

Bioinformatica intelligente - Il deep learning per grafi e le sue applicazioni biomediche e farmaceutiche

MILANO | 25 OTTOBRE 2018



## Grafi: perché?





### Grafi: perché?

Il contesto può essere fondamentale nella valutazione dell'informazione



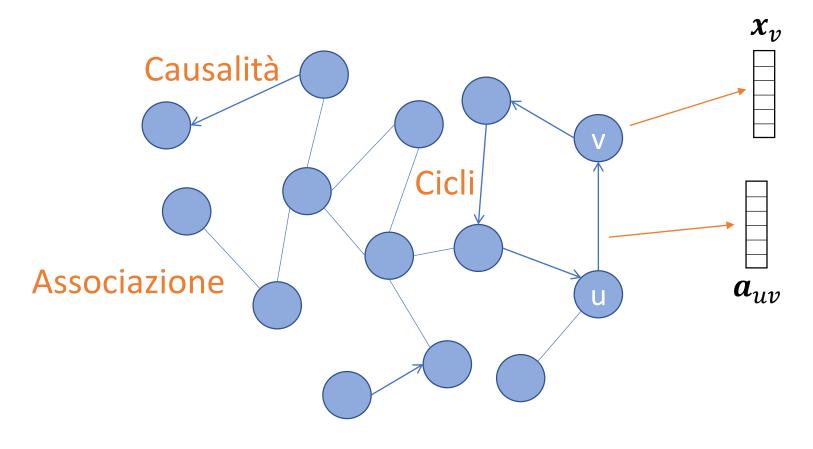


## I DATI STRUTTURATI

DONOA



#### Grafi



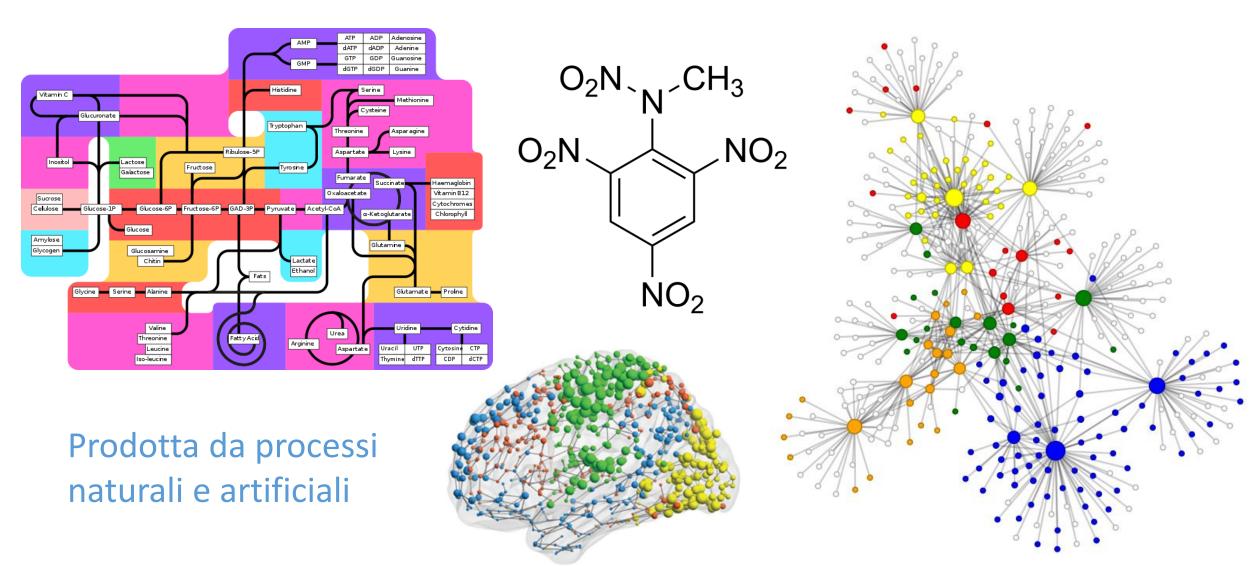
Informazione associata al vertice v

Informazione associata all'arco tra il vertice u e v

Astrazione che rappresenta pezzi di informazione (i vertici) e le loro relazioni (gli archi)



#### L'informazione strutturata e dove trovarla

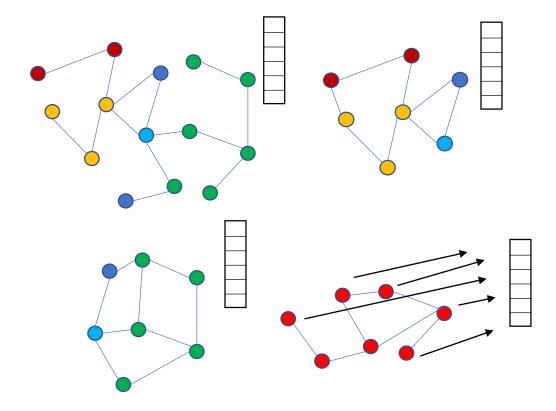




#### Grafi e il loro uso predittivo

Un unico grafo, con informazioni mancanti o da inferire

Una dataset di grafi con struttura variabile, per cui generare predizioni



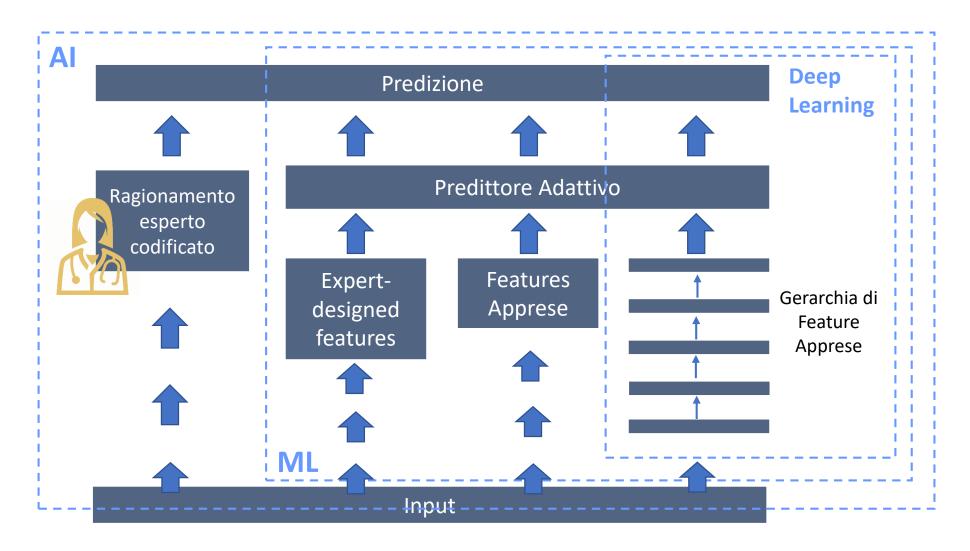


## DEEP LEARNING

DONOA



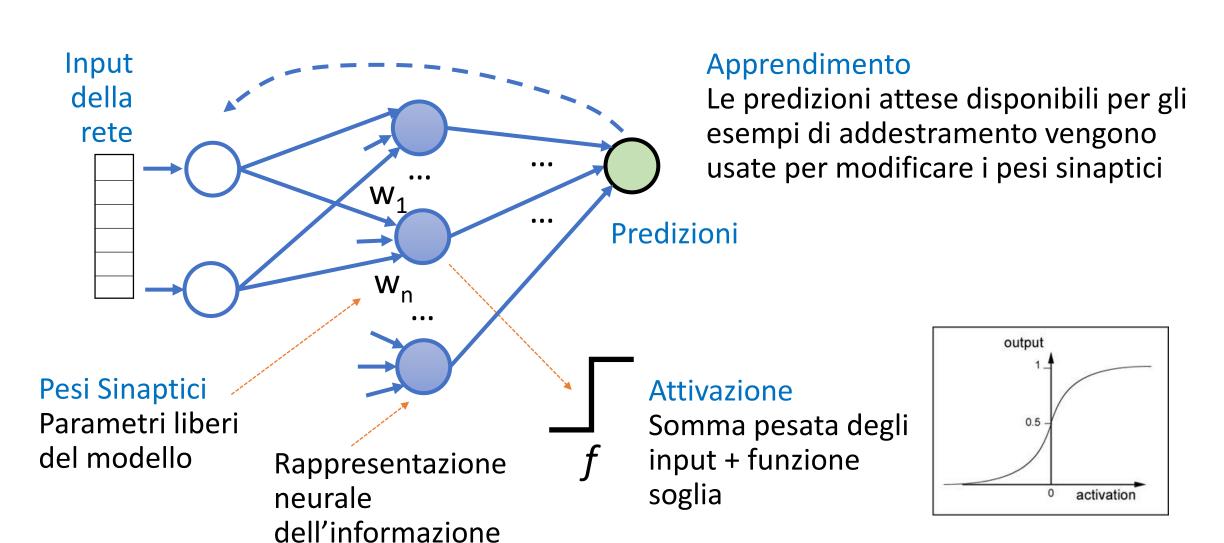
#### Intelligenza Artificiale, Machine Learning e Deep Learning



0585 842210



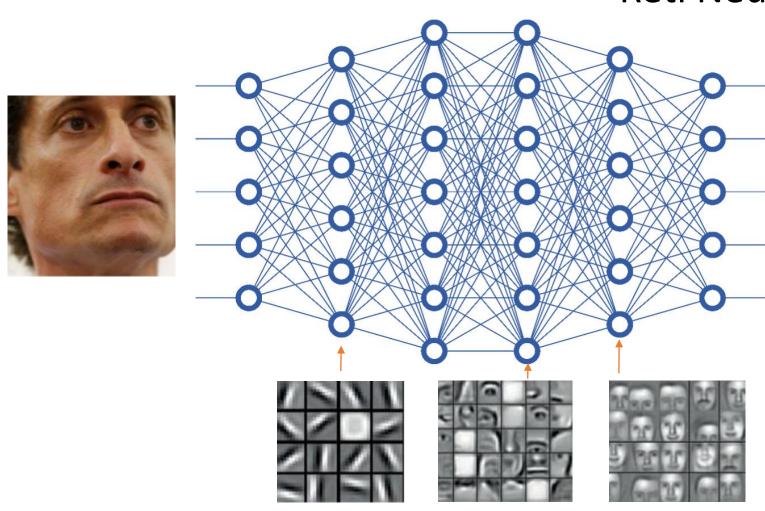
#### Reti neurali in 1 slide





#### Deep Learning

#### Reti Neurali Profonde



Identità 1

Identità 2

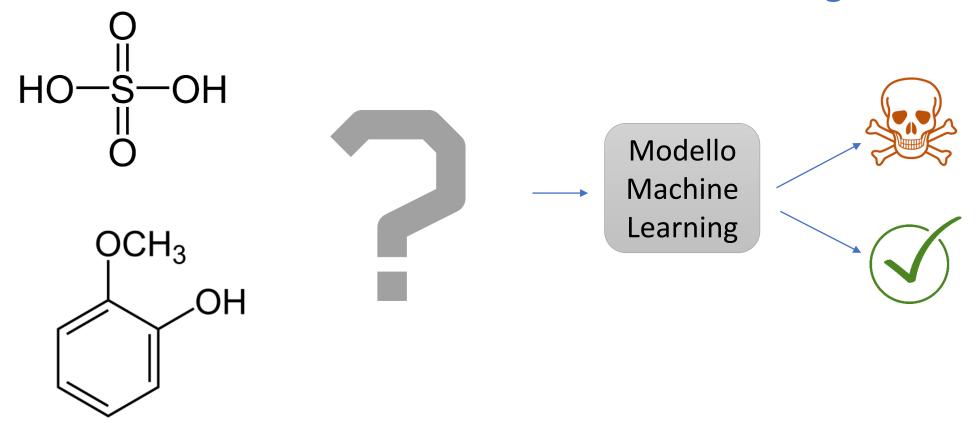
...

Un insieme di tecniche e metodologie per estrarre automaticamente dai dati una rappresentazione efficace e gerarchica dell'informazione



# Perchè il Deep Learning è interessante per trattare grafi?

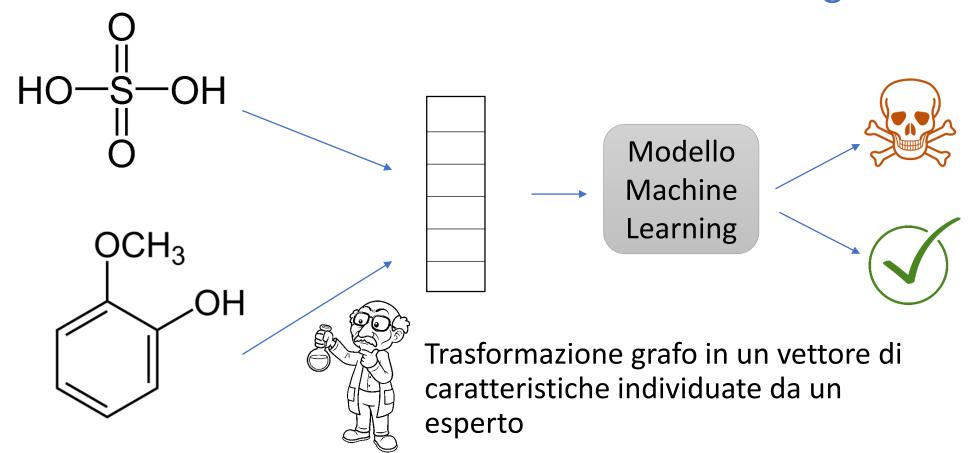
Machine learning classico





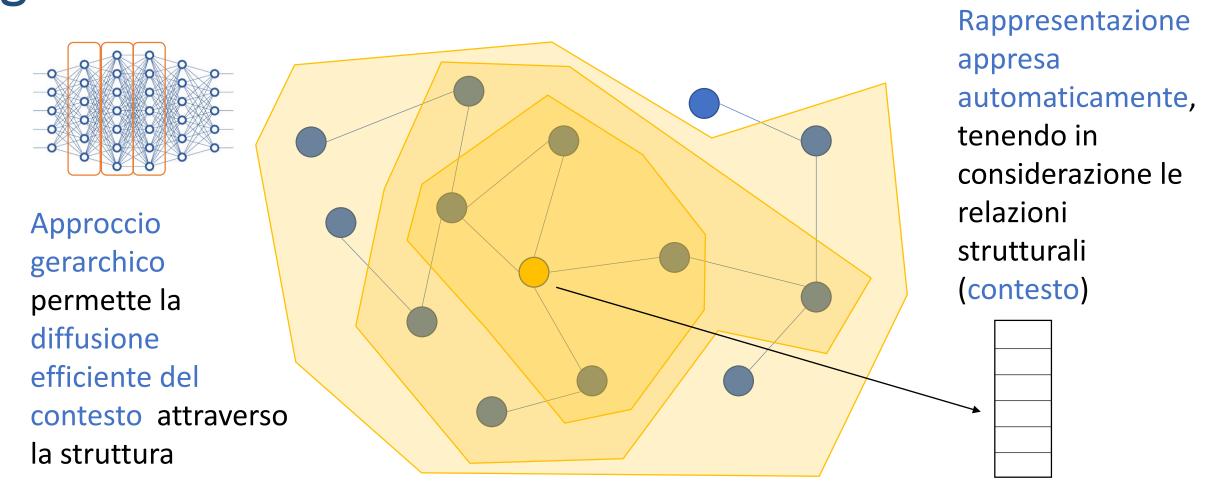
# Perchè il Deep Learning è interessante per trattare grafi?

Machine learning classico





# Perchè il Deep Learning è interessante per trattare grafi?



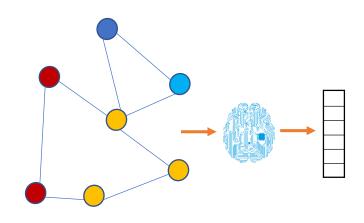


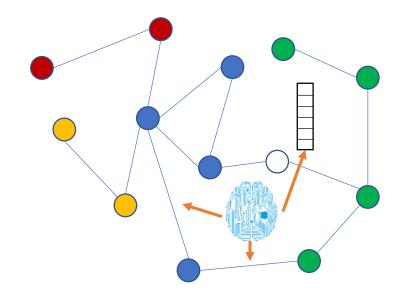
# **CASI STUDIO**

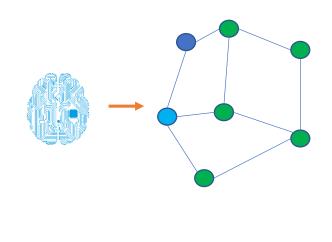
Donora



### Tre task di apprendimento







(1) Classificazione o regressione su grafi

(2) Inferenza su nodi e archi

(3) Generazione di grafi



#### Grafi Molecolari

H

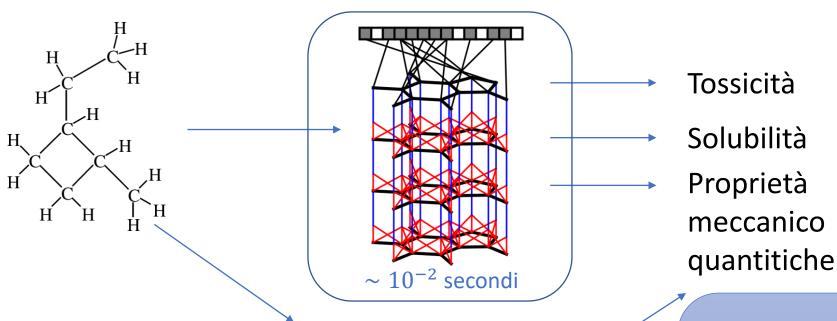
H

Rappresentazione ricca dei componenti e delle loro relazioni spaziali, essenziali nel determinarne la funzionalità

- Tipo atomo
- Peso atomico
- Accetta/dona elettroni
- Aromatico
- •
- Tipo legame
- Distanza tra atomi
- ..



### Predizione Proprietà dei Composti Chimici (1)



Metodi di simulazione

 $\sim 10^3$  secondi

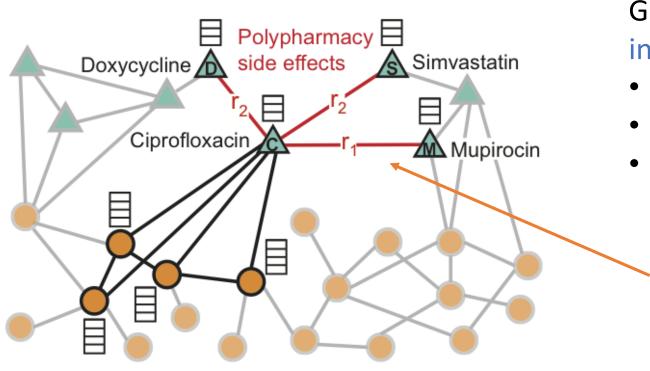
Studio recente su 134K molecole

- Modelli deep learning superiori a modelli che utilizzano conoscenza di esperti
- Perfomance identica ai modelli di simulazione in 11 su 13 proprietà

Gilmer et al, ICML 2017



### Effetti collaterali da interazione tra farmaci (2)



Grafo multimodale che rappresenta interazioni

- Farmaco-farmaco
- Farmaco-proteina
- Proteina-proteina

Inferire la presenza di interazioni sconosciute (archi)



r₁ Gastrointestinal bleed side effect △ O Drug-protein interaction

r<sub>2</sub> Bradycardia side effect

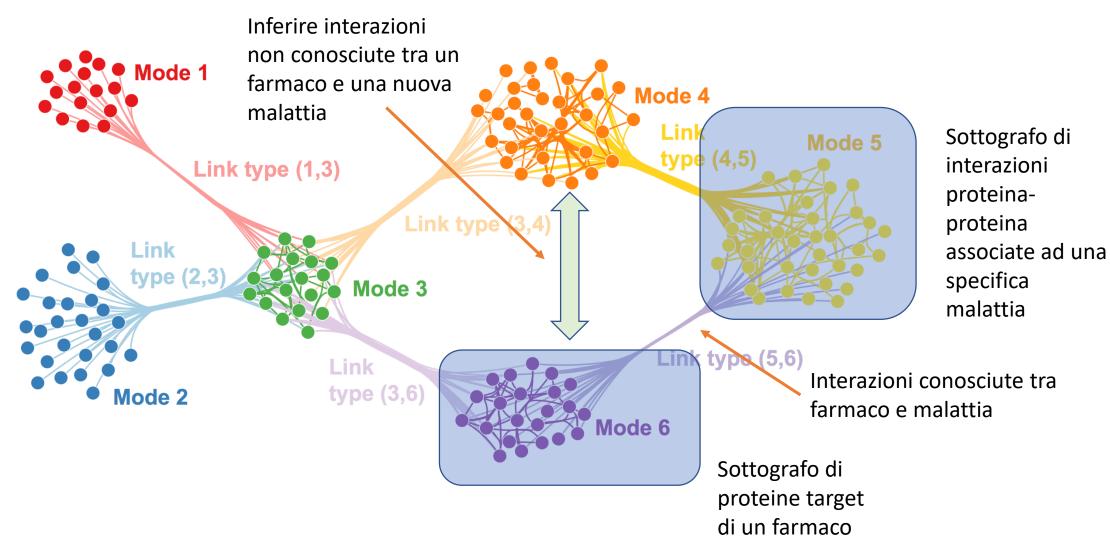
Protein-protein interaction

Zitnik, Agrawal, Leskovec, Bioinformatics 2018

**D**brow WWW.BNOVA.IT INFO@BNOVA.IT 0585 842210

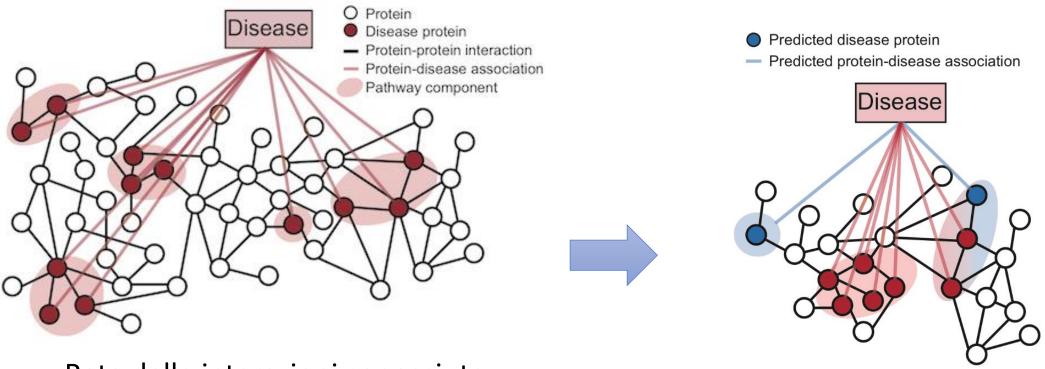


### Riposizionamento di Farmaci (2)





### Predizione Percorsi di Co-Regolazione (2)



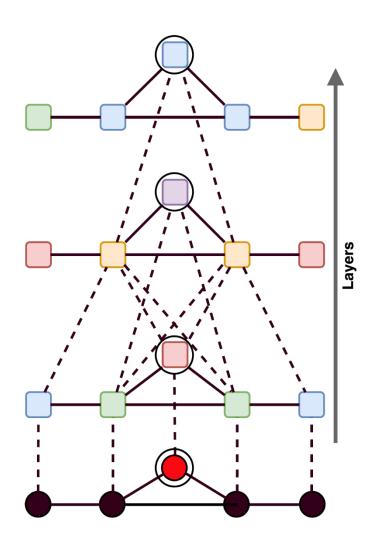
Rete delle interazioni conosciute

- proteine-proteine
- proteine-malattia

Predizione interazioni sconosciute tra proteine e malattia



### Approccio Contestuale e Neuro-Probabilistico (1,2)



#### Contestuale

- Efficacia e scalabilità da piccole molecole a grandi reti di interazione
- Addestramento: 25 vertici per millisecondo
- Predizione: 230 vertici per millisecondo

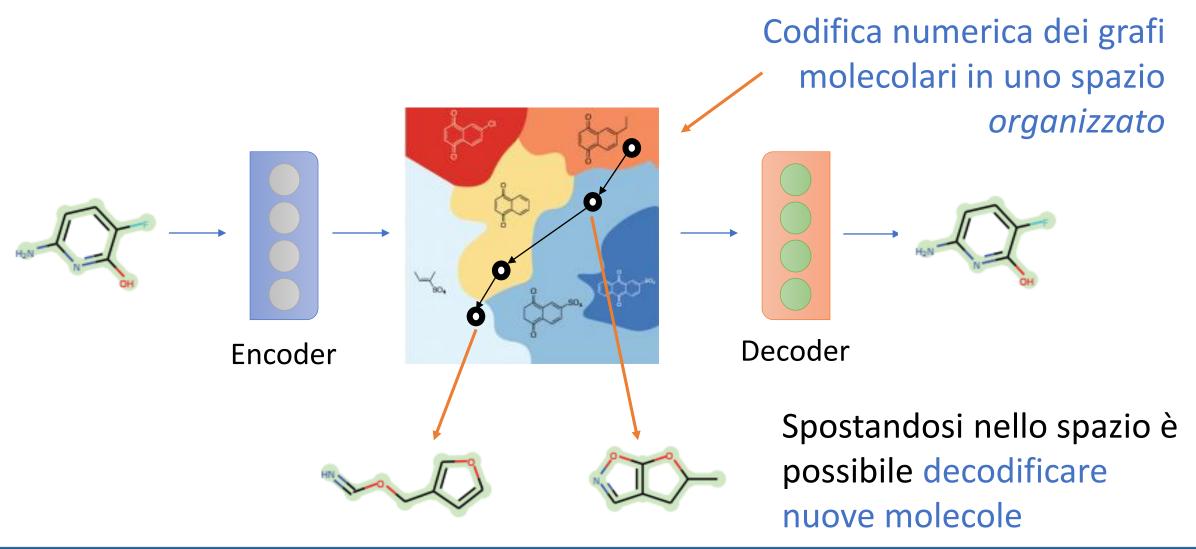
#### Neuro probabilistico

- Approccio deep learning con formalizzazione probabilistica
- Interpretabilità del modello
- Inferenza diffusa e built-in





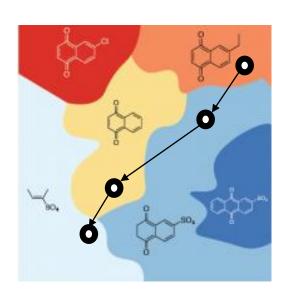
### Generazione Molecole e Materiali (3)





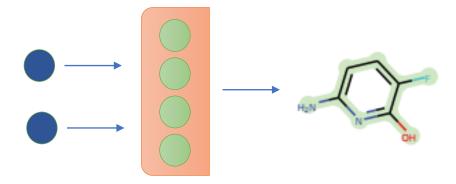
### Generazione Condizionale e Controllata (3)





- Spostandosi nello spazio della rappresentazione numerica non sempre si ottengono grafi "buoni"
- Modelli che controllano la bontà dei grafi durante il processo di generazione

Generazione grafi condizionata da informazioni di input





# CONCLUSIONI

Dbroa



#### Conclusioni

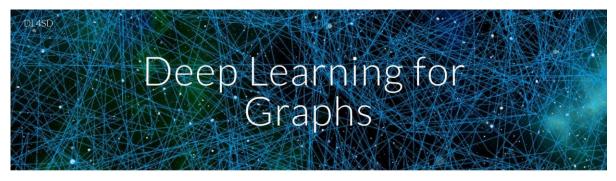
- I grafi non sono solo una struttura dati ma un dato che cattura informazione relazionale
- Processare l'informazione relazionale migliora la capacità predittiva rispetto ad un approccio non-strutturato
- Applicazioni sostanziali alle scienze della vita
  - Design molecole e farmaci, inferenza di vie metaboliche, interazioni (proteine, farmaci,..)
  - Brain networks, genomica, epidemiologia, ...
- Uso generativo del Deep learning



#### Risorse & Riferimenti

- Tutorial @UNIPI
  - https://sites.google.com/view/dl4sd
- Contextual graph Markov model
  - https://github.com/diningphil/CGMM
  - http://arxiv.org/abs/1805.10636

# INNS BIG DATA AND DEEP LEARNING 2019 April 16 – 18, Sestri Levante, Italy <a href="https://innsbddl2019.org/">https://innsbddl2019.org/</a>



ECML-PKDD 2018 Tutorial - 14th September 2018

Organized by:

Davide Bacciu - Università di Pisa (bacciu@di.unipi.it) - Contact person

Alessio Micheli - Università di Pisa (micheli@di.unipi.it)

#### (Piccola) Bibliografia

- 1. Justin Gilmer, Samuel S. Schoenholz, Patrick F. Riley, Oriol Vinyals, George E. Dahl, Neural Message Passing for Quantum Chemistry, ICML 2017
- 2. Marinka Zitnik, Monica Agrawal and Jure Leskovec, Modeling polypharmacy side effects with graph convolutional networks, Bioinformatics 2018
- 3. Martin Simonovsky, Nikos Komodakis, GraphVAE: Towards Generation of Small Graphs Using Variational Autoencoders, NIPS Workshop, 2017

Dboom

# GRAZIE PER L' ATTENZIONE

