowly And Generates Samples Too...

Search



SEARCH

© Copyright 2018 Rel Guzman Privacy policy 🔨

