

머신러닝 (MACHINE LEARNING)

LECTURE XVI: 지도 학습 10 (Supervised Learning)

Dai-Gyoung Kim

Department of Applied Mathematics

Hanyang University ERICA

지도 학습 (Supervised Learning)

Contents

- 분류와 회귀
- 일반화, 과대적합, 과소적합
- 지도 학습 알고리즘
 - ▶ k-최근접 이웃
 - ▶ 선형모델
 - ▶ 나이브 베이즈 모델
 - ▶ 결정트리
 - ▶ 결정트리의 앙상블
 - ▶ 커널 서포트 벡터 머신
 - ▶ 신경망, 딥러닝
- 분류 예측의 불확실성 추정

▶ 신경망(딥러닝)

인공 신경망의 역사

• 제 1 기 (1940 ~ 1980) 이론적인 환경

- ♦ [1943] W. McCulloch(신경생리학자), W. Pitts(수학자): 명제 논리를 기반으로 한 임계 논리 (threshold logic) 알고리즘을 바탕으로 신경망을 위한 계산 모델을 소개.
- ♦ [1958] F. Rosenblatt: 퍼셉트론으로 간단한 덧셈과 뺄셈을 하는 이층구조의 학습 컴퓨터 망에 근거한 패턴 인식을 위한 알고리즘을 소개.
- ♦ [1969] Marvin Minsky, Seymour Papert: 단순 퍼셉트론은 선형 분리가 불가능한 패턴을 식별 할 수 없다는 것을 밝힘.
 - ✓ 단층 신경망은 배타적 논리합 회로를 처리하지 못함.
 - ✓ 거대한 신경망에 의해 처리되는 긴 시간을 컴퓨터가 충분히 효과적으로 처리하지 못함.
- ♦ [1969 ~ 1980] 인공 신경망의 침체기

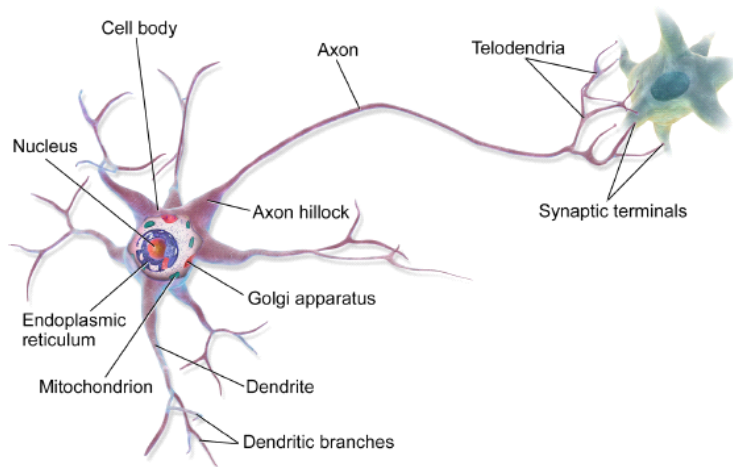
- 제 2 기 (1980 ~ 2000) 컴퓨터 환경

- ♦ [1980] Fukushima의 연구진: 네오코크니트론(neocognitron)을 제안함.
 - ✓ 생물의 시각 피질을 모방한 합성곱층 기법을 제안.
- ♦ [1982] Hopfield: 홉필드 모형 제안.
- ♦ [1986] Rumelhart 연구진: 역전파법(back propagation)을 제안.
- ♦ [1989] LeCun 연구진: 합성곱 신경망 제안.
- ♦ [1989 ~ 2000] 서포트 벡터 머신의 등장으로 인공 신경망이 주목 받지 못함.

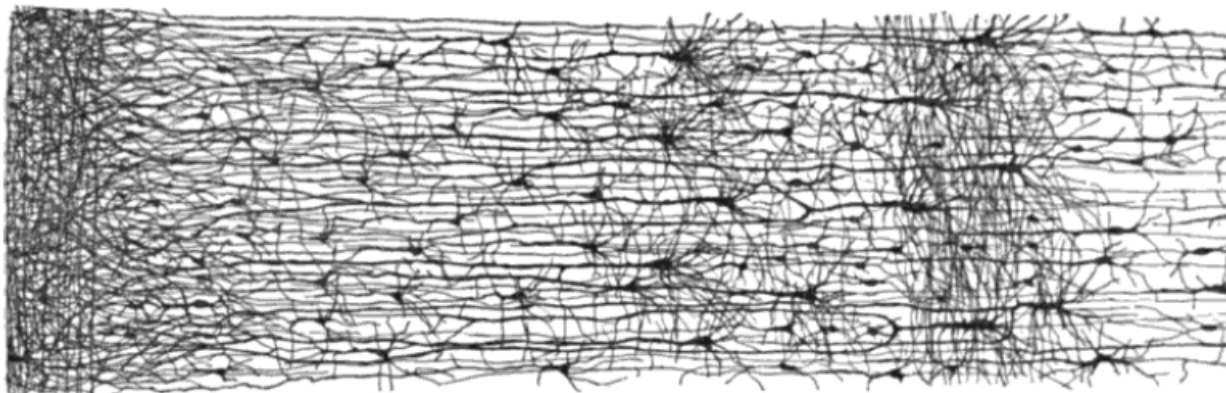
- 제 3 기 (2000 ~) 컴퓨터 환경 + 네트워크 환경 + 빅데이터
 - ♦ [2006] Hinton, Bengio: 딥뉴럴 넷에 사전훈련과 자기부호화 기법을 제안.
 - ♦ [2011] Seide 연구진: 음성 인식 벤치마크 테스트에서 압승을 거둠.
 - ♦ [2012] Krizhevsky 연구진: ReLU를 제안하고 이미지 인식 테스트에서 압승을 거둠.
 - ♦ [2016] 구글 딥마인드: 알파고의 압승

생물학적 뉴런

- 뉴런 세포(Neuron Cells)는 대부분의 동물의 대뇌 피질(cerebral cortex)에서 발견되며 핵을 포함하는 세포체(cell body)와 세포의 복잡한 구성 요소로 이루어 있음.
 - ✓ 수상돌기(dendrite)라는 나뭇가지 모양의 돌기
 - ✓ 축삭돌기(Axon)
 - ✓ 축삭끝가지(telodendria)
 - ✓ 시냅스(Synapse): 한 뉴런에서 다른 세포로 신호를 전달하는 연결 지점.

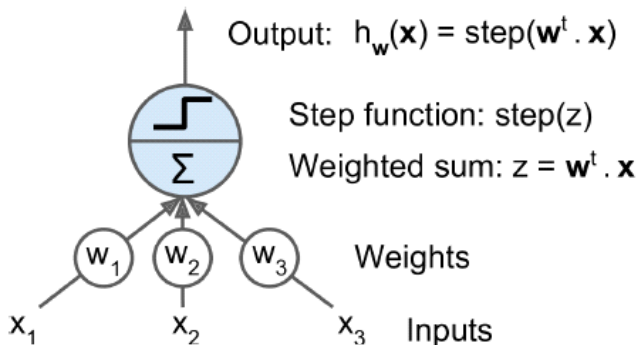


- 뉴런은 시냅스를 통해 다른 뉴런으로부터 짧은 전기 신호를 받음. 이때, 한 뉴런이 천분의 몇 초 동안 다른 뉴런으로부터 충분한 횟수의 신호를 받으면 자체적인 신호를 발생시킴.
- 개개의 뉴런은 아주 단순하게 동작하지만, 수십억 개의 뉴런으로 구성된 거대한 네트워크로 조직되어 있고 각 뉴런은 보통 수천 개의 다른 뉴런과 연결되어 있음.
- 다음 그림은 인간 대뇌 피질의 생물학적 신경망이 여러 층으로 조직화되어 있는 것을 보여줌.



퍼셉트론

- 퍼셉트론(Perceptron)은 1957년 Frank Rosenblatt가 제안한 가장 간단한 인공 신경망 구조 중 하나임.
- 퍼셉트론은 TLU(threshold logic unit)라는 형태의 인공 뉴런을 기반으로 함.



- ✓ 입력과 출력이 이진 값이 아니라 어떤 숫자이며 각각의 입력 연결은 가중치와 연관되어 있음.
- ✓ 퍼셉트론은 입력의 가중치 합 ($z = \mathbf{w}^T \mathbf{x}$)을 계산하고, 그 계산된 값에 계단함수(step function)를 적용하여 그 결과를 출력함: $h_{\mathbf{w}}(\mathbf{x}) = \text{step}(z)$.

- 퍼셉트론에서 일반적으로 사용되는 계단 함수는 다음과 같음.

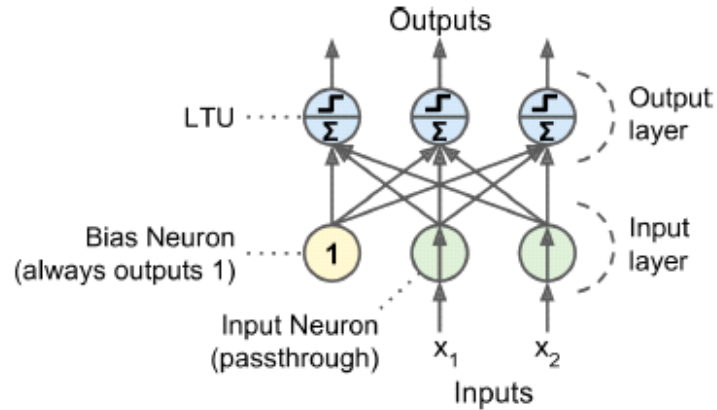
$$H(z) = \begin{cases} 0 & \text{if } z < 0 \\ 1 & \text{if } z \geq 0 \end{cases}, \quad \text{sign}(z) = \begin{cases} -1 & \text{if } z < 0 \\ 0 & \text{if } z = 0 \\ 1 & \text{if } z > 0 \end{cases}$$

- 하나의 퍼셉트론은 간단한 선형 이진 분류기 문제에 사용할 수 있음.
- 퍼셉트론을 훈련시킨다는 것은 최적의 가중치 w 를 결정하는 것임.

[퍼셉트론 구성]

- 퍼셉트론은 층이 하나뿐인 TLU로 구성됨. 각 뉴런은 모든 입력에 연결되어 있고, 이 연결은 입력 뉴런(input neuron)이라 부르는 특별한 통과 뉴런을 사용해 표현됨.
- 통과 뉴런은 무엇이 주입되든 입력을 그대로 출력으로 통과시키며, 보통 이 뉴런에 편향 특성이 더해짐. 전형적으로 편향 특성은 항상 1을 출력하는 특별한 종류의 뉴런인 편향 뉴런(bias neuron)으로 표현됨.

- 다음 그림은 입력 두 개와 출력 세 개로 구성된 퍼셉트론의 예임.



- ✓ 위의 퍼셉트론은 샘플을 세 개의 다른 이진 클래스로 동시에 분류할 수 있는 일종의 다중 출력 분류기(multioutput classifier)라 할 수 있음.

퍼셉트론의 훈련

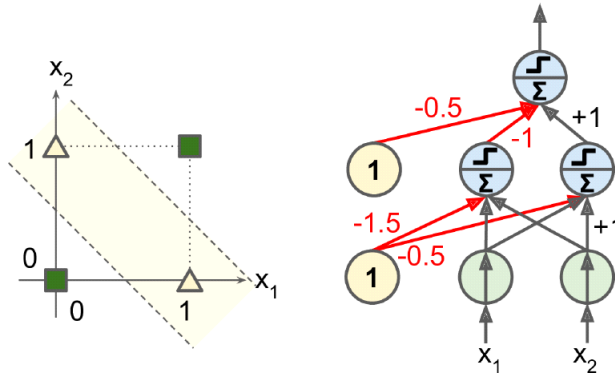
- **헤브의 규칙(Hebb's rule):** “서로 활성화되는 세포는 서로 연결이 강화됨” 즉, 두 뉴런이 동일한 출력을 낼 때마다 그들 사이의 연결 가중치가 증가함.
- 퍼셉트론에 한 번에 한 개의 샘플이 주입되면 각 샘플에 대한 예측이 만들어 짐.
 - ✓ 이때, 잘못된 예측을 하는 모든 출력 뉴런에 대해 올바른 예측을 만들 수 있도록 입력에 연결된 가중치를 갱신함.
- 퍼셉트론에 학습 규칙(가중치 업데이트)

$$w_{ij}^{(\text{next update})} = w_{ij} + \eta(y_j - \hat{y}_j)x_i$$

- ✓ w_{ij} 는 i 번째 입력 뉴런과 j 번째 출력 뉴런 사이를 연결하는 가중치.
- ✓ x_i 는 현재 훈련 샘플의 i 번째 뉴런의 입력값.
- ✓ \hat{y}_j 는 현재 훈련 샘플의 j 번째 출력 뉴런의 출력값.
- ✓ y_j 는 현재 훈련 샘플의 j 번째 출력 뉴런의 타깃값.
- ✓ η 는 학습률.

퍼셉트론의 약점

- 간단한 배타적 논리합(XOR) 분류 문제를 풀 수 없음. (1969: M. Minsky, S. Papert)

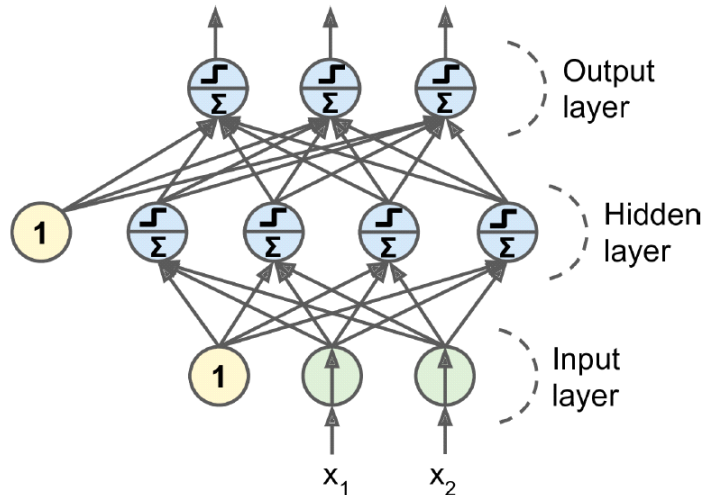


❖ 신경망 모델

[다층 퍼셉트론]

- 여러 퍼셉트론을 쌓아올려 일부 제약을 줄일 수 있음. 이런 인공 신경망을 다층 퍼셉트론(Multi-Layer Perceptron, MLP)이라고 함.

- 다층 퍼셉트론은 (통과) 입력층 하나와 은닉층(hidden layer)이라 불리는 하나 이상의 TLU 층과 마지막 층인 출력층(output layer)으로 구성되어 있음.
- 출력층을 제외하고 모든 층은 편향 뉴런을 포함하며 다음 층과 완전히 연결되어 있음(fully connected neural network).
- 인공 신경망의 은닉층 2개 이상일 때, 이를 심층신경망(DNN, Deep Neural Network)이라고 함.



활성화 함수

- 입력층 이후 신경망의 층은 TLU 기반의 퍼셉트론으로서 입력의 가중치 합 $z = w^T x$ 을 계산하고, 그 계산된 값에 계단함수(step function)를 적용하여 그 결과 $h_w(x) = \text{step}(z)$ 를 출력함.
- 위의 계단함수를 활성화 함수(activation function)라 하며 비선형 함수임.
- 보다 효율적이고 널리 쓰이는 활성화 함수는 다음과 같음.
 - ◆ 로지스틱 함수(logistic function) 또는 시그모이드 함수(sigmoid function):

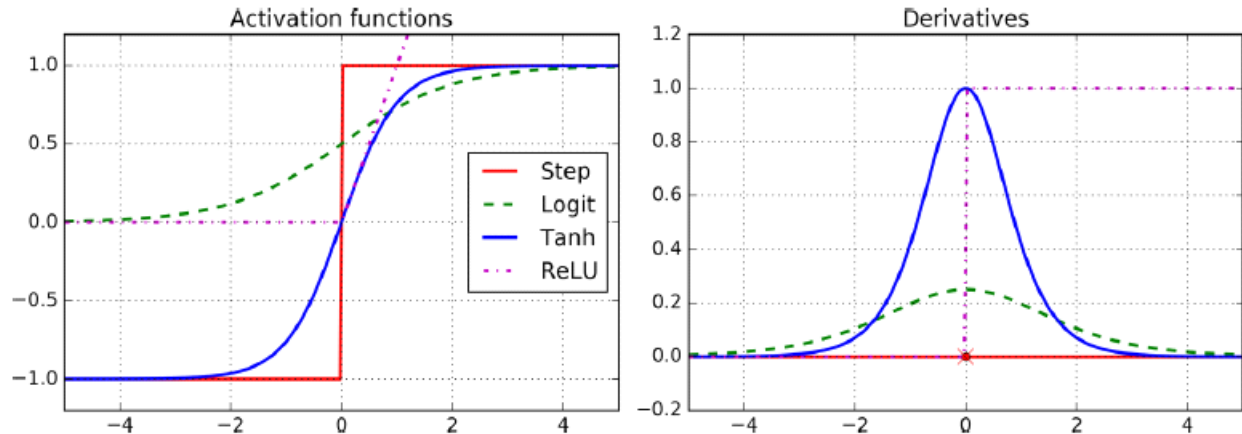
$$\sigma(z) = \frac{1}{1 + e^{-z}}$$

- ◆ 쌍곡 탄젠트 함수(hyperbolic tangent function):

$$\sigma_1(z) = \tanh(z) = \frac{e^z - e^{-z}}{e^z + e^{-z}} = 2\sigma(2z) - 1$$

♦ ReLU 함수 (Rectified Linear Unit):

$$\sigma_2(z) = \text{ReLU}(z) = \max(0, z)$$

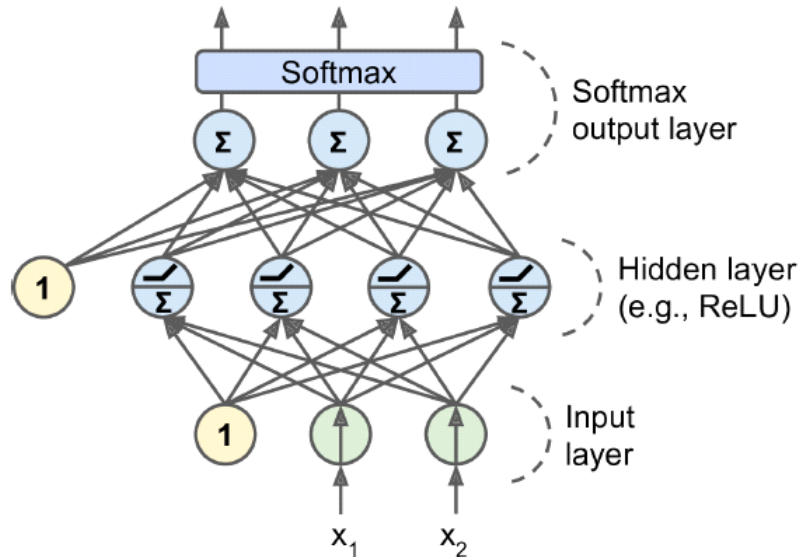


- 다층 퍼셉트론은 각 출력이 서로 다른 이진 클래스에 대응되는 분류 문제에 자주 사용됨.
- 클래스가 배타적일 때는 전형적으로 출력층의 활성화 함수를 소프트맥스(softmax) 함수로 바꿔줌. 이때 각 뉴런의 출력은 각각에 대응되는 클래스의 추정확률임.
- **소프트맥스 함수:**

$$\hat{p}_k = \sigma(s(x))_k := \frac{\exp(s_k(x))}{\sum_{j=1}^K \exp(s_j(x))}$$

- ✓ $s(x)$ 는 샘플 x 에 대한 각 클래스의 점수를 담고 있는 벡터임.
- ✓ $\sigma(s(x))_k$ 는 샘플 x 에 대한 각 클래스의 점수가 주어졌을 때의 이 샘플이 클래스 k 에 속할 추정 확률임.

- 이러한 알고리즘은 입력에서 출력으로 한 방향으로만 흐르기 때문에 피드포워드 신경망 (feed forward network, FNN)이라고 함.
- 다음 그림은 분류에 사용되는 (ReLU와 소프트맥스를 포함한) 현대적 다층 퍼셉트론임.



[신경망의 매개변수]

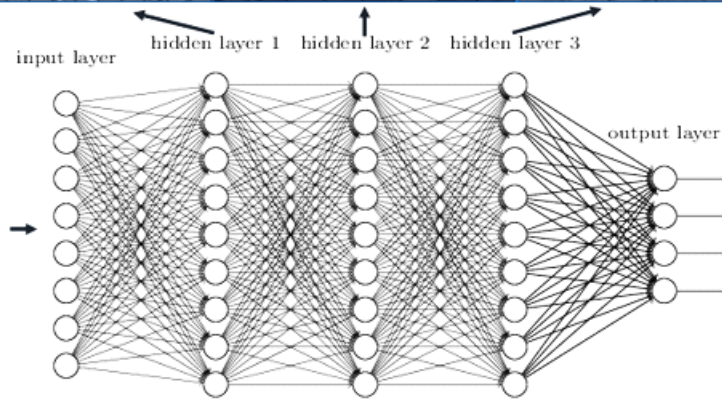
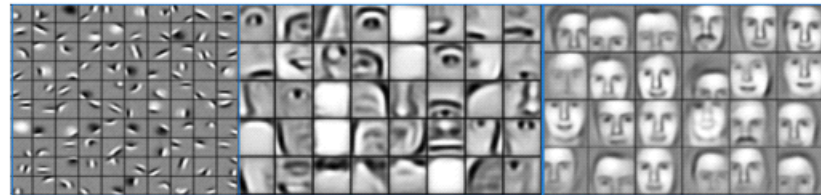
- 신경망의 유연성은 매개변수(하이퍼파라미터)의 자유도에 의존됨.
 - ✓ 은닉층 수
 - ✓ 각 층의 뉴런의 수
 - ✓ 활성화 함수

은닉층 수

- 거의 모든 문제가 은닉층 수를 적게 잡아도 좋은 결과를 얻을 수 있음.
 - ✓ 은닉층 수가 하나인 다층 퍼셉트론이더라도 뉴런수가 충분하다면 아주 복잡한 함수도 모델링할 수 있음.
- 복잡한 문제의 경우 훈련 세트에 과대 적합이 될 때까지 점진적으로 은닉층을 늘릴 수 있음.
- 많은 은닉층으로 구성된 대규모의 신경망 모델을 딥러닝 모델이라고 함.

- 딥러닝(심층 신경망) 모델은 계층적 구조를 가진 데이터에 효율적임.
 - ✓ 아래쪽 은닉층은 저수준 구조를 모델링하고, 중간 은닉층은 저수준의 구조를 연결하여 중간 수준의 구조를 모델링함. 그리고 가장 위쪽 은닉층은 이런 중간 수준의 구조를 연결하여 고수준의 구조를 모델링함.

Deep neural networks learn hierarchical feature representations



은닉층의 뉴런수

- 입력층과 출력층의 뉴런수는 해당 작업에 필요한 입력과 출력의 형태에 따라 결정 됨.
 - ✓ 예를 들어 MNIST는 $28 \times 28 = 768$ 개의 입력 뉴런과 10개의 출력 뉴런이 필요함.
- 은닉층의 구성 방식은 일반적으로 각 층의 뉴런을 점차적으로 줄여서 깔때기처럼 구성함.

활성화 함수

- 대부분의 경우 은닉층에 ReLU 활성화 함수를 사용함.
 - ✓ 이 함수는 다른 활성화 함수 보다 계산이 조금 더 빠르고, 입력값이 클 때 특정 값에 수렴하지 않으므로 경사 하강법이 평편한 지역에서 심하게 지체되지 않는 장점이 있음.
- 분류 작업의 경우 출력층에서는 소프트맥스 활성화 함수가 일반적으로 효과적임.
- 회귀 작업일 경우 활성화 함수를 사용하지 않음.

❖ 신경망 튜닝

- 예시를 위해 'two_moons' 데이터셋에 분류를 위한 다층 퍼셉트론(MLP)을 구현하는 'MLPClassifier'를 적용하고자함.

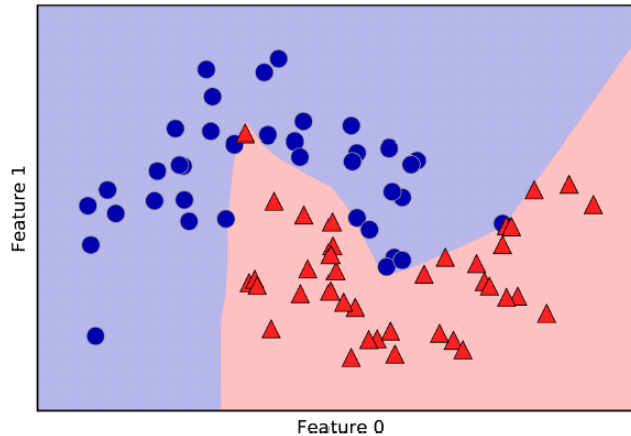
```
from sklearn.neural_network import MLPClassifier
from sklearn.datasets import make_moons

X, y = make_moons(n_samples=100, noise=0.25, random_state=3)

X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(X, y, stratify=y, random_state=42)

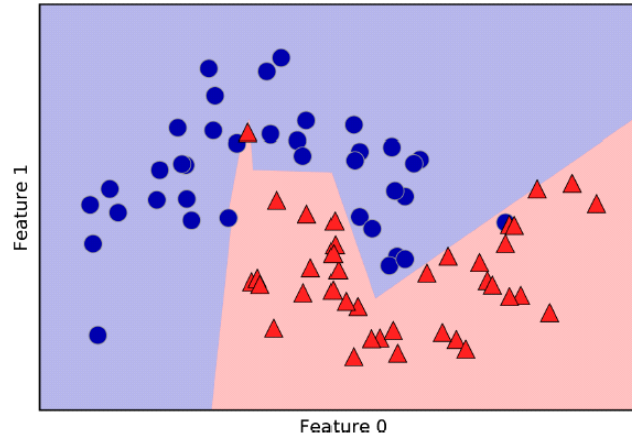
mlp = MLPClassifier(solver='lbfgs', random_state=0).fit(X_train, y_train)
mglearn.plots.plot_2d_separator(mlp, X_train, fill=True, alpha=.3)
mglearn.discrete_scatter(X_train[:, 0], X_train[:, 1], y_train)
plt.xlabel("Feature 0")
plt.ylabel("Feature 1")
```

- ✓ MLP는 기본값으로 은닉층은 1개이며, 은닉 유닛 100개를 사용함.
- ✓ 기본 활성화 함수는 ReLU함수임.



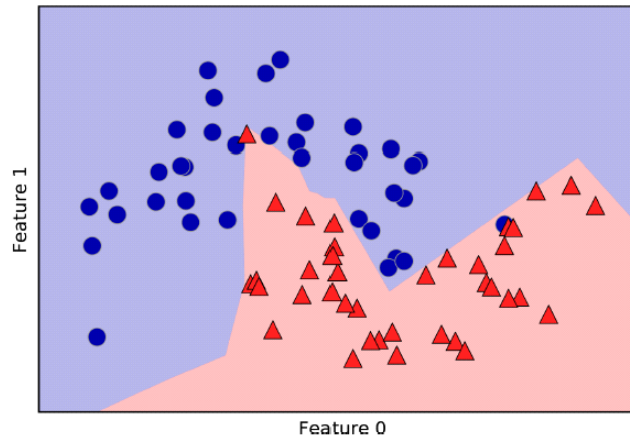
- 다음은 은닉 층 1개와 은닉 유닛의 개수를 10개로 훈련시킨 모델의 결과임.

```
mlp = MLPClassifier(solver='lbfgs', random_state=0, hidden_layer_sizes=[10])  
mlp.fit(X_train, y_train)  
mglearn.plots.plot_2d_separator(mlp, X_train, fill=True, alpha=.3)  
mglearn.discrete_scatter(X_train[:, 0], X_train[:, 1], y_train)  
plt.xlabel("Feature 0")  
plt.ylabel("Feature 1")
```



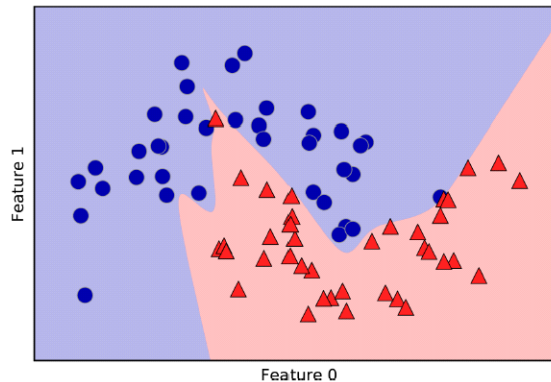
- 다음은 은닉 층 2개와 은닉 유닛의 개수를 10개로 훈련시킨 모델의 결과임.

```
# using two hidden layers, with 10 units each  
mlp = MLPClassifier(solver='lbfgs', random_state=0, hidden_layer_sizes=[10, 10])  
mlp.fit(X_train, y_train)  
mglearn.plots.plot_2d_separator(mlp, X_train, fill=True, alpha=.3)  
mglearn.discrete_scatter(X_train[:, 0], X_train[:, 1], y_train)  
plt.xlabel("Feature 0")  
plt.ylabel("Feature 1")
```



- 다음은 tanh 활성화 함수를 사용하여 은닉 층 2개와 은닉 유닛의 개수를 10개로 훈련시킨 모델의 결과임.

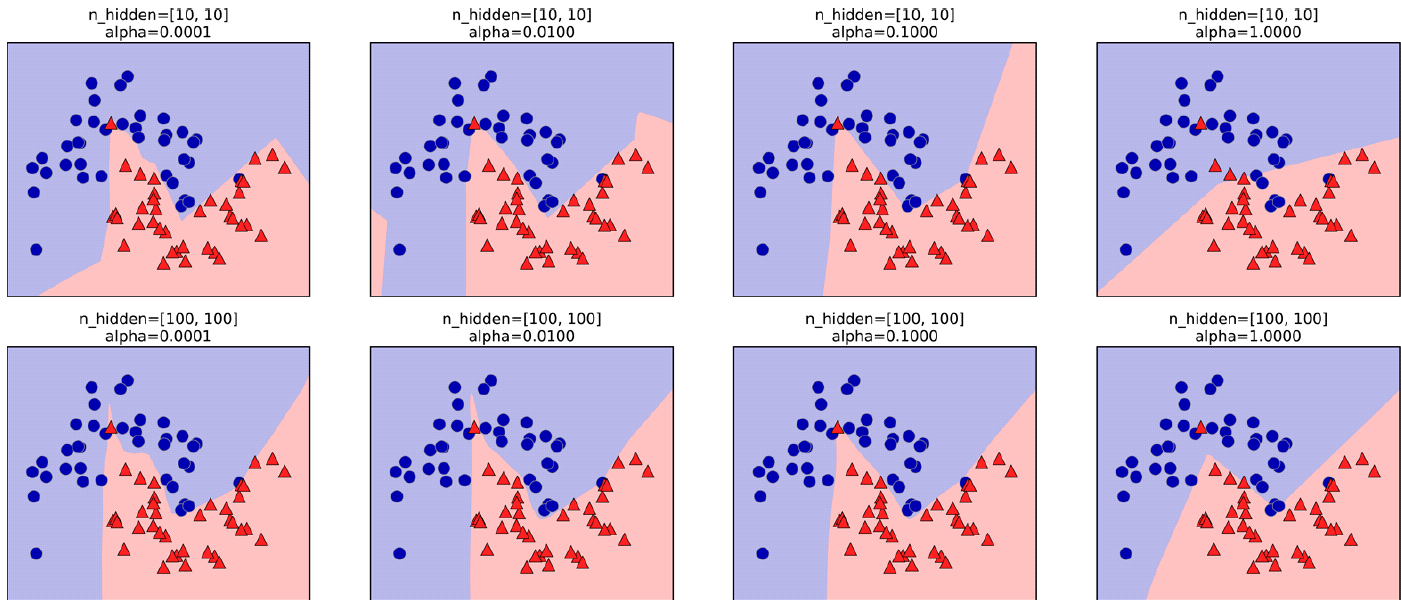
```
# using two hidden layers, with 10 units each, now with tanh nonlinearity  
mlp = MLPClassifier(solver='lbfgs', activation='tanh', random_state=0,  
hidden_layer_sizes=[10, 10])  
mlp.fit(X_train, y_train)  
mglearn.plots.plot_2d_separator(mlp, X_train, fill=True, alpha=.3)  
mglearn.discrete_scatter(X_train[:, 0], X_train[:, 1], y_train)  
plt.xlabel("Feature 0")  
plt.ylabel("Feature 1")
```



[신경망 모델의 복잡도 제어]

- 릿지 회귀와 선형 분류기에서와 같이 L_2 페널티를 사용하여 가중치 벡터의 크기를 규제함으로써 모델의 복잡도를 제어할 수 있음.
 - ✓ ‘MLPClassifier’에서 L_2 페널티를 규제하는 매개변수는 ‘alpha’임. 기본값은 0.0001임.
- 다음은 ‘two_moons’ 데이터셋에 유닛이 각각 10개와 100개인 은닉층 2개를 사용하였을 때 다양한 ‘alpha’ 값이 미치는 영향을 보여줌.

```
fig, axes = plt.subplots(2, 4, figsize=(20, 8))
for axx, n_hidden_nodes in zip(axes, [10, 100]):
    for ax, alpha in zip(axx, [0.0001, 0.01, 0.1, 1]):
        mlp = MLPClassifier(solver='lbfgs', random_state=0,
                             hidden_layer_sizes=[n_hidden_nodes, n_hidden_nodes], alpha=alpha)
        mlp.fit(X_train, y_train)
        mglearn.plots.plot_2d_separator(mlp, X_train, fill=True, alpha=.3, ax=ax)
        mglearn.discrete_scatter(X_train[:, 0], X_train[:, 1], y_train, ax=ax)
        ax.set_title("n_hidden=[{}, {}]\nalpha={:.4f}".format(
            n_hidden_nodes, n_hidden_nodes, alpha))
```

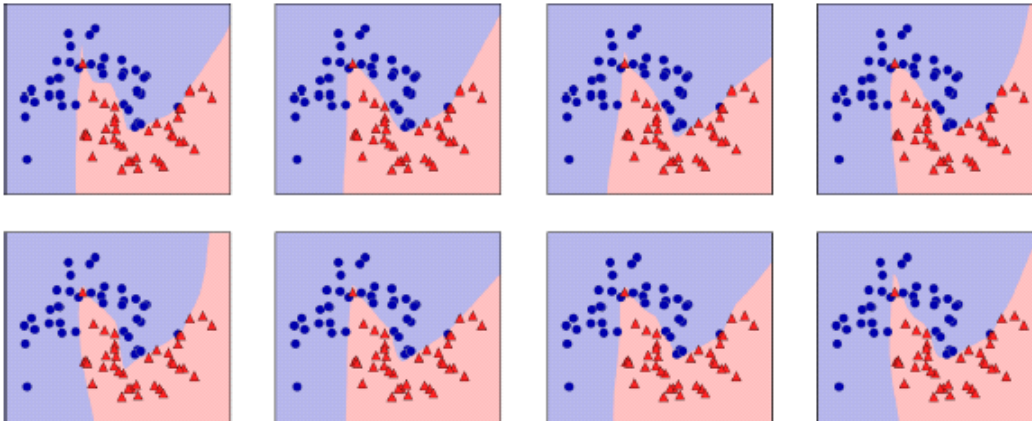


- 신경망의 복잡도를 제어하는 방법:
 - ✓ 은닉층의 수, 은닉층의 유닛 개수, 규제(alpha) 등등.

[가중치의 초기화]

- 신경망은 가중치 초기값을 랜덤하게 취하며, 초기값은 모델의 학습에 영향을 줌.
- 다음은 같은 매개변수를 사용하지만 초기화를 다르게 하여 만든 모델임.

```
fig, axes = plt.subplots(2, 4, figsize=(20, 8))
for i, ax in enumerate(axes.ravel()):
    mlp = MLPClassifier(solver='lbfgs', random_state=i, hidden_layer_sizes=[100, 100])
    mlp.fit(X_train, y_train)
    mglearn.plots.plot_2d_separator(mlp, X_train, fill=True, alpha=.3, ax=ax)
    mglearn.discrete_scatter(X_train[:, 0], X_train[:, 1], y_train, ax=ax)
```



[유방암 데이터셋 예시]

- 다음은 실제 데이터인 유방암 데이터셋에 'MLPClassifier'를 적용하고자 함.

```
print("Cancer data per-feature maxima:\n{}".format(cancer.data.max(axis=0)))
```

Cancer data per-feature maxima:

```
[ 28.11    39.28   188.5   2501.         0.163    0.345    0.427    0.201
   0.304    0.097    2.873    4.885   21.98   542.2    0.031    0.135
   0.396    0.053    0.079    0.03   36.04   49.54   251.2   4254.
   0.223    1.058    1.252    0.291    0.664    0.207]
```

```
X_train, X_test, y_train, y_test = train_test_split(cancer.data, cancer.target, random_state=0)
```

```
mlp = MLPClassifier(random_state=42)
```

```
mlp.fit(X_train, y_train)
```

```
print("Accuracy on training set: {:.2f}".format(mlp.score(X_train, y_train)))
```

```
print("Accuracy on test set: {:.2f}".format(mlp.score(X_test, y_test)))
```

Accuracy on training set: 0.92

Accuracy on test set: 0.90

- ✓ 신경망도 SVC와 같이 데이터의 스케일이 정확도에 영향을 미침.
- 다음은 모든 입력 특성을 평균 0, 분산 1로 변환한 데이터셋으로 신경망 모델을 훈련한 결과임.
- ✓ 'StandardScaler' 표준화 등 여러 기법이 있음.

```
# compute the mean value per feature on the training set
mean_on_train = X_train.mean(axis=0)
# compute the standard deviation of each feature on the training set
std_on_train = X_train.std(axis=0)

# subtract the mean, and scale by inverse standard deviation
# afterward, mean=0 and std=1
X_train_scaled = (X_train - mean_on_train) / std_on_train
# use THE SAME transformation (using training mean and std) on the test set
X_test_scaled = (X_test - mean_on_train) / std_on_train
```

```
mlp = MLPClassifier(random_state=0)
mlp.fit(X_train_scaled, y_train)

print("Accuracy on training set: {:.3f}".format(mlp.score(X_train_scaled, y_train)))
print("Accuracy on test set: {:.3f}".format(mlp.score(X_test_scaled, y_test)))
```

Accuracy on training set: 0.991

Accuracy on test set: 0.965

ConvergenceWarning:

Stochastic Optimizer: Maximum iterations reached and the optimization
hasn't converged yet.

- ✓ 'MLPClassifier' 모델은 Adam(Adaptive Moment Estimation) 경사하강 알고리즘을 사용하며, max_iter의 기본값은 200임.

- 다음은 반복 횟수를 늘려 훈련 세트와 테스트 세트의 성능을 올린 예시임.

```
mlp = MLPClassifier(max_iter=1000, random_state=0)
mlp.fit(X_train_scaled, y_train)

print("Accuracy on training set: {:.3f}".format( mlp.score(X_train_scaled, y_train)))
print("Accuracy on test set: {:.3f}".format(mlp.score(X_test_scaled, y_test)))
```

Accuracy on training set: 0.993

Accuracy on test set: 0.972

- 일반화의 성능을 올리기 위해 모델의 복잡도를 낮추기.

✓ 매개변수 'alpha'를 0.0001에서 1로 증가시킴.

```
mlp = MLPClassifier(max_iter=1000, alpha=1, random_state=0)
mlp.fit(X_train_scaled, y_train)

print("Accuracy on training set: {:.3f}".format( mlp.score(X_train_scaled, y_train)))
print("Accuracy on test set: {:.3f}".format(mlp.score(X_test_scaled, y_test)))
```

Accuracy on training set: 0.993

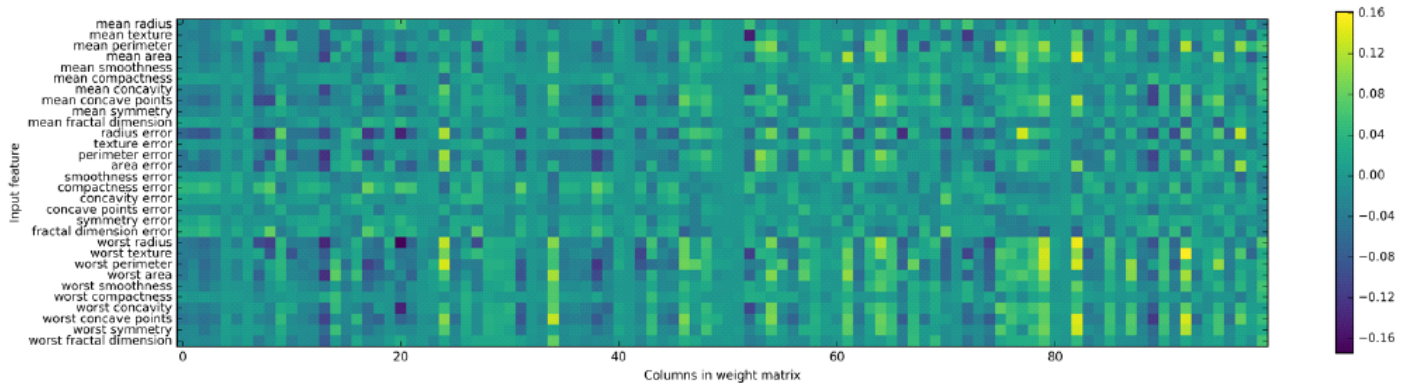
Accuracy on test set: 0.972

[모델의 가중치 관찰]

- 신경망의 학습 분석은 선형 모델이나 트리 모델보다 명확하지 않음.
- 모델의 가중치를 확인하면 신경망의 학습을 간접적으로 분석할 수 있음.
- 다음은 유방암 데이터셋으로 신경망을 학습시킨 모델의 가중치를 시각화한 것임.

```
plt.figure(figsize=(20, 5))
plt.imshow(mlp.coefs_[0], interpolation='none', cmap='viridis')
plt.yticks(range(30), cancer.feature_names)
plt.xlabel("Columns in weight matrix")
plt.ylabel("Input feature")
plt.colorbar()
```

- ✓ 아래 그림에서 30개의 입력 특성이 행으로 표시되고 100개의 은닉 유닛이 열로 표시됨.
- ✓ 여기서는 1개의 은닉층만이 사용됨.



- ✓ 모든 은닉 유닛에서 가장 작은 가중치를 가진 특성은 모델에 덜 중요하다고 추론할 수 있음.
- ✓ 위의 행렬 그림에서 “smoothness error”와 “fractal dimension error” 사이에 있는 특성과 “mean smoothness”와 “mean compactness”가 다른 특성들 보다 가중치가 낮음.
- ‘MLPClassifier’와 ‘MLPRegressor’는 일반적인 신경망을 제공하지만 보다 복잡하고 대규모의 모델 (CNN, RNN 등)을 만들려면 전문적인 딥러닝 라이브러리를 활용해야 함.
 - ✓ 파이썬 기반의 라이브러리는 keras, lasagna, tensorflow 등이 널리 사용됨.

❖ 장단점과 매개변수

- 대량의 데이터에 내재된 정보를 얻을 수 있으며, 매우 복잡한 모델을 만들 수 있음.
- 충분한 연산 시간과 데이터를 주고 매개변수를 세심하게 조정하면, 신경망 모델은 다른 머신러닝 알고리즘보다 아주 우수한 성능을 낼 수 있음.
- 신경망은 종종 학습이 오래 걸림
- 데이터 전처리를 한 후 학습시켜야함.
 - ✓ 특성들의 스케일이 비슷해야 좋은 성능을 냄.
- 신경망 매개변수 튜닝은 매우 세심하게 이루어져야함.

❖ 신경망의 복잡도 추정

- 신경망에서 가장 중요한 매개변수는 은닉층의 개수와 은닉층의 유닛수임.
 - ✓ 처음에는 한 개 또는 두 개의 은닉층으로 시작하여 점차 늘려감.
 - ✓ 각 은닉층의 유닛 수는 보통 입력 특성의 수와 비슷하게 설정함.

- 신경망 모델의 복잡도는 학습된 가중치(계수)의 개수로 측정할 수 있음.
- 특성 100개와 은닉 유닛 100개를 가진 이진 분류기의 경우:
 - ✓ 입력층과 첫 번째 은닉층 사이에는 편향을 포함해 $100 \times 100 + 100 = 10,100$ 개의 가중치가 있음.
 - ✓ 은닉층과 출력층 사이에는 101개의 가중치가 있음.
 - ✓ 따라서 이 경우 총 10,201개의 가중치가 있음
 - ✓ 은닉층을 하나 추가하면, 20,301개의 가중치가 있음.
- 특성 100개와 은닉 유닛 1000개를 가진 이진 분류기의 경우:
 - ✓ 가중치가 총 1,103,001개로 늘어남.
- 신경망의 매개변수를 조정하는 일반적인 방법은 먼저 충분히 큰 과대적합 모델을 만들고, 그 다음 훈련 데이터가 충분히 학습되었을 때, 신경망 구조를 줄이거나 규제를 강화하여 일반화 성능을 향상시킴.