Reducción dimensional, clustering y visualización interactiva con looking4clusters: aplicación al análisis de expresión de célula única



Ángela Villaverde-Ramiro (Servicio de Bioinformática, Nucleus, Universidad de Salamanca)

David Barrios (Servicio de Bioinformática, Nucleus, Universidad de Salamanca)

Carlos Prieto (Servicio de Bioinformática, Nucleus, Universidad de Salamanca)



Los estudios de **Single Cell** consisten en la secuenciación del ARN de cada célula de manera individual.

Aplicaciones:

- ✓ Identificación de tipos celulares.
- ✓ Determinación de la etapa celular.
- Resistencia a medicamentos.
- ✓ Diferenciación de células cancerígenas.
- **√** ...









Uno de los retos en los estudios de Single Cell es la **clasificación**, objetivo de esta herramienta. Son necesarios dos tipos de técnicas:

Reducción de dimensiones

• Representación bidimensional de los datos.

Métodos de clustering

 Visualización de los posibles agrupamientos no supervisados.







Otros ámbitos de aplicación:

- Marketing: Patrones de consumo
- Medicina: Evaluación de pacientes
- Política: Intención de voto
- Biología: Caracterización de especies
- Sociología: Estratificación de población
- •



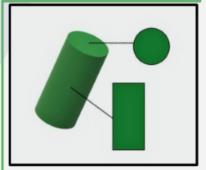




Datos

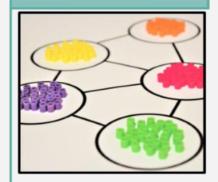


Reducción de Dimensiones



- PCA
- t-SNE
- MDS
- UMAP
- NMF

Técnicas de Cluster



- k-means
- PAM
- Jerárquico

Visualización



- D3
- JavaScript
- SVG

Usuario

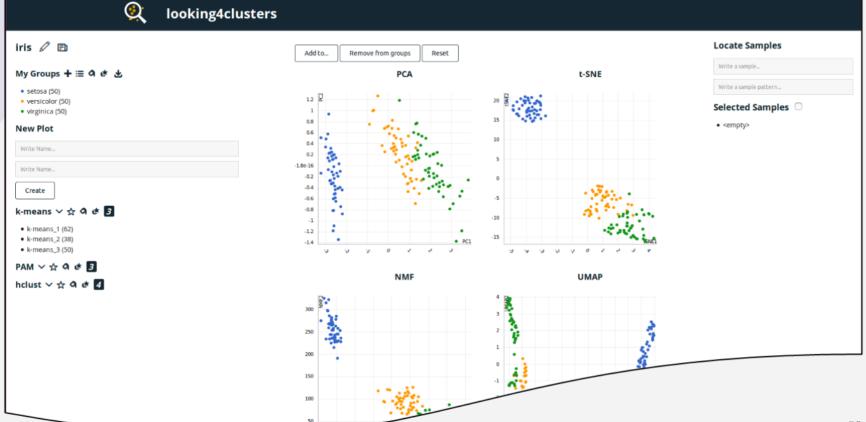








library(looking4clusters)
getClusters(iris[,1:4], groups=iris[,5], directory="iris")









Servicio de Bioinformática:

Responsable: Carlos Prieto

Técnico en desarrollo de aplicaciones: David Barrios

Técnico en análisis de datos: Ángela Villaverde

Contacto: angelavr@usal.es

¡ GRACIAS POR SU ATENCIÓN!











