UNIVERSIDADE ESTADUAL PAULISTA "JÚLIO DE MESQUITA FILHO"

Instituto de Geociências e Ciências Exatas - IGCE Curso de Bacharelado em Ciências da Computação

GABRIEL LUIZ

TRABALHO DE PRÉ-PROCESSAMENTO

Professora: Dra. Adriane Beatriz de Souza Serapião

Rio Claro - SP

2020

1 Introdução

Este trabalho consiste em aplicar o conhecimento de pré-processamento adquirido na disciplina Tópicos: Aprendizado de Máquina, tendo assim como objetivo:

- Escolher um dataset específicos para a tarefa de Pré-Processamento.
- Para o dataset específico, será aplicado regras de pré-processamento para selecionar colunas que possuem algum valor, remover dados que são nulos, completar dados que estão faltantes, normalizar o dataset como um todo.
- Podem ser usadas a técnicas de média ou moda para preencher espaços vazios
- No final deve ser aplicado algum tipo de visualização de dados para realizar uma análise dos dados propostos.

2 Desenvolvimento

Para o desenvolvimento das atividades inicialmente foi escolhido uma base de dados. A base a ser utilizada corresponde a dados de *pacientes* que estão confirmados com o vírus covid-19 (corona vírus).

2.1 Pré-processamento e Visualização

Na base há dados categóricos e temporais, na base em questão alguns atributos numéricos foram removidos e outros foram discretizados, também foram gerados valores float para as datas que representam cada dia em questão.

2.2 Atributos

Os atributos utilizados do dataset foram idade, sexo, data de sintomas, data de entrada no hospital, data de confirmação do virus.

O primeiro passo no pre-processamento dos dados é remover registros vazios que não possuiam alguma informação e irá atrapalhar o resultado obtido utilizando a biblioteca pandas.

2.3 Idade

Após a remoção dos valores em branco o atributo idade, é realizado uma validação de algumas idades que são reais ou seja entre 1 e 99 ou então informações em branco (NaN) são mantidas, outros valores como "4000" é removido devido a não representar nenhuma idade válida.

Depois desse processo, os valores não numericos são preenchidos com a moda da idade.

Os dados foram discretizados utilizando 3 possíveis valores, dentre eles 0 para crianças com menos de 15 anos, 1 para adultos entre 15 e 64 anos e 2 para idosos com mais de 64 anos.

2.4 Sexo

Para o sexo foi é uma normalização dos dados onde possuiam 5 possíveis valores, Female, female, Male, male, NaN, os valores que começam com a primeira letra em

maiusculo devem ser alterados para ser todos minusculos.

Os valores que estão vazios devem ser preenchidos com a moda dos valores para melhor visualização dos dados.

Após este processamento deve ser discretizado os dados com 0 para male e 1 para female

2.5 Datas

As três possíveis datas do dataset selecionado serão processadas da mesma maneira, as datas estão em sua maioria no formato dd.mm.YYYY, algumas estão com o dia e o mes trocado, outras estão com informações por extenso como "final de dezembro" sem uma data especifica.

As datas que possuem informações por extensos foram removidas do dataset para nao haver informações inconsistentes dentre os dados, as datas que possuiam o mes e o dia trocadas, foram alteradas para não serem descartadas de maneira desnecessária, visto que é possível indentificar essas datas.

Após a normalização das datas, foi gerado um valor numerico que representa cada data, e os valores faltantes foram preenchidos com a média destes valores númericos representativos

2.6 Visualização dos Dados

É gerado sobre os dados a descrição deles com todos os valores utilizados para se gerar um blox-pot.

Para visualizar os dados utilizando da biblioteca seaborn, e matplotlib, foram confrontados todos os dados e valores, gerando diversos graficos, alguns podem ser uteis na visualização das informações como entrada do hospital confrontando o inicio dos sintomas ou com a data de confirmação confrontando a entrada no hospital é possível ver a linearidade dos dados, e de que a maioria das pessoas sentem os sintomas e depois são confirmados com a doença.

Também é gerado um gráfico utilizando também da biblioteca seaborn para visualizar por exemplo que a maior quantidade de pessoas infectadas com o corona são adultos, e alguns idosos, com a minoria sendo crianças. Também é possível visualizar que a maioria das pessoas indentificadas são homens.

preprocess

March 18, 2020

1 0. Introdução

Trabalho Pré-Processamento:

Aluno: Gabriel Luiz

Disciplina: Tópico em Aprendizado de Máquina

Objetivos:

- Selecionar uma base de dados com dados faltantes
- Executar etapas do pré-processamento:
- Limpeza
- Transformação
- Discretização
- Aplicar algum tipo de visualização dos dados

1.1 0.1 Dependências

Para realização da tarefa foram utilizados as seguintes bibliotecas:

```
[2]: from datetime import datetime import pandas as pd import seaborn as sns from sklearn import preprocessing import matplotlib.pyplot as plt from sex import SEX
```

2 1. Dados

Para realização das tarefas envolvidas no pré-processamento utilizou-se o arquivo COVID19_open_line_list.csv contém dados de pesoas que foram infectadas com o virus e sua localização

O objetivo da pesquisa foi estudar qual a relação das pessoas que possuem corona virus com suas informações pessoais. As informações coletadas incluíam idade, sexo (masculino = 0, feminino = 1), data inicio sintomas, data entrada no hospital e data de confirmação da doença.

2.1 1.1 Informações sobre os dados:

Atributos:

- Idade: Idade (0 Jovens até 15 anos, 1 Adultos entre 15 e 64 anos , 2 Idosos acima de adultos)
- Sexo: Sexo (0 masculino / 1 feminino)
- Inicio Sintomas: Data de inicio do sintomas
- Entrada Hospital: Data de entrada do hospital
- Confirmação do virus

Classe:

• Trips: Viagens

2.2 1.2 Carregamento do arquivo

```
[3]: arq_corona = './dataset/COVID19_open_line_list.csv'
[4]: # Carregando os dados apenas com as colunas desejadas
    corona = pd.read_csv(
        arq_corona,
        usecols=['ID', 'age', 'sex', 'date_onset_symptoms', _
     )
    corona.columns = ['id', 'idade', 'sexo', 'inicio_sintomas', 'entrada_hospital', _
     [5]: corona.head()
[5]:
        id idade
                   sexo inicio_sintomas entrada_hospital data_confirmacao
    0
       1.0
             30
                   male
                             18.01.2020
                                             20.01.2020
                                                             22.01.2020
                                                             23.01.2020
       2.0
             47
                             10.01.2020
                                             21.01.2020
    1
                   male
    2
       3.0
             49
                             15.01.2020
                                             20.01.2020
                                                             23.01.2020
                   male
    3 4.0
             47
                 female
                             17.01.2020
                                             20.01.2020
                                                             23.01.2020
    4 5.0
                             10.01.2020
                                             21.01.2020
                                                             23.01.2020
             50
                 female
[6]: corona.describe()
[6]:
                    id
    count
          13173.000000
            6769.250436
    mean
```

```
      std
      3920.886020

      min
      1.000000

      25%
      3351.000000

      50%
      6865.000000

      75%
      10180.000000

      max
      13479.000000
```

3 2. Aplicação de algoritmos

Problemas idenficados:

- 1. Dados faltantes representados por "NaN" ou em branco
- 2. Dados fora de uma normalização

```
[7]: # # Exibindo os dados de cada coluna separadamente # ser\_aggCol=corona.aggregate(lambda x: [x.tolist()], axis=0).map(lambda x:x[0]) # print('ser\_aggCol (collapse each column to a list)', ser\_aggCol, sep='\n', \under \n')
```

3.1 2.1 Removendo registros vazios

```
[8]: corona = corona.drop(corona[pd.isna(corona.id)].index)
```

3.2 2.2 Processando a coluna referente ao sexo

3.3 2.3 Processando a idade

```
[11]: # Removendo idades invalidas e add a media nos valores nulos

validAgeValues = []
for age in corona.idade:
    if pd.isna(age):
```

```
validAgeValues.append(age)

if not pd.isna(age) and not "-" in str(age) and not "." in str(age) and O⊔

Int(age) < 99:

validAgeValues.append(age)

corona = corona[corona['idade'].isin(validAgeValues)]

corona.idade = corona.idade.fillna(corona.idade.mode()[0])

corona.idade.unique()

[11]: array(['30', '47', '49', '50', '33', '42', '59', '39', '38', '45', '37',

'32', '18', '56', '44', '65', '21', '41', '70', '43', '31', '24',

'40', '66', '36', '10', '63', '78', '76', '48', '62', '46', '34',

'72', '20', '54', '2', '29', '61', '51', '80', '69', '28', '55',

'68', '57', '35', '27', '52', '22', '23', '88', '19', '60', '58',

'53', '25', '26', '64', '11', '77', '75', '94', '81', '17', '8', '9',

'12', '83', '84', '1', '77', '87', '96'], dtype=object)
```

```
[12]: for i, row in corona.iterrows():
    if int(row.idade) < 15:
        # jovens
        ifor_val = "0"
    if 15 <= int(row.idade) <= 64:
        # adultos
        ifor_val = "1"
    if 64 < int(row.idade) < 100:
        # idosos
        ifor_val = "2"
        corona.at[i,'idade'] = ifor_val</pre>
```

```
[13]: corona.idade.unique()
```

```
[13]: array(['1', '2', '0'], dtype=object)
```

3.4 2.3 Processando as datas

3.5 2.3.1 Processando a data de inicio dos sintomas

```
[14]: validDates = []
for i, row in corona.iterrows():
    if pd.isna(row.inicio_sintomas):
        validDates.append(row.inicio_sintomas)
    if len(str(row.inicio_sintomas)) == 10:
        parsedDate = row.inicio_sintomas.split('.')
        if int(parsedDate[1]) > 12:
```

```
formatedDate = parsedDate[2] + '-' + parsedDate[0] + '-' +

       →parsedDate[1]
              else:
                  formatedDate = parsedDate[2] + '-' + parsedDate[1] + '-' +

       →parsedDate[0]
              date = datetime.strptime(formatedDate, "%Y-%m-%d")
              corona.at[i,'inicio_sintomas'] = date.timestamp()
              validDates.append(date.timestamp())
      corona = corona[corona['inicio_sintomas'].isin(validDates)]
      corona.inicio_sintomas = corona.inicio_sintomas.fillna(corona.inicio_sintomas.
       \rightarrowmean())
      corona.inicio_sintomas.unique()
[14]: array([1.57931640e+09, 1.57862520e+09, 1.57905720e+09, 1.57923000e+09,
             1.57999603e+09, 1.57957560e+09, 1.57940280e+09, 1.57966200e+09,
             1.57845240e+09, 1.57897080e+09, 1.57853880e+09, 1.57914360e+09,
             1.57948920e+09, 1.57810680e+09, 1.57802040e+09, 1.57784760e+09,
```

1.57793400e+09, 1.57888440e+09, 1.57974840e+09, 1.57758840e+09, 1.57871160e+09, 1.57879800e+09, 1.57983480e+09, 1.57819320e+09, 1.57992120e+09, 1.58000760e+09, 1.58009400e+09, 1.58018040e+09,

1.58035320e+09, 1.58026680e+09, 1.58052600e+09, 1.58043960e+09, 1.58061240e+09, 1.58078520e+09, 1.58069880e+09, 1.58104440e+09, 1.58087160e+09, 1.58095800e+09, 1.58130360e+09, 1.58113080e+09, 1.58164920e+09, 1.58139000e+09, 1.58147640e+09, 1.58121720e+09, 1.58182200e+09, 1.58216760e+09, 1.58156280e+09, 1.58199480e+09, 1.58190840e+09, 1.58251320e+09, 1.58259960e+09, 1.58242680e+09])

3.6 2.3.1 Processando a data de entrada no hospital

1.58130360e+09, 1.58173560e+09, 1.58190840e+09, 1.58156280e+09, 1.58121720e+09, 1.58182200e+09, 1.58208120e+09, 1.58225400e+09, 1.58234040e+09, 1.58199480e+09, 1.58242680e+09, 1.58251320e+09, 1.58259960e+09, 1.58268600e+09, 1.58277240e+09, 1.58216760e+09])

3.7 2.3.1 Processando a data de confirmação do virus

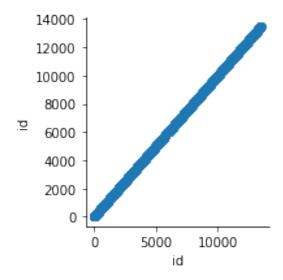
```
[16]: validDates = []
      for i, row in corona.iterrows():
          if pd.isna(row.data_confirmacao):
              validDates.append(row.data_confirmacao)
          if len(str(row.data confirmacao)) == 10:
              parsedDate = row.data_confirmacao.split('.')
              if int(parsedDate[1]) > 12:
                  formatedDate = parsedDate[2] + '-' + parsedDate[0] + '-' +
       →parsedDate[1]
              else:
                  formatedDate = parsedDate[2] + '-' + parsedDate[1] + '-' +
       →parsedDate[0]
              date = datetime.strptime(formatedDate, "%Y-%m-%d")
              corona.at[i,'data confirmacao'] = date.timestamp()
              validDates.append(date.timestamp())
      corona = corona[corona['data_confirmacao'].isin(validDates)]
      corona.data_confirmacao = corona.data_confirmacao.fillna(corona.
      →data_confirmacao.mean())
      corona.data_confirmacao.unique()
```

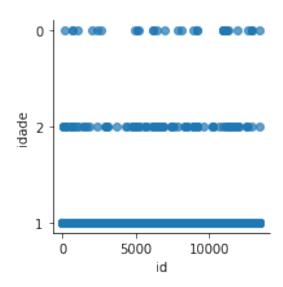
```
[16]: array([1.57966200e+09, 1.57974840e+09, 1.57983480e+09, 1.57992120e+09, 1.58000760e+09, 1.58009400e+09, 1.57957560e+09, 1.58093446e+09,
```

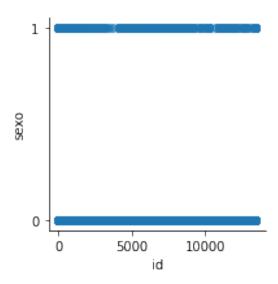
```
1.57940280e+09, 1.57948920e+09, 1.57905720e+09, 1.57879800e+09,
             1.57923000e+09, 1.58018040e+09, 1.58026680e+09, 1.58035320e+09,
             1.58043960e+09, 1.58052600e+09, 1.58061240e+09, 1.58069880e+09,
             1.58078520e+09, 1.58087160e+09, 1.58095800e+09, 1.58104440e+09,
             1.58113080e+09, 1.58139000e+09, 1.58147640e+09, 1.58156280e+09,
             1.58164920e+09, 1.58173560e+09, 1.58182200e+09, 1.58121720e+09,
             1.58130360e+09, 1.58190840e+09, 1.58199480e+09, 1.58208120e+09,
             1.58216760e+09, 1.58225400e+09, 1.58234040e+09, 1.58242680e+09,
             1.58268600e+09, 1.58251320e+09, 1.58259960e+09, 1.58277240e+09,
             1.58285880e+09, 1.58294520e+09])
[17]: scaler = preprocessing.StandardScaler()
      data_scaler = scaler.fit_transform(X = corona, y = corona)
[18]: data_scaler
[18]: array([[-1.71538996e+00, -6.57092214e-02, -1.96417914e-01,
             -4.27646790e+00, -4.58269348e+00, -1.56397784e+00],
             [-1.71513408e+00, -6.57092214e-02, -1.96417914e-01,
             -8.62573066e+00, -4.09085543e+00, -1.45778372e+00],
             [-1.71487820e+00, -6.57092214e-02, -1.96417914e-01,
             -5.90744143e+00, -4.58269348e+00, -1.45778372e+00],
             [ 1.72795199e+00, -6.57092214e-02, 5.09118533e+00,
             -1.50020985e-12, 0.00000000e+00, 2.36520465e+00],
             [ 1.73306954e+00, -6.57092214e-02, 5.09118533e+00,
             -1.50020985e-12, 0.00000000e+00, 2.36520465e+00],
             [ 1.73332542e+00, -6.57092214e-02, 5.09118533e+00,
             -1.50020985e-12, 0.00000000e+00, 2.47139877e+00]])
```

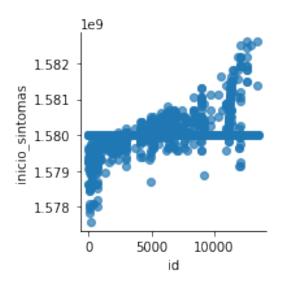
4 3. Visualização

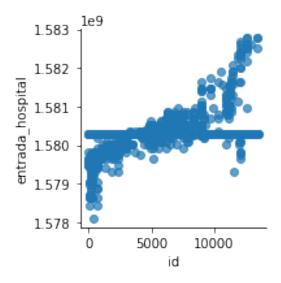
```
[19]: for atributo1 in corona.columns:
    for atributo2 in corona.columns:
        g = sns.FacetGrid(corona, margin_titles=True)
        g.map(plt.scatter, atributo1, atributo2, alpha=.7)
        g.add_legend()
        plt.show()
```

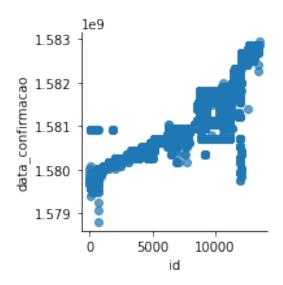


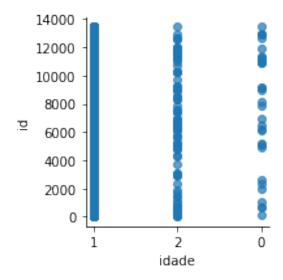


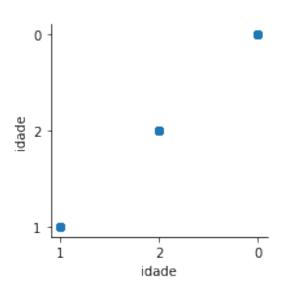


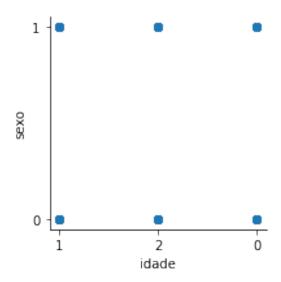


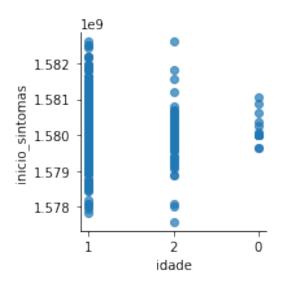


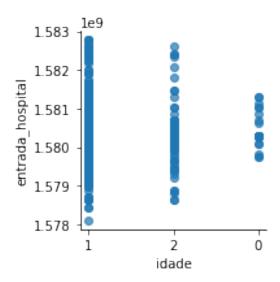


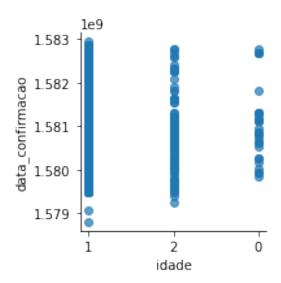


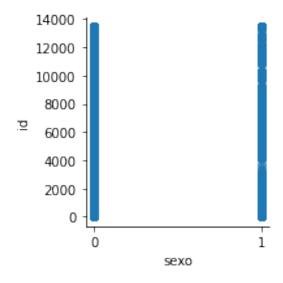


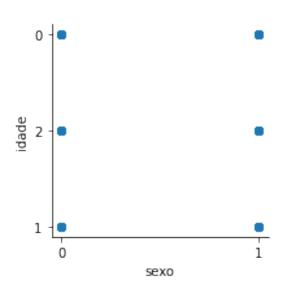


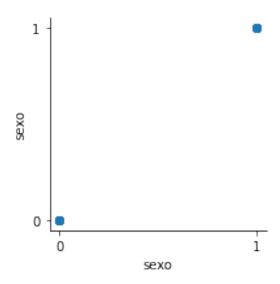


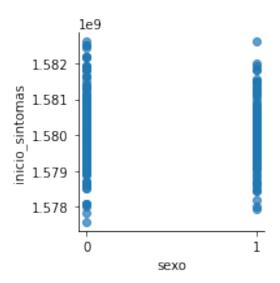


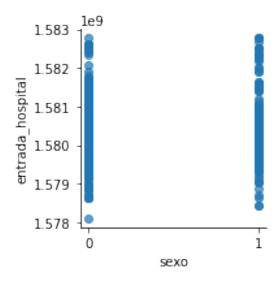


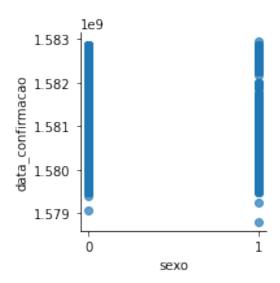


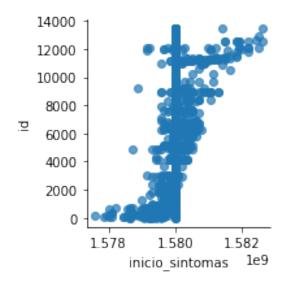


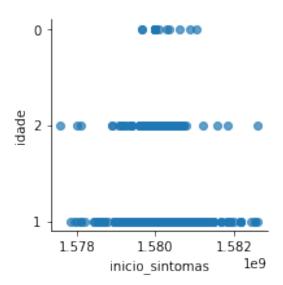


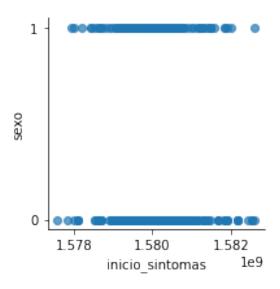


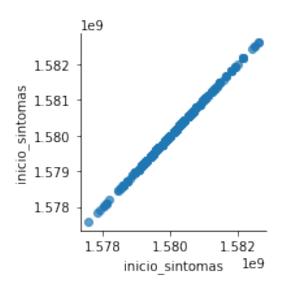


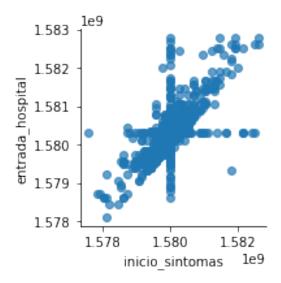


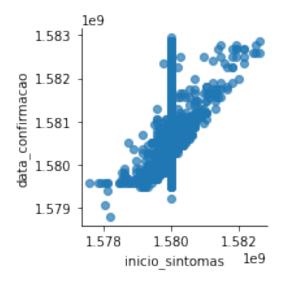


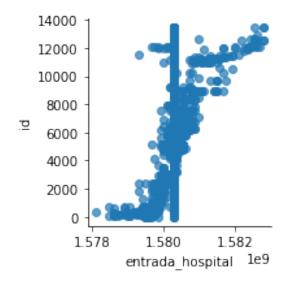


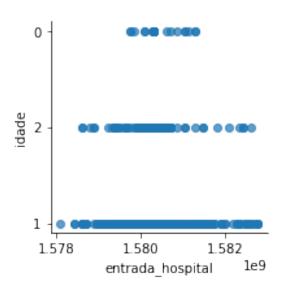


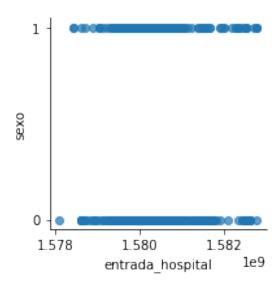


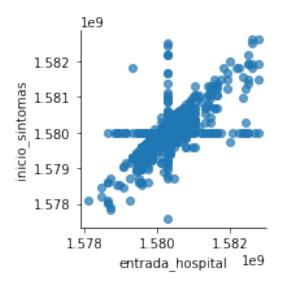


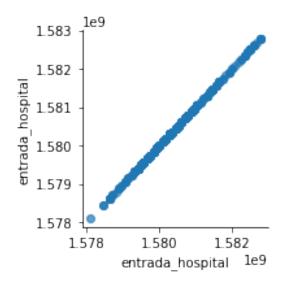


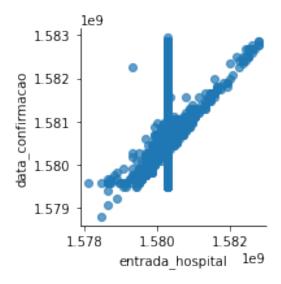


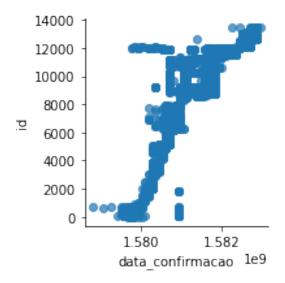


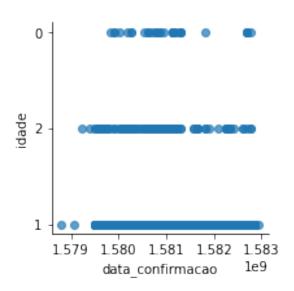


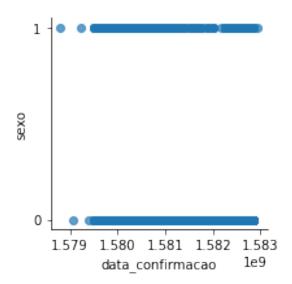


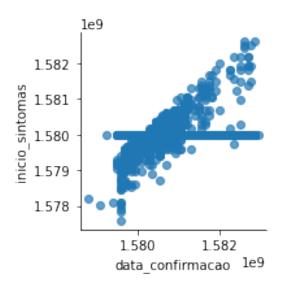


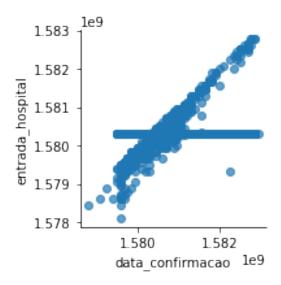


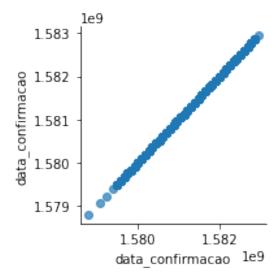






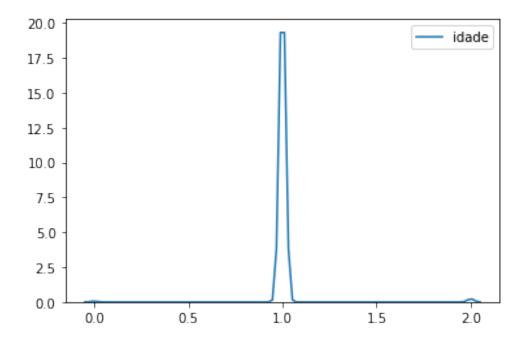






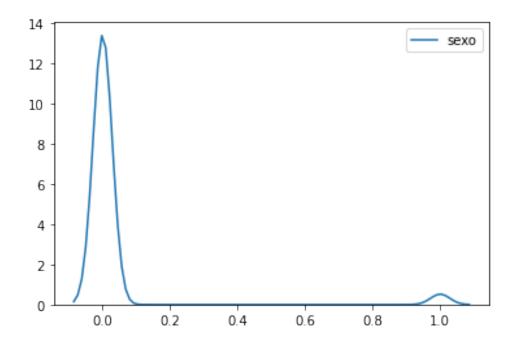
[20]: sns.kdeplot(corona.idade)

[20]: <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x7f933f2101d0>



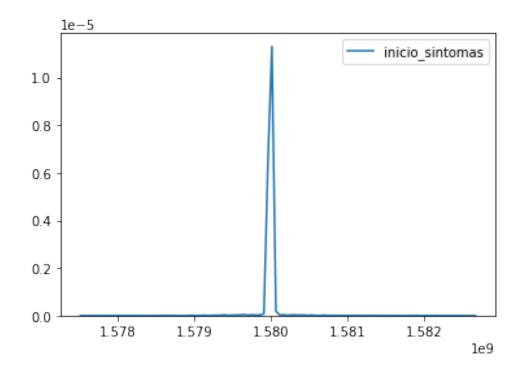
[21]: sns.kdeplot(corona.sexo)

[21]: <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x7f933c7d4e80>



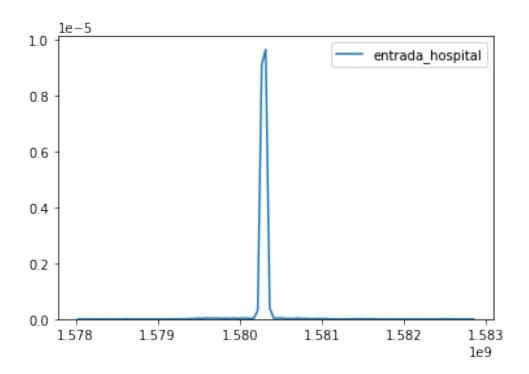
[22]: sns.kdeplot(corona.inicio_sintomas)

[22]: <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x7f933effd208>



[23]: sns.kdeplot(corona.entrada_hospital)

[23]: <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x7f933f172588>



[24]: sns.kdeplot(corona.data_confirmacao)

[24]: <matplotlib.axes._subplots.AxesSubplot at 0x7f933c73a6a0>

