

## Ejercicios de estimadores del núcleo de la función de densidad

<ul><li>Asignatura</li></ul>	Métodos Avanzados en Estadística
@ Correo	gloria.valle@estudiante.uam.es
<b></b> □ Día	@November 15, 2021
	Gloria del Valle Cano
▼ Tema	Tema 2

## **Ejercicio 6**

Sea  $X_1,...,X_n$  v.a.i.i.d de una distribución con densidad f. Se considera el estimador del núcleo  $\hat{f}$  con núcleo rectangular  $\mathcal{K}(x)=\mathbb{I}_{[-1/2,1/2]}(x)$  y parámetro de suavizado h.

(a) Calcula el sesgo y varianza de  $\hat{f}$ , para un valor de x fijo.

Teniendo que el estimador se puede expresar como:

$$\hat{f}(x) = rac{1}{nh} \sum_{i=1}^n \mathcal{K}igg(rac{x-X_i}{h}igg),$$

donde h>0 y  $\mathcal{K}\geq 0, \int \mathcal{K}=1$ .

Y que el kernel  ${\mathcal K}$  se puede expresar también como:

$$\mathcal{K}igg(rac{x-y}{h}igg) = \left\{egin{array}{ccc} 1 & si & -rac{1}{2} \leq rac{x-y}{h} \leq rac{1}{2} \ 0 & otherwise. \end{array}
ight.$$

Lo que es lo mismo que decir que:

$$\mathcal{K}\!\left(rac{x-y}{h}
ight) = \left\{egin{array}{ccc} 1 & si & -rac{h}{2} + x \leq y \leq rac{h}{2} + x \ 0 & otherwise. \end{array}
ight.$$

Calculamos por tanto el error (bias) y la varianza del estimador, partiendo de la propia definición:

•  $Bias[\hat{f}(x)] = \mathbb{E}[\hat{f}(x)] - f(x)$  (1)

$$\mathbb{E}[\hat{f}(x)] - f(x) = \mathbb{E}\left[\frac{1}{nh}\sum_{i=1}^{n} \mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right)\right] - f(x)$$

$$= \frac{n}{nh} \mathbb{E}\left[\mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right)\right] - f(x)$$

$$= \frac{1}{h} \int \mathcal{K}\left(\frac{x - y}{h}\right) f(y) dy - f(x)$$

$$(*) = \int_{-\frac{h}{2} + x}^{\frac{h}{2} + x} f(y) dy - f(x)$$

$$= \frac{1}{h} \left(F\left(x + \frac{h}{2}\right) - F\left(x - \frac{h}{2}\right)\right) - f(x)$$

•  $Var[\hat{f}(x)] = \mathbb{E}[\hat{f}(x) - \mathbb{E}[\hat{f}(x)]]^2$  (2)

$$\begin{split} \mathbb{E}[\hat{f}(x) - \mathbb{E}[\hat{f}(x)]]^2 &= \mathbb{E}\left[\frac{1}{nh}\sum_{i=1}^n \mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right) - \mathbb{E}\left(\frac{1}{nh}\sum_{i=1}^n \mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right)\right)\right]^2 \\ \text{(por linealidad de } \mathbb{E}) &= \mathbb{E}\left(\left(\frac{1}{nh}\sum_{i=1}^n \mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right)\right)^2\right) - \mathbb{E}\left(\frac{1}{nh}\sum_{i=1}^n \mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right)\right)^2 \\ (\mathcal{K}^2 &= \mathcal{K}) &= \mathbb{E}\left(\frac{1}{nh}\sum_{i=1}^n \mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right)\right) - \mathbb{E}\left(\frac{1}{nh}\sum_{i=1}^n \mathcal{K}\left(\frac{x - X_i}{h}\right)\right)^2 \\ \text{(1)} &= \frac{1}{nh^2}\bigg(F\Big(x + \frac{h}{2}\Big) - F\Big(x - \frac{h}{2}\Big)\bigg)\bigg(1 - \bigg(F\Big(x + \frac{h}{2}\Big) - F\Big(x - \frac{h}{2}\Big)\bigg)\bigg) \end{split}$$

(b) Demuestra que tanto el sesgo como la varianza tienden a cero si h o 0 y  $nh o \infty$ .

Por propia definición de derivada, aplicando límites llegamos a lo siguiente para el caso del sesgo:

$$egin{aligned} \lim_{h o 0}\left(1
ight) &= \lim_{h o 0}\left(rac{F\left(x+rac{h}{2}
ight)-F\left(x-rac{h}{2}
ight)}{h}-f(x)
ight) \ &= \lim_{h o 0}\left(f(x)-f(x)
ight) = 0 \end{aligned}$$

Análogamente se resuelve para el caso de la varianza:

$$\lim_{nh\to\infty} (2) = \lim_{nh\to\infty} \left( \frac{\left( F\left(x + \frac{h}{2}\right) - F\left(x - \frac{h}{2}\right)\right) \left(1 - \left( F\left(x + \frac{h}{2}\right) - F\left(x - \frac{h}{2}\right)\right)\right)}{nh^2} \right)$$

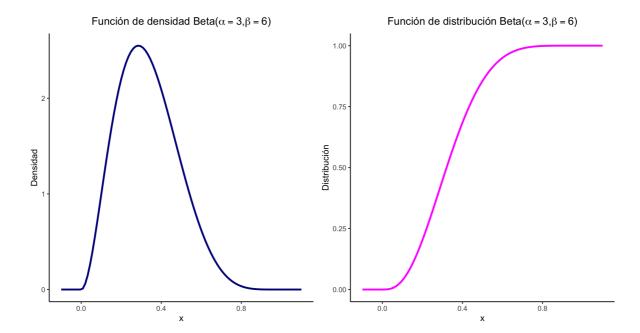
$$= \lim_{nh\to\infty} \left( \frac{1}{nh} f(x) (1 - f(x)) \right) = 0$$

## **Ejercicio 7**

Considera una variable aleatoria con distribución beta de parámetros  $\alpha=3,\beta=6$ .

(a) Representa gráficamente la función de densidad y la función de distribución.

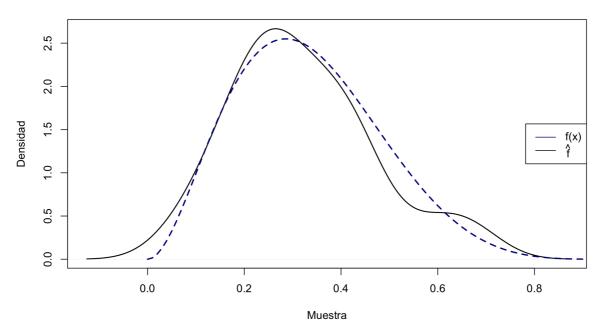
```
alpha <- 3
# Función de densidad
graf1 <- ggplot()+</pre>
  ggtitle(TeX(r'(Función de densidad $Beta(\alpha = 3, \beta = 6)$)')) +
   theme(plot.title = element_text(hjust = 0.5)) +
  geom_function(fun = dbeta, args = list(alpha, beta), size = 1.1, col = 'darkblue') +
   labs(x = 'x', y = 'Densidad')+
  xlim(-0.1, 1.1)+
theme(axis.line = element_line(colour = "black"),
           panel.grid.major = element_blank(),
panel.grid.minor = element_blank(),
           panel.border = element_blank(),
           panel.background = element_blank())
# Función de distribución
graf2 <- ggplot()+
  ggtitle(TeX(r'(Función de distribución $Beta(\alpha = 3, \beta = 6)$)')) +
  ggitte(lex[1 (runction de distribucion) secta(varpha = 3, vbeta = 0.5) ) +
theme(plot.title = element_text(hjust = 0.5)) +
geom_function(fun = pbeta, args = list(alpha, beta), size = 1.1, col = 'magenta') +
labs(x = 'x' , y = 'Distribucion')+
xlim(-0.1, 1.1)+
  theme(axis.line = element_line(colour = "black"),
   panel.grid.major = element_blank(),
   panel.grid.minor = element_blank(),
   panel.border = element_blank(),
           panel.background = element_blank())
graf1+graf2
```

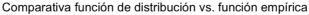


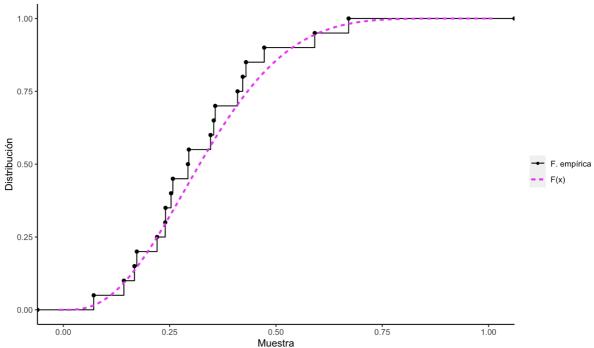
(b) Simula una muestra de tamaño 20 de esta distribución. A continuación representa en los mismos gráficos del apartado (a) las estimaciones de F y f obtenidas respectivamente mediante la función de distribución empírica  $F_n$  y un estimador del núcleo  $\hat{f}$  obtenidos a partir de la muestra simulada.

Se muestran sobre cada función la estimación correspondiente, observando que las estimaciones representan una buena aproximación sobre ambas PDF y CDF.

## Compararativa función de densidad vs. estimador del núcleo







(c) Verifica empíricamente el grado de aproximación alcanzado en las estimaciones de F y f. Para ello, genera 200 muestras de tamaño 20 y para cada una de ellas evalúa el error (medido en la norma del supremo, es decir, el máximo de las diferencias entre las funciones) cometido al aproximar F por  $\hat{f}$ . Por último, calcula el promedio de los 200 errores obtenidos.

Evaluamos la precisión con el test Kolmogorov-Smirnov y así obtenemos los errores cometidos en ambos casos. Obtenemos tras ello el error máximo y el promedio para cada uno de los casos.

```
set.seed(123)
n < 20
m < 200
alpha <- 3
beta <- 6
```

```
error_F1 <- NULL
error_f2 <- NULL

for (i in 1:m){
    muestra <- rbeta(n, alpha, beta)

    ks_F <- ks.test(muestra, "pbeta", alpha, beta)
    error_F1 <- c(error_F1, ks_F$statistic)

    e <- dbeta(muestra, alpha, beta)
    nucleo <- density(muestra, n=20)$y

    ks_f <- ks.test(nucleo, e)
    error_f2 <- c(error_f2, ks_f$statistic)
}

> max(unlist(error_F1))
[1] 0.4049169
> max(unlist(error_F1))
[1] 0.55
> mean(error_F1)
[1] 0.1835117
> mean(error_f2)
[1] 0.50225
```