

Curso de Metagenómica Funcional - CABBIO - IIBCE:

Módulo de análisis computacional de metagenomas.

Ignacio Ferrés, Gregorio Iraola. Unidad de Bioinformática, Institut Pasteur de Montevideo.

Antes de comenzar...

Para disponer de los archivos que van a hacer falta en estos tutoriales, será necesario que abran una Terminal, y copien y peguen el siguiente código:

```
git clone https://github.com/iferres/Curso_Metagenomica_IIBCE
```

Ante cualquier duda consulten a los docentes.