การทดลองจัดกลุ่มข้อมูล 2 มิติ ด้วยวิธี k-Means และ Hierarchical Clustering

ชุดข้อมูลที่ 1

1. อ่านข้อมูล

```
data = pd.read_csv('data2Dset1.csv', header=None)

2. Plot จุดข้อมูล

x = data[0]
y = data[1]
plt.scatter(x,y)
plt.show()
```

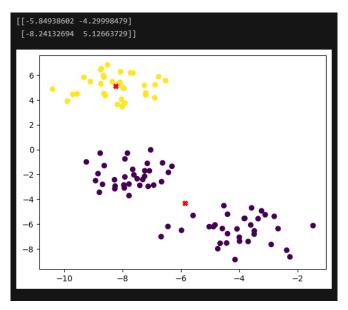
- 3. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย K-Means
 - a. k=2

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=2, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



Scatter plot with k=2

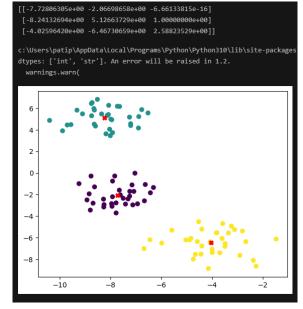
b. k=3

```
model kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=3, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



Scatter plot with k=3

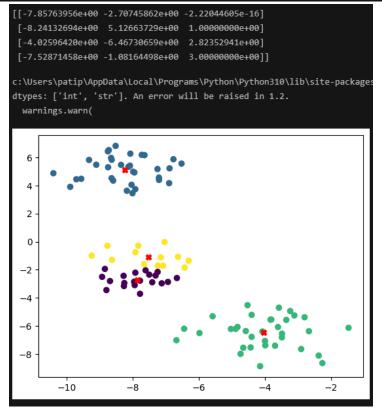
c. k=4

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=4, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



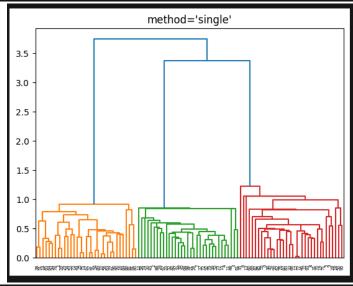
Scatter plot with k=4

โดยสรุปจาก k ทั้ง 3 ค่าที่ได้ทดลองใช้ พบว่าค่า k ที่ดีที่สุดคือ 3 เพราะจากข้อมูลที่ได้มาเมื่อ นำมา plot แล้วจะเห็นได้ว่าข้อมูลมีการแบ่งออกเป็น 3 กลุ่มชัดเจน และเมื่อใช้สีในการแยก cluster ก็จะเห็นได้ว่าข้อมูลที่อยู่ในกราฟถูกแย่งแยกอย่างชัดเจนมากขึ้น

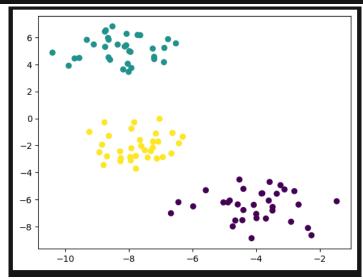
- 4. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย Hierarchical Clustering
 - a. Method single

```
linkage_data = linkage(data, method='single', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='single'")
plt.show()
```



```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=1.5, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```

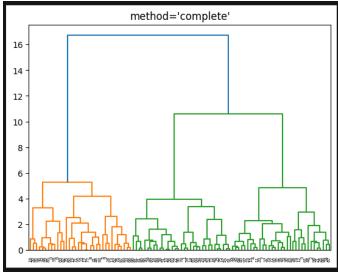


Cutoff โดยกำหนด t=1.5

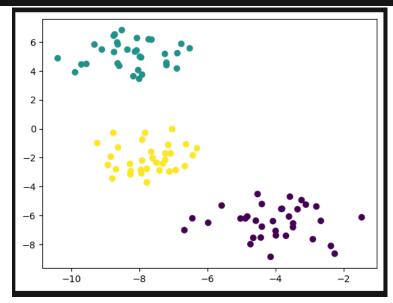
b. Method complete

```
linkage_data = linkage(data, method='complete', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='complete'")
plt.show()
```



```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=6, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```

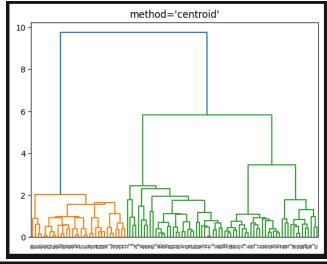


Cutoff โดยกำหนด t=6

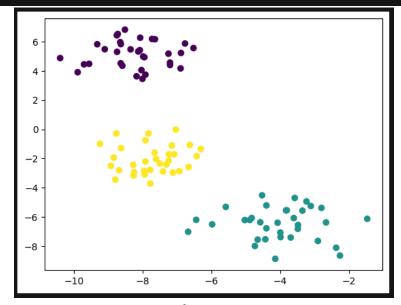
c. Method centroid

```
linkage_data = linkage(data, method='centroid', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='centroid'")
plt.show()
```



```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=4, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```



Cutoff โดยกำหนด t=4

ชุดข้อมูลที่ 2

1. อ่านข้อมูล

```
data = pd.read csv('data2Dset2.csv', header=None)
2. Plot จุดข้อมูล
   x = data[0]
   y = data[1]
   plt.scatter(x,y)
   plt.show()
                        1.00
                        0.75
                        0.50
                        0.00
                        -0.25
                        -0.50
                                   -0.5
                                         0.0
                                               0.5
                                                     1.0
```

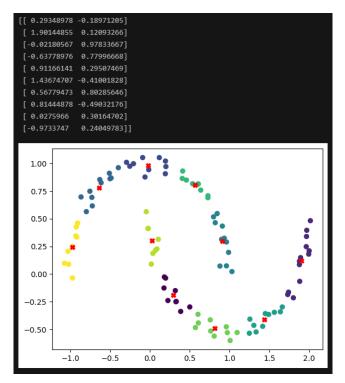
- 3. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย K-Means
 - a. k=10

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=10, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



Scatter plot with k=10

b. k=4

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=4, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```

```
[[ 7.67568428e-01 -5.51056610e-02 -1.11022302e-16]
 [ 1.52935308e-01 6.06910519e-01 1.000000000e+00]
 [ 1.69940443e+00 -1.09915574e-01 -1.11022302e-16]
[-7.88802984e-01 5.37205698e-01 1.000000000e+00]]
c:\Users\patip\AppData\Local\Programs\Python\Python310\lib\site-packages\sk
dtypes: ['int', 'str']. An error will be raised in 1.2.
 warnings.warn(
  1.00
  0.75
   0.50
   0.25
   0.00
 -0.25
 -0.50
          _i.0
                    -0.5
                              0.0
                                       0.5
                                                 1.0
                                                           1.5
                                                                    2.0
```

Scatter plot with k=4

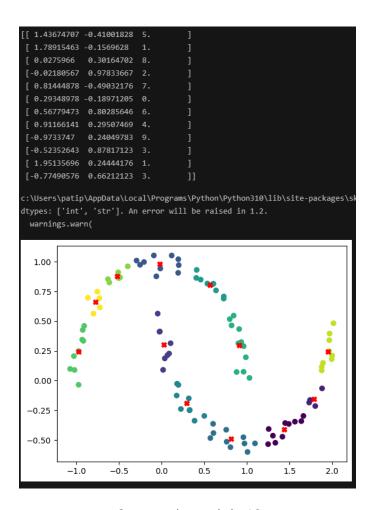
c. k=12

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=12, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



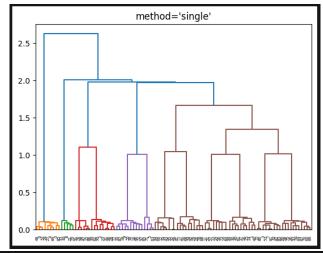
Scatter plot with k=12

โดยสรุปแล้ว k ที่ทดลองนำมาใช้แล้วคิดว่าดีที่สุดคือ k=10 เนื่องจากหากมองที่ k=4 จะเห็นว่า ถึงแม้จะสามารถแยกข้อมูลตามสีได้ชัด แต่กลุ่มแต่ละกลุ่มนั้นกว้างเกินไป และหากเป็น k=12 การแบ่งกลุ่มนั้นละเอียดเกินไปจนมองยาก ดังนั้น k=10 จึงเป็นตัวเลอกที่ดีที่สุดเพราะนอกจาก จะแยกข้อมูลได้ไม่กว้างเกินไปแล้วก็ยังไม่ละเอียดเกินไปอีกด้วย

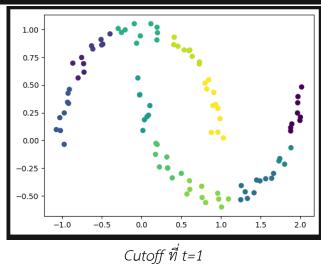
- 4. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย Hierarchical Clustering
 - a. Method single

```
linkage_data = linkage(data, method='single', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='single'")
plt.show()
```



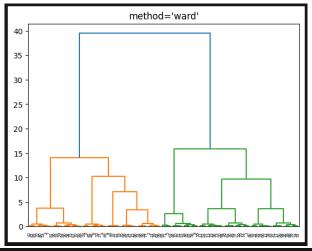
```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=1.0, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```



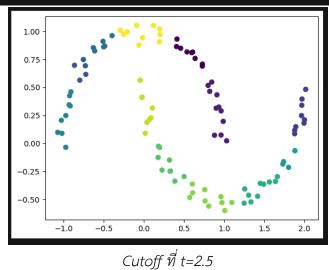
b. Method ward

```
linkage_data = linkage(data, method='ward', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='ward'")
plt.show()
```



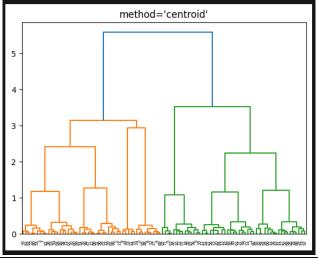
```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=2.5, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```



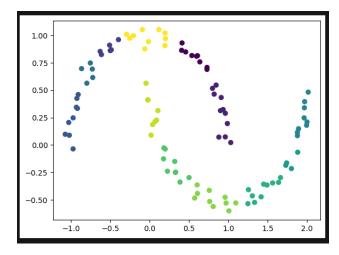
c. Method centroid

```
linkage_data = linkage(data, method='centroid', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='centroid'")
plt.show()
```



cluster_id = fcluster(linkage_data, t=1, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()



Cutoff ที่ t=1

ชุดข้อมูลที่ 3

1. อ่านข้อมูล

```
data = pd.read_csv('data2Dset3.csv', header=None)
```

2. Plot จุดข้อมูล

```
x = data[0]
y = data[1]
plt.scatter(x,y)
plt.show()

1.0

0.8

0.6

0.4

0.2

0.0

0.0

0.2

0.4

0.6

0.8

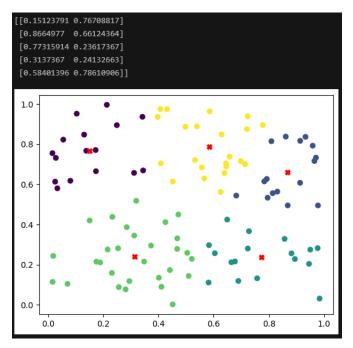
1.0
```

- 3. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย K-Means
 - a. k=5

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=5, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_
centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



Scatter plot with k=5

b. k=6

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=6, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```

```
[[0.8664977 0.66124364 1.
[0.58401396 0.78610906 4.
[0.15123791 0.76708817 0.
[0.77315914 0.23617367 2.
[0.41944145 0.26610349 3.
::\Users\patip\AppData\Local\Programs\Python\Python310\lib\site-packages
dtypes: ['int', 'str']. An error will be raised in 1.2.
 warnings.warn(
 1.0
 0.8
 0.6
 0.4
 0.2
 0.0
                              0.4
                                          0.6
                                                       0.8
                                                                   1.0
```

Scatter plot with k=6

c. k=8

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=8, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```

```
1.83638542e-01 2.10832045e-01 1.000000000e+00]
  9.26765461e-01 2.28958321e-01 4.000000000e+00]
  5.70828739e-01 9.17949947e-01 2.000000000e+00]
  8.66497703e-01 6.61243644e-01 -4.44089210e-16]
  4.19441446e-01 2.66103486e-01 5.000000000e+00]
 1.51237915e-01 7.67088174e-01 3.00000000e+00]
[ 5.95001651e-01 6.76241645e-01 2.000000000e+00]
  6.65634715e-01 2.41224414e-01 4.000000000e+00]]
::\Users\patip\AppData\Local\Programs\Python\Python310\lib\site-packages
dtypes: ['int', 'str']. An error will be raised in 1.2.
 warnings.warn(
1.0
0.6
0.4
0.2
                 0.2
                              0.4
                                          0.6
                                                      0.8
```

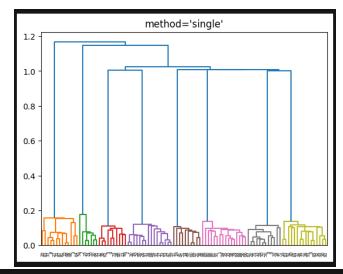
Scatter plot with k=8

โดยสรุปแล้ว k ที่ดีที่สุดคือ k=6 ถึงแม้ข้อมูลที่มีจะดูกระจัดกระจาย แต่เมื่อลองใช้ k=6 แล้วจะ เห็นข้อมูลที่จัดกลุ่มไว้ได้ชัดเจนและไม่กว้างไม่ละเอียดเกินไป หากเลข k มากกว่านี้จะได้ข้อมูลที่ อ่านและวิเคราะห์ได้ยาก

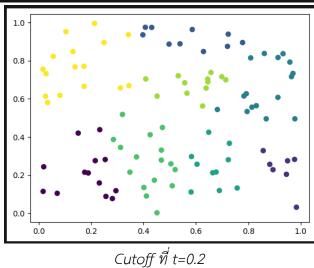
- 4. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย Hierarchical Clustering
 - a. Method single

```
linkage_data = linkage(data, method='single', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='single'")
plt.show()
```



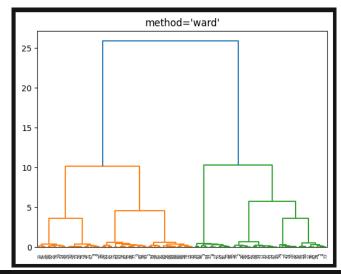
```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=0.2, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```



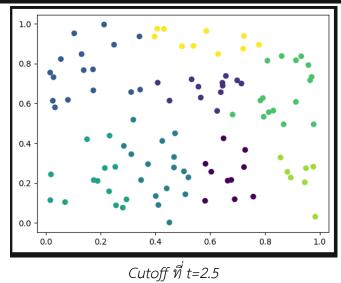
b. Method ward

```
linkage_data = linkage(data, method='ward', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='ward'")
plt.show()
```



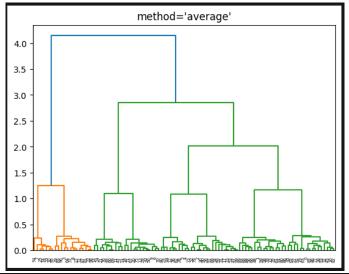
```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=2.5, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```



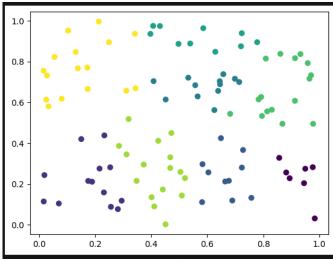
c. Method average

```
linkage_data = linkage(data, method='average', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='average'")
plt.show()
```



cluster_id = fcluster(linkage_data, t=0.5, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()



Cutoff ที่ t=0.5

ชุดข้อมูลที่ 4

1. อ่านข้อมูล

```
data = pd.read_csv('data2Dset4.csv', header=None)
```

2. Plot จุดข้อมูล

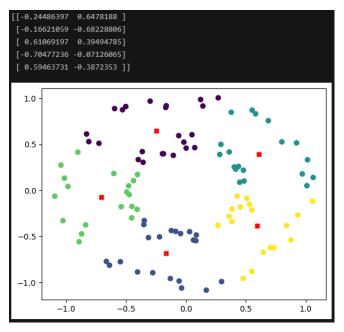
- 3. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย K-Means
 - a. k=5

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=5, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



Scatter plot with k=5

b. k=8

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=8, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```

```
6.54656933e-01 7.24993913e-01 2.22044605e-16]
[-7.04772361e-01 -7.12606479e-02 2.000000000e+00]
[-1.10284225e-01 -4.63482595e-01 3.00000000e+00]
[-3.76307517e-02 6.79608970e-01 1.000000000e+00]
[ 5.94637310e-01 -3.87235298e-01 2.000000000e+00]
[ 5.90400449e-01 2.42618904e-01 0.00000000e+00]
[-2.27729599e-01 -9.22974075e-01 3.000000000e+00]
[-5.67226759e-01 5.98367420e-01 1.000000000e+00]]
:\Users\patip\AppData\Local\Programs\Python\Python310\lib\site-packages\:
dtypes: ['int', 'str']. An error will be raised in 1.2.
 warnings.warn(
  1.0
  0.5
 -0.5
 -1.0
         -1.0
                       -0.5
                                     0.0
                                                   0.5
                                                                1.0
```

Scatter plot with k=8

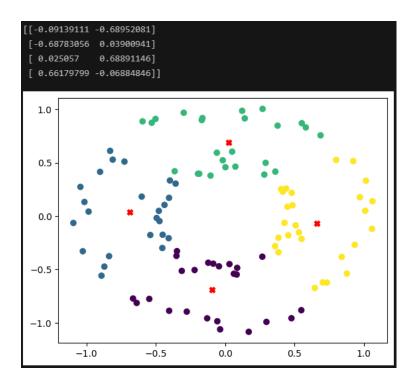
c. k=4

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=4, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)

data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_

centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

plt.scatter(x,y, c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X', c='r')
plt.show()
```



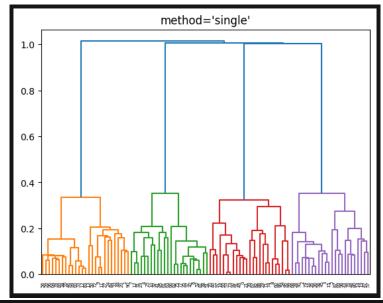
Scatter plot with k=4

โดยสรุป k ที่ดีที่สุดคือ 4 เพราะข้อมูลแบ่งสัดส่วนกันสวยงามชัดเจน ดูง่าย แต่ถ้าหากมองว่าชุด ข้อมูลกว้างเกินไปก็สามารถเลือก k=5 ได้เช่นกัน

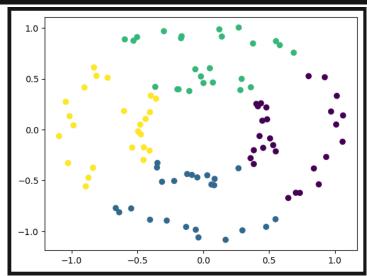
- 4. จัดกลุ่มข้อมูลด้วย Hierarchical Clustering
 - a. Method single

```
linkage_data = linkage(data, method='single', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='single'")
plt.show()
```



```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=0.4, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```

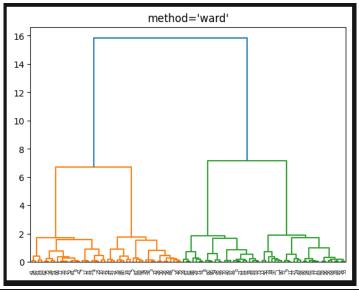


Cutoff ที่ t=0.4

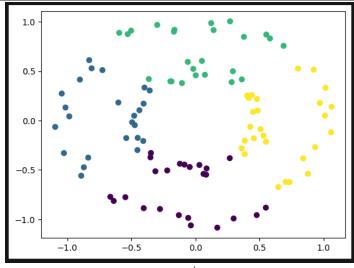
b. Method ward

```
linkage_data = linkage(data, method='ward', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='ward'")
plt.show()
```



```
cluster_id = fcluster(linkage_data, t=2, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()
```

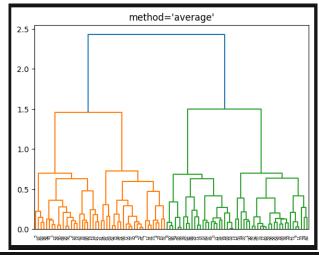


Cutoff ที่ t=2

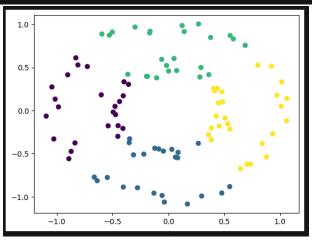
c. Method average

```
linkage_data = linkage(data, method='average', metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)

plt.title("method='average'")
plt.show()
```



cluster_id = fcluster(linkage_data, t=1, criterion='distance')
plt.scatter(x,y, c=cluster_id)
plt.show()



Cutoff ที่ t=1

สรุปผลการทดลอง

K-means นั้นเป็นการระบุจำนวน cluster ที่เราต้องการจะแยกหมวดหมู่ ซึ่งวิธีนี้ควรใช้กับชุดข้อมูลที่เรา เห็น pattern ชัดเจน สามารถระบุจำนวน cluster หรือ k ได้ง่าย ซึ่งการที่เราสามารถระบุ k ที่เราต้องการลงไปได้ เลยนั้นก็คือข้อดีของ K-means แต่ข้อเสียคือค่อนข้างเสีย performance ในการทำงาน ใช้เวลามาก

ส่วน Hierarchical Clustering จากการทดลอง จะเป็นการลองใช้ method ที่ละแบบ ซึ่งแต่ละแบบ อาจจะได้ผลลัพธ์หรือการทำ dendrogram ได้ผลต่างหรือใกล้เคียงกันขึ้นอยู่กับข้อมูล แต่ทุกแบบจะทำให้เราเห็น hierarchy ที่ชัดเจนเห็น pattern ได้ดีขึ้น และเมื่อเราเห็นข้อมูลที่ถูกจัดอยู่ในรูปแบบของ dendrogram แล้ว เรา ก็สามารถที่จะวิเคราะห์เพื่อเลือกค่า t ที่จะนำไปใช้ cutoff เพื่อทำให้เกิด cluster ที่เหมาะสมได้ ซึ่งหมายความว่า

62130500048 นางสาวปฏิญญา ทองอ่วม

วิธีนี้จะใช้ได้ดีก็ต่อเมื่อข้อมูลมีจำนวนไม่เยอะมาก หากข้อมูลมีเยอะเกินไป จะทำให้วิเคราะห์ค่า t ที่เหมาะสมได้ ยาก