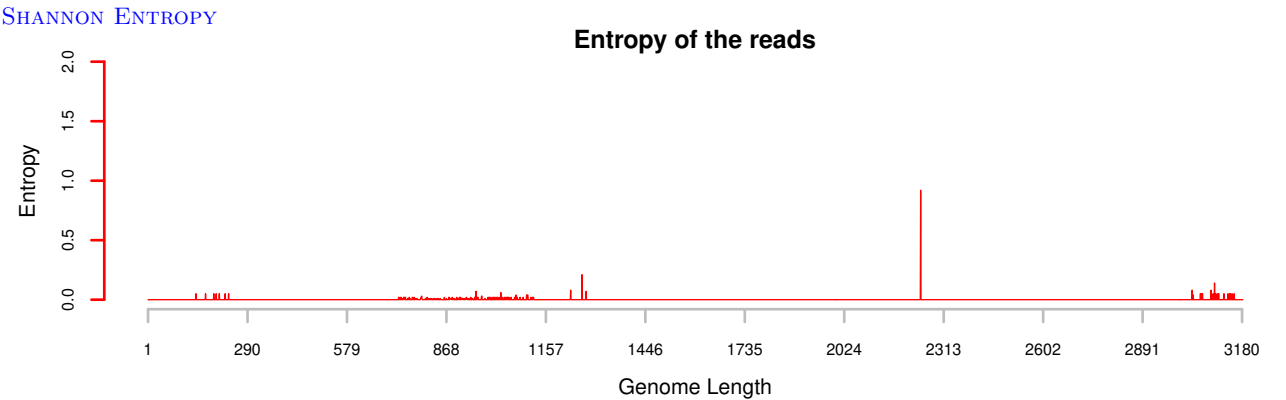
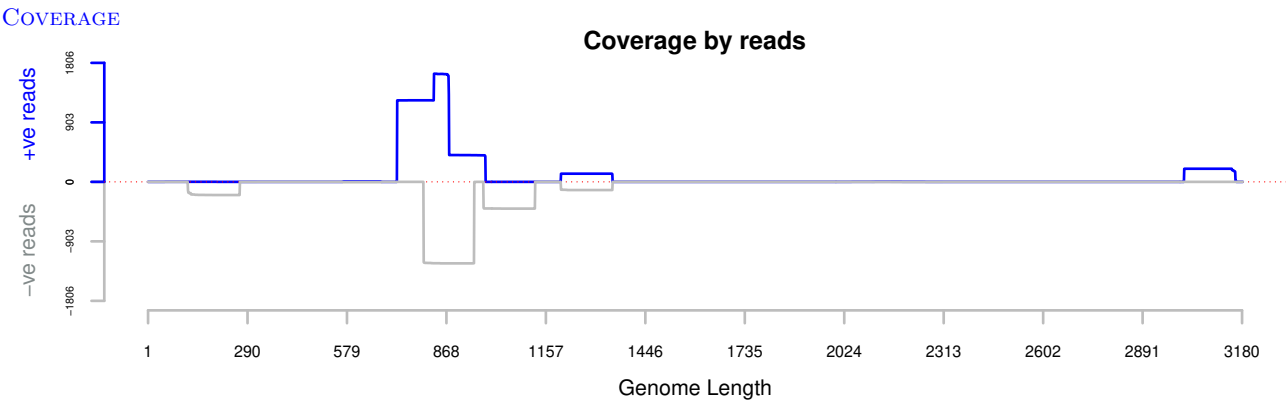


HBV-RYD-27

File name	HBV-RYD-27.sam
Ref name	KX357637.1 Hepatitis B virus isolate MK20ETH, complete genome
Ref len	3182
Program used	Tanoti Assembler 1.0
Total reads	942038
Mapped reads	3949 (0.42%)
Unmapped reads	938089
Mapped loan pairs	0
Average read length	147nt
Coverage	1348nt (42.36%)
Average depth	184 reads/site
Average insert length	1nt

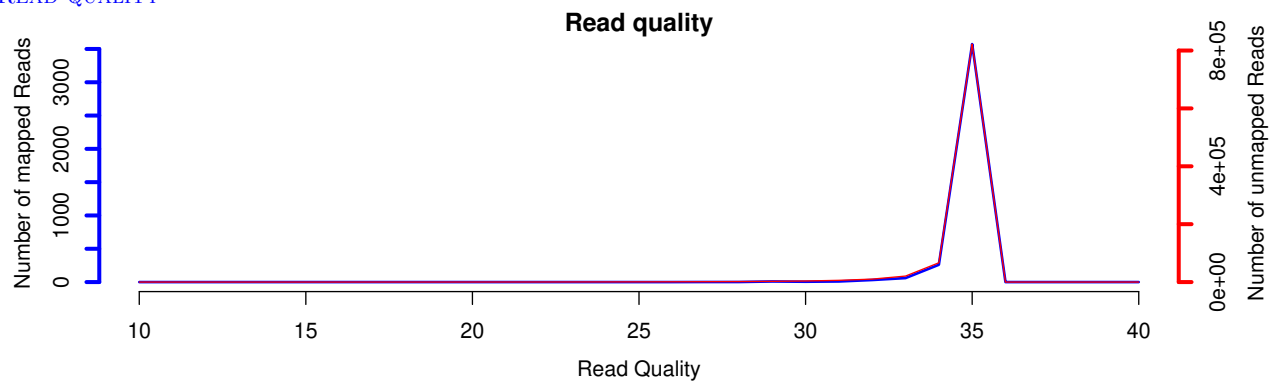


CONSENSUS SEQUENCE

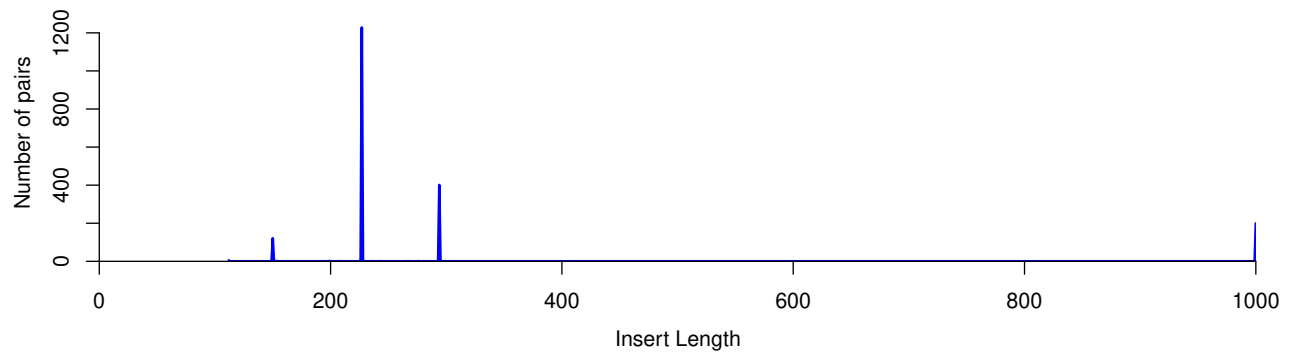
1	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNT	ATTCCCTGC	TGGTGGCTCC
70	AGTTCAGGAA	CAGTAAACCC	TGTTCCGACT	ACTGTCTCTC	CCATATCGTC	AATCTTCTCG	AGGATTGGGG
140	ACCCTGCGCT	GAACATGGAG	AACATCACAT	CAGGATTCCCT	AGGACCCCTG	CTCGTGTTAC	AGGCGGGGTT
210	TTTCTTGTG	ACAAGAATCC	TCACAATACC	GCAGAGTCTA	GACTCGTGGT	GGACTTCTCT	CAATTTTCTA
280	GGGGGAAC	CCGTGTGTCT	TGGCCAAAAT	TCGCAGNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
350	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
420	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
490	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
560	NNNNNNNGCTG	TACCAAACCT	TCGGACGGAA	ATTGCACCTG	TATCCCATC	CCATCATCCT	GGCTTTTCGG
630	AAAATTCCTA	TGGGAGTGGG	CCTCAGCCCG	TTTCTCCTGG	CTCAGTTTAN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
700	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNTGGCTT	TCAGTTATAT	GGATGATGTG	GTATTGGGGG	CCAAGTCTGT
770	ACAGCATCTT	GAGTCCCTTT	TTACCGCTGT	TACCAATTTT	CTTTTGTCTT	TGGGTATACA	TTTAAACCTT
840	CACAAAACAA	AAAGATGGGG	TCACTCTTTA	CATTTCATGG	GCTATGTCAT	TGGATGTTAT	GGGTCACTGC
910	CACAAGATCA	CATCAGGCAG	AAAATCAAAG	AATGTTTAA	AAAACCTCCT	GTTAACAGAC	CTATTGATTG
980	GAAAGTCTGT	CAACGTATTG	TGGGTCTTTT	GGGTTTGTCT	GCCCCTTTTA	CACAATGTGG	TTATCCTGCT
1050	TTAATGCCCT	TGTATGCATG	CATTCAATCT	AAGCAGGCTT	TCACTTTCTC	GCCAACTTAC	AAGGCCTTTC
1120	TGTGTNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1190	NNNNNNNNNN	ACTGGCTGGG	GCTTGGTTAT	GGGCCATCAG	CGCATGCGTG	GAACCTTTTT	GGCTCCTCTG
1260	CCGATCCATA	CTGCGGAAC	CCTAGCCGCT	TGTTTGTCTC	GCAGCAGGTC	TGGAGCAAAC	ATTCTCGGGA
1330	CGGACAACCTC	TGTTGTCTCT	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1400	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1470	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1540	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1610	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1680	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1750	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1820	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1890	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
1960	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2030	NNNNNNNNNN	NNNNNCACCT	CACCATACTG	CACTCAGGCA	AGCAATTCTC	TGCTGGGGGG	ACTTAATGAC
2100	TCTAGCTACC	TGGGTGGGTG	GTAATTTGGA	AGACCCAGTA	TCCAGGGACC	TAGTAGTCAG	TTATGTCAAC
2170	ACTAATATGG	GCCTAAAGTT	CAGGCAACTA	TTGTGGTTTC	ACATTCTCTG	TCTCACTTTT	GGAAGACAAA
2240	CAGTCGTAGA	GTATTGGGTG	TCTTTCGGAG	TGTGGATTCTG	CACTCCTCCA	GCTTATAGAC	CACCAAATGC
2310	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2380	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2450	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2520	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2590	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2660	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2730	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2800	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2870	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
2940	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NNNNNNNNNN
3010	NATTCACCCC	ACCGCACGGA	GGCCTTTTGG	GGTGGAGCCC	TCAGGCTCAG	GGCATACTAC	AAACCTTGCC
3080	AGCAAATCCG	CCTCCTGCCT	CCACCAATCG	CCAGTCAGGA	AGGCAGCCTA	CCCCTCTGTC	TCCACCTTTG
3150	AGAAACACTC	ATCNNNNNNN	NNNNNNNNNN	NN			

Genome Composition	
A	302 (9.49%)
T	395 (12.41%)
G	303 (9.52%)
C	348 (10.94%)
N	1834 (57.64%)
Total Nucleotides	3182
GC%	48.29

READ QUALITY



INSERT LENGTH DISTRIBUTION



AMINO ACID VARIATIONS

Protein	Position	Ref AA	Consensus AA	All AAs
P2	18	F	P	P::100.00(1)
P2	19	F	C	C::100.00(1)
P2	20	F	W	W::100.00(1)
P2	21	F	W	W::100.00(1)
P2	22	F	L	L::100.00(1)
P2	23	F	Q	Q::100.00(1)
P2	25	F	R	R::100.00(1)
P2	26	F	N	N::100.00(1)
P2	27	F	S	S::100.00(1)
P2	28	F	K	K::100.00(1)
P2	29	F	P	P::100.00(1)
P2	30	F	C	C::100.00(1)
P2	31	F	S	S::100.00(1)
P2	32	F	D	D::100.00(1)
P2	33	F	Y	Y::100.00(1)
P2	34	F	C	C::100.00(1)
P2	35	F	L	L::100.00(1)
P2	36	F	S	S::100.00(1)
P2	37	F	H	H::100.00(1)
P2	38	F	I	I::100.00(1)
P2	39	F	V	V::100.00(164)
P2	40	F	N	N::100.00(172)
P2	41	F	L	L::100.00(172)
P2	42	F	L	L::100.00(192)
P2	43	F	E	E::100.00(193)
P2	44	F	D	D::100.00(193)
P2	45	F	W	W::100.00(193)
P2	46	F	G	G::99.49(196)
P2	47	F	P	P::100.00(197)
P2	48	F	C	C::100.00(197)
P2	49	F	A	A::100.00(199)
P2	50	F	E	E::100.00(199)
P2	51	F	H	H::100.00(199)
P2	52	F	G	G::100.00(199)
P2	53	F	E	E::100.00(199)
P2	54	F	H	H::100.00(199)
P2	55	F	H	H::99.50(199)
P2	56	F	I	I::100.00(200)
P2	57	F	R	R::100.00(200)
P2	58	F	I	I::100.00(200)
P2	59	F	P	P::100.00(200)
P2	60	F	R	R::100.00(200)
P2	61	F	T	T::100.00(200)
P2	62	F	P	P::100.00(201)
P2	63	F	A	A::100.00(201)
P2	64	F	R	R::100.00(201)

P2	65	F	V	V::100.00(201)
P2	66	F	T	T::99.50(199)
P2	67	F	G	G::100.00(200)
P2	68	F	G	G::100.00(200)
P2	69	F	V	V::99.50(199)
P2	71	F	L	L::100.00(200)
P2	72	F	V	V::100.00(200)
P2	73	F	D	D::100.00(200)
P2	74	F	K	K::99.50(199)
P2	75	F	N	N::100.00(200)
P2	76	F	P	P::100.00(200)
P2	77	F	H	H::100.00(200)
P2	78	F	N	N::99.50(199)
P2	79	F	T	T::100.00(200)
P2	80	F	A	A::100.00(200)
P2	81	F	E	E::100.00(200)
P2	82	F	S	S::100.00(200)
P2	83	F	R	R::100.00(200)
P2	84	F	L	L::100.00(200)
P2	85	F	V	V::100.00(200)
P2	86	F	V	V::100.00(200)
P2	87	F	D	D::100.00(200)
P2	89	F	S	S::100.00(1)
P2	90	F	Q	Q::100.00(1)
P2	92	F	S	S::100.00(1)
P2	93	F	R	R::100.00(1)
P2	94	F	G	G::100.00(1)
P2	95	F	N	N::100.00(1)
P2	96	F	Y	Y::100.00(1)
P2	97	F	R	R::100.00(1)
P2	98	F	V	V::100.00(1)
P2	99	F	S	S::100.00(1)
P2	100	F	W	W::100.00(1)
P2	101	F	P	P::100.00(1)
P2	102	F	K	K::100.00(1)
P2	104	F	A	A::100.00(1)
P2	189	F	L	L::100.00(10)
P2	190	F	Y	Y::100.00(10)
P2	191	F	Q	Q::100.00(10)
P2	192	F	T	T::100.00(10)
P2	194	F	G	G::100.00(10)
P2	195	F	R	R::100.00(10)
P2	196	F	K	K::100.00(10)
P2	197	F	L	L::100.00(10)
P2	198	F	H	H::100.00(10)
P2	199	F	L	L::100.00(10)
P2	200	F	Y	Y::100.00(10)
P2	201	F	S	S::100.00(10)
P2	202	F	H	H::100.00(10)
P2	203	F	P	P::100.00(10)
P2	204	F	I	I::100.00(10)

P2	205	F	I	I::100.00(10)
P2	206	F	L	L::100.00(10)
P2	207	F	G	G::100.00(10)
P2	209	F	R	R::100.00(10)
P2	210	F	K	K::100.00(10)
P2	211	F	I	I::100.00(10)
P2	212	F	P	P::100.00(10)
P2	213	F	M	M::100.00(10)
P2	214	F	G	G::100.00(10)
P2	215	F	V	V::100.00(10)
P2	216	F	G	G::100.00(10)
P2	217	F	L	L::100.00(10)
P2	218	F	S	S::100.00(10)
P2	219	F	P	P::100.00(10)
P2	221	F	L	L::100.00(10)
P2	222	F	L	L::100.00(10)
P2	223	F	A	A::100.00(10)
P2	224	F	Q	Q::100.00(10)
P2	242	F	A	A::100.00(1237)
P2	244	F	S	S::99.84(1235)
P2	245	F	Y	Y::99.84(1235)
P2	246	F	M	M::99.92(1236)
P2	247	F	D	D::99.84(1235)
P2	248	F	D	D::99.68(1233)
P2	249	F	V	V::99.84(1235)
P2	250	F	V	V::100.00(1237)
P2	251	F	L	L::100.00(1237)
P2	252	F	G	G::100.00(1238)
P2	253	F	A	A::99.92(1236)
P2	254	F	K	K::100.00(1238)
P2	255	F	S	S::100.00(1238)
P2	256	F	V	V::99.76(1235)
P2	257	F	Q	Q::99.92(1237)
P2	258	F	H	H::99.92(1237)
P2	259	F	L	L::99.92(1237)
P2	260	F	E	E::99.92(1237)
P2	261	F	S	S::100.00(1238)
P2	262	F	L	L::100.00(1238)
P2	264	F	T	T::99.84(1235)
P2	265	F	A	A::99.60(1233)
P2	266	F	V	V::100.00(1238)
P2	267	F	T	T::100.00(2457)
P2	268	F	N	N::99.92(2464)
P2	270	F	L	L::99.72(2461)
P2	271	F	L	L::99.92(2467)
P2	272	F	S	S::99.96(2468)
P2	273	F	L	L::100.00(2469)
P2	274	F	G	G::99.92(2467)
P2	275	F	I	I::100.00(2471)
P2	276	F	H	H::99.92(2470)
P2	277	F	L	L::99.93(2874)

P2	278	F	N	N::100.00(2876)
P2	279	F	P	P::99.93(2874)
P2	280	F	H	H::99.93(2870)
P2	281	F	K	K::99.93(2870)
P2	282	F	T	T::100.00(2872)
P2	283	F	K	K::99.93(2873)
P2	284	F	R	R::100.00(2875)
P2	285	F	W	W::99.93(2872)
P2	286	F	G	G::100.00(2872)
P2	287	F	H	H::99.83(2867)
P2	288	F	S	S::100.00(2871)
P2	289	F	L	L::99.97(2869)
P2	290	F	H	H::99.93(2852)
P2	292	F	M	M::99.94(1643)
P2	293	F	G	G::99.88(1642)
P2	294	F	Y	Y::99.94(1643)
P2	295	F	V	V::99.94(1643)
P2	296	F	I	I::99.94(1643)
P2	297	F	G	G::99.94(1643)
P2	298	F	C	C::100.00(1644)
P2	299	F	Y	Y::99.82(1641)
P2	300	F	G	G::99.88(1642)
P2	301	F	S	S::100.00(1643)
P2	302	F	L	L::100.00(1643)
P2	303	F	P	P::99.88(1641)
P2	304	F	Q	Q::99.88(1641)
P2	305	F	D	D::99.94(1642)
P2	306	F	H	H::99.82(1640)
P2	307	F	I	I::99.94(1642)
P2	308	F	R	R::99.70(1638)
P2	309	F	Q	Q::99.88(1641)
P2	310	F	K	K::99.88(1641)
P2	311	F	I	I::99.94(1642)
P2	312	F	K	K::99.82(1639)
P2	313	F	E	E::100.00(1642)
P2	314	F	C	C::99.82(1638)
P2	316	F	K	K::99.75(405)
P2	317	F	K	K::99.51(404)
P2	318	F	L	L::99.75(404)
P2	319	F	P	P::99.75(403)
P2	320	F	V	V::100.00(404)
P2	321	F	N	N::100.00(404)
P2	322	F	R	R::100.00(403)
P2	323	F	P	P::99.50(401)
P2	324	F	I	I::100.00(403)
P2	325	F	D	D::100.00(795)
P2	326	F	W	W::99.87(789)
P2	327	F	K	K::100.00(404)
P2	328	F	V	V::100.00(404)
P2	329	F	C	C::99.75(403)
P2	330	F	Q	Q::99.50(402)

P2	331	F	R	R::100.00(404)
P2	332	F	I	I::99.75(403)
P2	333	F	V	V::100.00(404)
P2	334	F	G	G::99.75(403)
P2	335	F	L	L::99.75(404)
P2	336	F	L	L::100.00(405)
P2	337	F	G	G::99.75(404)
P2	339	F	A	A::99.75(404)
P2	340	F	A	A::100.00(405)
P2	341	F	P	P::99.75(404)
P2	343	F	T	T::99.75(405)
P2	344	F	Q	Q::100.00(406)
P2	345	F	C	C::99.75(405)
P2	346	F	G	G::100.00(406)
P2	347	F	Y	Y::99.75(405)
P2	348	F	P	P::99.75(405)
P2	349	F	A	A::100.00(405)
P2	350	F	L	L::100.00(406)
P2	351	F	M	M::99.75(405)
P2	352	F	P	P::100.00(406)
P2	353	F	L	L::100.00(406)
P2	354	F	Y	Y::100.00(406)
P2	355	F	A	A::99.75(405)
P2	356	F	C	C::99.51(404)
P2	357	F	I	I::99.75(405)
P2	358	F	Q	Q::100.00(406)
P2	359	F	S	S::100.00(406)
P2	360	F	K	K::99.75(405)
P2	361	F	Q	Q::100.00(406)
P2	362	F	A	A::100.00(406)
P2	364	F	T	T::100.00(406)
P2	366	F	S	S::100.00(406)
P2	367	F	P	P::99.75(405)
P2	368	F	T	T::99.75(405)
P2	369	F	Y	Y::100.00(406)
P2	370	F	K	K::100.00(406)
P2	371	F	A	A::99.75(405)
P2	373	F	L	L::99.75(405)
P2	374	F	C	C::100.00(405)
P2	400	F	T	T::100.00(242)
P2	401	F	G	G::100.00(244)
P2	402	F	W	W::100.00(244)
P2	403	F	G	G::100.00(244)
P2	404	F	L	L::100.00(244)
P2	405	F	V	V::100.00(245)
P2	406	F	M	M::100.00(248)
P2	407	F	G	G::100.00(248)
P2	408	F	H	H::100.00(248)
P2	409	F	Q	Q::99.19(246)
P2	410	F	R	R::100.00(248)
P2	411	F	M	M::100.00(248)

P2	412	F	R	R::100.00(248)
P2	413	F	G	G::100.00(248)
P2	414	F	T	T::100.00(248)
P2	416	F	L	L::100.00(248)
P2	417	F	A	A::100.00(248)
P2	418	F	P	P::100.00(248)
P2	419	F	L	L::100.00(248)
P2	420	F	P	P::96.77(240)
P2	421	F	I	I::100.00(248)
P2	422	F	H	H::100.00(248)
P2	423	F	T	T::100.00(248)
P2	424	F	A	A::99.19(246)
P2	425	F	E	E::100.00(248)
P2	426	F	L	L::100.00(248)
P2	427	F	L	L::100.00(248)
P2	428	F	A	A::100.00(248)
P2	429	F	A	A::100.00(248)
P2	430	F	C	C::100.00(248)
P2	432	F	A	A::100.00(248)
P2	433	F	R	R::100.00(248)
P2	434	F	S	S::100.00(248)
P2	435	F	R	R::100.00(248)
P2	436	F	S	S::100.00(248)
P2	437	F	G	G::100.00(248)
P2	438	F	A	A::100.00(248)
P2	439	F	N	N::100.00(248)
P2	440	F	I	I::100.00(248)
P2	441	F	L	L::100.00(248)
P2	442	F	G	G::100.00(248)
P2	443	F	T	T::100.00(248)
P2	444	F	D	D::100.00(248)
P2	445	F	N	N::100.00(248)
P2	446	F	S	S::100.00(248)
P2	447	F	V	V::100.00(248)
P2	448	F	V	V::100.00(248)
P2	449	F	L	L::100.00(243)
<hr/>				
S2	17	F	Y	Y::100.00(1)
S2	19	F	P	P::100.00(1)
S2	20	F	A	A::100.00(1)
S2	21	F	G	G::100.00(1)
S2	22	F	G	G::100.00(1)
S2	23	F	S	S::100.00(1)
S2	24	F	S	S::100.00(1)
S2	25	F	S	S::100.00(1)
S2	26	F	G	G::100.00(1)
S2	27	F	T	T::100.00(1)
S2	28	F	V	V::100.00(1)
S2	29	F	N	N::100.00(1)
S2	30	F	P	P::100.00(1)
S2	31	F	V	V::100.00(1)
S2	32	F	P	P::100.00(1)

S2	33	F	T	T::100.00(1)
S2	34	F	T	T::100.00(1)
S2	35	F	V	V::100.00(1)
S2	36	F	S	S::100.00(1)
S2	37	F	P	P::100.00(1)
S2	38	F	I	I::100.00(1)
S2	39	F	S	S::100.00(1)
S2	40	F	S	S::100.00(164)
S2	41	F	I	I::100.00(172)
S2	43	F	S	S::100.00(192)
S2	44	F	R	R::100.00(193)
S2	45	F	I	I::100.00(193)
S2	46	F	G	G::100.00(196)
S2	47	F	D	D::99.49(196)
S2	48	F	P	P::100.00(197)
S2	49	F	A	A::100.00(199)
S2	50	F	L	L::100.00(199)
S2	51	F	N	N::100.00(199)
S2	52	F	M	M::100.00(199)
S2	53	F	E	E::100.00(199)
S2	54	F	N	N::100.00(199)
S2	55	F	I	I::100.00(199)
S2	56	F	T	T::99.50(199)
S2	57	F	S	S::100.00(200)
S2	58	F	G	G::100.00(200)
S2	60	F	L	L::100.00(200)
S2	61	F	G	G::100.00(200)
S2	62	F	P	P::100.00(200)
S2	63	F	L	L::100.00(201)
S2	64	F	L	L::99.50(200)
S2	65	F	V	V::100.00(201)
S2	66	F	L	L::99.50(200)
S2	67	F	Q	Q::100.00(200)
S2	68	F	A	A::100.00(200)
S2	69	F	G	G::100.00(200)
S2	72	F	L	L::100.00(200)
S2	73	F	L	L::100.00(200)
S2	74	F	T	T::100.00(200)
S2	75	F	R	R::99.50(199)
S2	76	F	I	I::100.00(200)
S2	77	F	L	L::100.00(200)
S2	78	F	T	T::100.00(200)
S2	79	F	I	I::100.00(200)
S2	80	F	P	P::100.00(200)
S2	81	F	Q	Q::100.00(200)
S2	82	F	S	S::100.00(200)
S2	83	F	L	L::100.00(200)
S2	84	F	D	D::100.00(200)
S2	85	F	S	S::100.00(200)
S2	86	F	W	W::100.00(200)
S2	87	F	W	W::100.00(200)

S2	88	F	T	T::100.00(200)
S2	89	F	S	S::100.00(1)
S2	90	F	L	L::100.00(1)
S2	91	F	N	N::100.00(1)
S2	93	F	L	L::100.00(1)
S2	94	F	G	G::100.00(1)
S2	95	F	G	G::100.00(1)
S2	96	F	T	T::100.00(1)
S2	97	F	T	T::100.00(1)
S2	98	F	V	V::100.00(1)
S2	99	F	C	C::100.00(1)
S2	100	F	L	L::100.00(1)
S2	101	F	G	G::100.00(1)
S2	102	F	Q	Q::100.00(1)
S2	103	F	N	N::100.00(1)
S2	104	F	S	S::100.00(1)
S2	105	F	Q	Q::100.00(1)
S2	190	F	C	C::100.00(10)
S2	191	F	T	T::100.00(10)
S2	192	F	K	K::100.00(10)
S2	193	F	P	P::100.00(10)
S2	194	F	S	S::100.00(10)
S2	195	F	D	D::100.00(10)
S2	196	F	G	G::100.00(10)
S2	197	F	N	N::100.00(10)
S2	198	F	C	C::100.00(10)
S2	199	F	T	T::100.00(10)
S2	200	F	C	C::100.00(10)
S2	201	F	I	I::100.00(10)
S2	202	F	P	P::100.00(10)
S2	203	F	I	I::100.00(10)
S2	204	F	P	P::100.00(10)
S2	205	F	S	S::100.00(10)
S2	206	F	S	S::100.00(10)
S2	207	F	W	W::100.00(10)
S2	208	F	A	A::100.00(10)
S2	210	F	G	G::100.00(10)
S2	211	F	K	K::100.00(10)
S2	213	F	L	L::100.00(10)
S2	214	F	W	W::100.00(10)
S2	215	F	E	E::100.00(10)
S2	216	F	W	W::100.00(10)
S2	217	F	A	A::100.00(10)
S2	218	F	S	S::100.00(10)
S2	219	F	A	A::100.00(10)
S2	220	F	R	R::100.00(10)
S2	222	F	S	S::100.00(10)
S2	223	F	W	W::100.00(10)
S2	224	F	L	L::100.00(10)
S2	225	F	S	S::100.00(10)
S2	226	F	L	L::100.00(5)

S2	242	F	W	W::100.00(1236)
S2	243	F	L	L::99.84(1235)
S2	244	F	S	S::100.00(1237)
S2	245	F	V	V::100.00(1237)
S2	246	F	I	I::100.00(1237)
S2	247	F	W	W::99.92(1236)
S2	248	F	M	M::99.76(1234)
S2	249	F	M	M::99.68(1233)
S2	250	F	W	W::99.84(1235)
S2	251	F	Y	Y::100.00(1237)
S2	252	F	W	W::99.92(1236)
S2	253	F	G	G::99.92(1236)
S2	254	F	P	P::99.92(1237)
S2	255	F	S	S::100.00(1238)
S2	256	F	L	L::100.00(1238)
S2	257	F	Y	Y::99.92(1237)
S2	258	F	S	S::99.76(1235)
S2	259	F	I	I::99.92(1237)
S2	260	F	L	L::100.00(1238)
S2	261	F	S	S::99.84(1236)
S2	262	F	P	P::100.00(1238)
S2	264	F	L	L::100.00(1238)
S2	265	F	P	P::99.76(1234)
S2	266	F	L	L::99.92(1237)
S2	267	F	L	L::100.00(1238)
S2	268	F	P	P::100.00(2464)
S2	269	F	I	I::99.92(2466)
S2	272	F	C	C::99.88(2466)
S2	273	F	L	L::99.92(2467)
S2	274	F	W	W::99.92(2467)
S2	275	F	V	V::99.92(2469)
S2	276	F	Y	Y::100.00(2471)
<hr/>				
C	50	F	P	P::100.00(1)
C	51	F	H	H::100.00(1)
C	52	F	H	H::100.00(1)
C	53	F	T	T::100.00(1)
C	54	F	A	A::100.00(1)
C	55	F	L	L::100.00(1)
C	56	F	R	R::100.00(1)
C	57	F	Q	Q::100.00(1)
C	58	F	A	A::100.00(1)
C	59	F	I	I::100.00(1)
C	60	F	L	L::100.00(1)
C	61	F	C	C::100.00(1)
C	62	F	W	W::100.00(1)
C	63	F	G	G::100.00(1)
C	64	F	D	D::100.00(1)
C	65	F	L	L::100.00(1)
C	66	F	M	M::100.00(1)
C	67	F	T	T::100.00(1)
C	68	F	L	L::100.00(1)

C	69	F	A	A::100.00(2)
C	70	F	T	T::100.00(2)
C	71	F	W	W::100.00(2)
C	72	F	V	V::100.00(3)
C	73	F	G	G::100.00(3)
C	74	F	G	G::100.00(3)
C	75	F	N	N::100.00(3)
C	76	F	L	L::100.00(3)
C	77	F	E	E::100.00(3)
C	78	F	D	D::100.00(3)
C	79	F	P	P::100.00(3)
C	80	F	V	V::100.00(3)
C	81	F	S	S::100.00(3)
C	82	F	R	R::100.00(3)
C	83	F	D	D::100.00(3)
C	84	F	L	L::100.00(3)
C	85	F	V	V::100.00(3)
C	86	F	V	V::100.00(3)
C	87	F	S	S::100.00(3)
C	88	F	Y	Y::100.00(4)
C	89	F	V	V::100.00(4)
C	90	F	N	N::100.00(4)
C	91	F	T	T::100.00(4)
C	92	F	N	N::100.00(4)
C	93	F	M	M::100.00(4)
C	94	F	G	G::100.00(4)
C	95	F	L	L::100.00(4)
C	96	F	K	K::100.00(4)
C	98	F	R	R::100.00(3)
C	99	F	Q	Q::100.00(3)
C	100	F	L	L::100.00(3)
C	101	F	L	L::100.00(3)
C	102	F	W	W::100.00(3)
C	104	F	H	H::100.00(3)
C	105	F	I	I::100.00(3)
C	106	F	S	S::100.00(3)
C	107	F	C	C::100.00(3)
C	108	F	L	L::100.00(3)
C	109	F	T	T::100.00(3)
C	111	F	G	G::100.00(3)
C	112	F	R	R::100.00(3)
C	113	F	Q	Q::100.00(3)
C	114	F	T	T::100.00(3)
C	115	F	V	V::100.00(3)
C	116	F	V	V::66.67(2) I::33.33(1)
C	117	F	E	E::100.00(3)
C	118	F	Y	Y::100.00(2)
C	119	F	L	L::100.00(2)
C	120	F	V	V::100.00(1)
C	121	F	S	S::100.00(1)
C	123	F	G	G::100.00(1)

C	124	F	V	V::100.00(1)
C	125	F	W	W::100.00(1)
C	126	F	I	I::100.00(1)
C	127	F	R	R::100.00(1)
C	128	F	T	T::100.00(1)
C	129	F	P	P::100.00(1)
C	130	F	P	P::100.00(1)
C	131	F	A	A::100.00(1)
C	132	F	Y	Y::100.00(1)
C	133	F	R	R::100.00(1)
C	134	F	P	P::100.00(1)
C	135	F	P	P::100.00(1)
C	136	F	N	N::100.00(1)
<hr/>				
P1	1	F	M	M::100.00(1)
P1	236	F	I	I::100.00(198)
P1	237	F	H	H::100.00(199)
P1	238	F	P	P::100.00(199)
P1	239	F	T	T::100.00(199)
P1	240	F	A	A::100.00(199)
P1	241	F	R	R::100.00(199)
P1	242	F	R	R::100.00(199)
P1	243	F	P	P::100.00(199)
P1	245	F	G	G::100.00(199)
P1	246	F	V	V::100.00(199)
P1	247	F	E	E::100.00(199)
P1	248	F	P	P::100.00(199)
P1	249	F	S	S::100.00(199)
P1	250	F	G	G::100.00(199)
P1	251	F	S	S::100.00(199)
P1	252	F	G	G::100.00(199)
P1	253	F	H	H::99.50(198)
P1	254	F	T	T::100.00(199)
P1	255	F	T	T::100.00(199)
P1	256	F	N	N::100.00(199)
P1	257	F	L	L::100.00(199)
P1	258	F	A	A::100.00(199)
P1	259	F	S	S::100.00(199)
P1	260	F	K	K::100.00(199)
P1	261	F	S	S::100.00(199)
P1	262	F	A	A::98.99(197)
P1	263	F	S	S::100.00(199)
P1	264	F	C	C::99.50(198)
P1	265	F	L	L::97.99(195)
P1	266	F	H	H::99.50(198)
P1	267	F	Q	Q::100.00(199)
P1	268	F	S	S::99.50(198)
P1	269	F	P	P::99.50(198)
P1	270	F	V	V::100.00(199)
P1	271	F	R	R::100.00(199)
P1	272	F	K	K::100.00(199)
P1	273	F	A	A::100.00(199)

P1	274	F	A	A::99.50(198)
P1	275	F	Y	Y::100.00(199)
P1	276	F	P	P::100.00(199)
P1	277	F	S	S::100.00(199)
P1	278	F	V	V::99.50(198)
P1	279	F	S	S::100.00(199)
P1	280	F	T	T::99.50(198)
P1	282	F	E	E::99.44(178)
P1	283	F	K	K::100.00(171)
P1	284	F	H	H::99.38(160)
P1	285	F	S	S::100.00(15)
<hr/>				
S1	57	F	T	T::100.00(199)
S1	58	F	P	P::100.00(199)
S1	59	F	P	P::100.00(199)
S1	60	F	H	H::100.00(199)
S1	61	F	G	G::100.00(199)
S1	62	F	G	G::100.00(199)
S1	63	F	L	L::98.99(197)
S1	64	F	L	L::100.00(198)
S1	65	F	G	G::100.00(199)
S1	66	F	W	W::100.00(199)
S1	67	F	S	S::100.00(199)
S1	68	F	P	P::100.00(199)
S1	69	F	Q	Q::100.00(199)
S1	70	F	A	A::100.00(199)
S1	71	F	Q	Q::99.50(198)
S1	72	F	G	G::100.00(199)
S1	73	F	I	I::99.50(198)
S1	74	F	L	L::100.00(199)
S1	75	F	Q	Q::100.00(199)
S1	76	F	T	T::100.00(199)
S1	77	F	L	L::100.00(199)
S1	78	F	P	P::100.00(199)
S1	79	F	A	A::100.00(199)
S1	80	F	N	N::100.00(199)
S1	81	F	P	P::100.00(199)
S1	82	F	P	P::100.00(199)
S1	83	F	P	P::100.00(199)
S1	84	F	A	A::100.00(199)
S1	85	F	S	S::97.99(195)
S1	86	F	T	T::99.50(198)
S1	87	F	N	N::100.00(199)
S1	88	F	R	R::100.00(199)
S1	89	F	Q	Q::99.50(198)
S1	90	F	S	S::100.00(199)
S1	91	F	G	G::100.00(199)
S1	92	F	R	R::100.00(199)
S1	93	F	Q	Q::100.00(199)
S1	94	F	P	P::98.99(197)
S1	95	F	T	T::100.00(199)
S1	96	F	P	P::100.00(199)

S1	97	F	L	L::100.00(199)
S1	98	F	S	S::99.50(198)
S1	99	F	P	P::100.00(199)
S1	100	F	P	P::99.50(198)
S1	101	F	L	L::100.00(199)
S1	102	F	R	R::99.44(178)
S1	103	F	N	N::100.00(171)
S1	104	F	T	T::99.38(159)
S1	105	F	H	H::100.00(15)

Meta data	
Assembly file:	HBV-RYD-27.sam
Annotation file:	/home3/vatt01s/Work/Project-150-HBV/Data/P150-1/Annotation/HBV.anno
Reference file:	KX357637.fa.
User name	ales01a
Hostname	Alpha
Location	/home2/ales01a/HBV/P150-5/HBV-RYD-27
Date/Time	Fri 22 Mar 11:21:02 GMT 2019