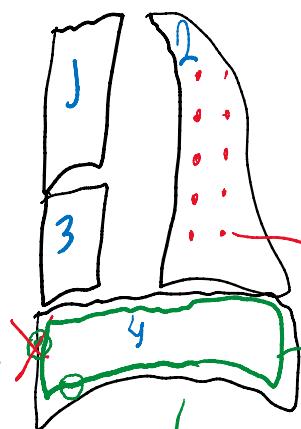


Aplicações

quinta-feira, 3 de dezembro de 2020

07:47

Gerador de amostras



Talhões florestais

amostragem sistemática

região permitida para amostragem

Etapas:

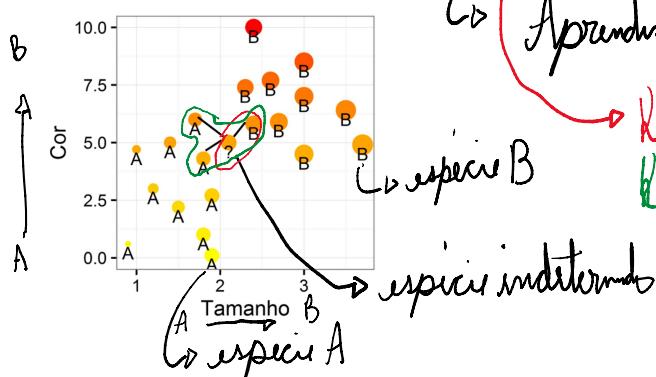
100 ha $\Rightarrow 100 / 1,5 \Rightarrow 67$ parcelas
1,5 intensidade (amostras)

- (1) Importar a feição espacial \rightarrow determinar a quantidade de amostras
- (2) Criar região permitida para amostras (buffer) \rightarrow loop (while) \rightarrow enquanto quantidade de amostras for diferente dos números estabelecidos (67)
- (3) Lançar amostras
- (4) Avaliar a quantidade \rightarrow Não está OK \rightarrow OK
- (5) Exportar amostras

Lançar parcela
while ($n_{\text{gerado}} \neq n_{\text{park}}$) {
 lançar parcela}

Aplicações

quinta-feira, 3 de dezembro de 2020 08:38

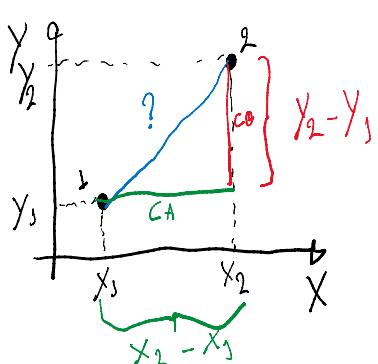
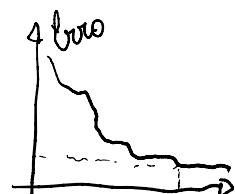


$K=nn \rightarrow K$ vizinhos mais próximos

↳ Aprendizagem de máquina

$K=1 \rightarrow$ Especie B

$K=3 \rightarrow$ Especie A



$$\text{dist}_{1-2}^2 = CA^2 + CB^2$$

$$\text{dist}_{1-2} = \sqrt{(x_2 - x_1)^2 + (y_2 - y_1)^2}$$



↳ Distância Euclidiana

Etapas:

↳ características de indivíduos com espécies conhecidas

- ① Importar dados de referência
↳ pode ser mais de um indivíduo
- ② Características de indivíduo de espécie desconhecida
↳ pode importar do Excel.
- ③ Estabelecer o número de vizinhos (K) para avaliação
- ④ Computar distâncias entre o desconhecido e os conhecidos
↳ considerar características, como tamanho e cor
- ⑤ Ordenar dados de referência pela distância
- ⑥ Filtrar apenas os K vizinhos mais próximos (KNN)
- ⑦ Contabilizar a frequência de espécies dos K vizinhos
- ⑧ Identificar a espécie com maior frequência dos K vizinhos
- ⑨ Salvar o resultado em um arquivo
- ⑩ Imprimir na tela o resultado
↳ identificações/classificações da espécie do indivíduo antes desconhecido.