Computação Evolutiva

Aula 10 – Estratégias Evolutivas (Parte II) Prof. Paulo Salgado

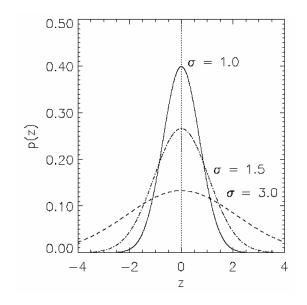
Roteiro

- Estratégias Evolutivas
 - Representação
 - Mutação
 - · Processo de mutação



Relembrando

- Como visto na aula passada, as Estratégias Evolutivas (EE) são baseadas na ideia de perturbações gaussianas
 - · O desvio padrão dá o passo da mutação



Representação

- · Os cromossomos consistem em três partes
 - Variáveis Objeto (Reais)

$$X_1, X_2, ..., X_n$$

- · Parâmetros da Estratégia
 - . Passo da Mutação: $\sigma_1, \sigma_2, ..., \sigma_{n_{\sigma}}$
 - . Ângulos de Rotação $a_1, a_2, ..., a_{n_\alpha}$
- não necessariamente todos os componentes existem!
- · Tamanho total: $\langle x_1,...,x_n, \sigma_1,...,\sigma_n,\alpha_1,...,\alpha_k \rangle$
- Onde $\mathbf{k} = \mathbf{n}(\mathbf{n}-\mathbf{1})/2$ (no. dos pares i,j)

Mutação

- Principal mecanismo nas EE
 - Modificação dos valores pela adição aleatória de ruído guiado por uma distribuição normal
 - $\cdot x'_i = x_i + N(0,\sigma)$
- Ideia Chave:
 - σ e parte do cromossomo $\langle x_1,...,x_n,\sigma \rangle$
 - σ tambem é mutacionado em σ'
- Portanto: o passo da mutação σ está coevoluindo com a solução X

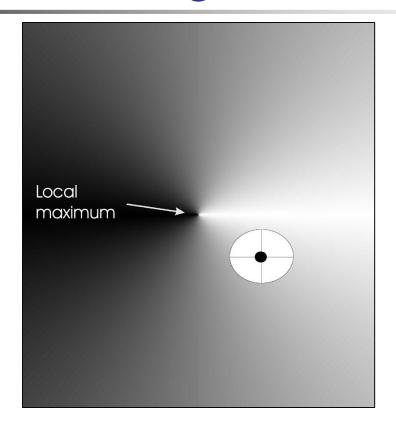
Mutacione σ Primeiro

- Efeito do processo de mutação:
 - $(x, \sigma) \rightarrow (x', \sigma')$
- A ordem é importante!
 - Primeiro: $\sigma \rightarrow \sigma'$
 - Entao: $x -> x' = x + N(0, \sigma')$
- · A avaliação é feita em dois processos
 - Primeiro: x' é bom se f(x') é bom
 - Segundo: σ' é bom se o x' criado é bom
- Se a ordem é trocada, muito provavelmente o processo não funciona
 - OBS: O passo de mutação pode se ajustar de acordo com estratégia (espaço, tempo, fitness landscape) de busca

Mutação – Caso 1: Mutação não correlacionada com um σ

- Cromossomos: $(x_1,...,x_n, \sigma)$
- $\cdot \sigma' = \sigma \cdot \exp(\tau \cdot N(0,1))$
- $\cdot x'_i = x_i + \sigma' \cdot N(0,1)$
 - Um passo simples por indivíduo calculado pelo produto do passo de mutação por uma distribuição lognormal
 - O passo de mutação é o mesmo em todas as direções
- Tipicamente, Taxa de Aprendizagem $\tau \propto 1/n^{1/2}$
- Regra de atualização: $\sigma' < \epsilon_0 \Rightarrow \sigma' = \epsilon_0$ para evitar passos muito pequenos

Mutantes com igual verossimilhanca

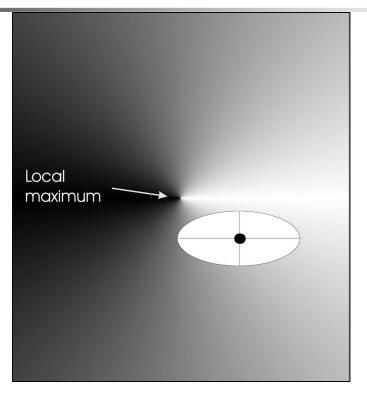


Círculo: todos os mutantes têm a mesma probabilidade de serem criados

Mutação – Caso 2: Mutação não correlacionada com \mathbf{n} σ_i

- · Cromossomos: $(x_1,...,x_n, \sigma_1,..., \sigma_n)$
- $\boldsymbol{\cdot} \, \boldsymbol{\sigma}'_{i} = \boldsymbol{\sigma}_{i} \boldsymbol{\cdot} \exp(\boldsymbol{\tau}' \boldsymbol{\cdot} N(0,1) + \boldsymbol{\tau} \boldsymbol{\cdot} N_{i}(0,1))$
- $\cdot \mathbf{x'_i} = \mathbf{x_i} + \mathbf{\sigma'_i} \cdot \mathbf{N_i} (0,1)$
- Duas Taxas de Aprendizagem
 - τ' taxa de aprendizagem global (o mesmo p/os indivíduo, gerando uma mudança global da mutabilidade)
 - τ taxa de aprendizagem de ajuste fino (permite estratégias em diferentes direções)
- $\tau' \propto 1/(2 \text{ n})^{1/2} \text{ e } \tau \propto 1/(2 \text{ n}^{1/2})^{1/2}$
- E $\sigma_i' < \varepsilon_0 \Rightarrow \sigma_i' = \varepsilon_0$

Mutantes com igual verossimilhança



Elipse: Mutantes têm as mesmas chances de serem criados.

Mutação – Caso 3: Mutação Correlacionada

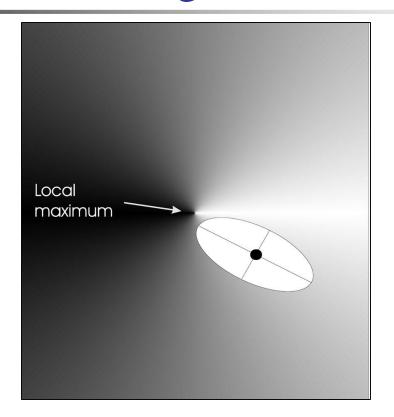
- Cromossomos: $(x_1,...,x_n, \sigma_1,..., \sigma_n, \alpha_1,..., \alpha_k)$
 - Onde $k = n \cdot (n-1)/2$
 - · A matriz de covariância C e definida como:
 - $c_{ii} = \sigma_{i}^2$
 - \cdot $c_{ij} = 0$, se i e j não são correlacionados
 - $c_{ij} = \frac{1}{2} \cdot (\sigma_i^2 \sigma_j^2) \cdot \tan(2\alpha_{ij})$, se i e j forem correlacionados

Mutação – Caso 3: Mutação Correlacionada

- O mecanismo de mutação e:
 - $\boldsymbol{\cdot} \ \boldsymbol{\sigma}'_{i} = \boldsymbol{\sigma}_{i} \boldsymbol{\cdot} \exp(\boldsymbol{\tau}' \ \boldsymbol{\cdot} N(0,1) + \boldsymbol{\tau} \ \boldsymbol{\cdot} N_{i} \ (0,1))$
 - $\alpha'_i = \alpha_i + \beta \cdot N(0,1)$
 - x' = x + N(0,C')
 - $\cdot \mathbf{X}$ é o vetor $(x_1,...,x_n)$
 - \cdot C' e a matriz de covariância apos a mutação dos valores de α
 - $\tau \propto 1/(2 \text{ n})^{1/2} \text{ e } \tau \propto 1/(2 \text{ n}^{1/2})^{1/2} \text{ e } \beta \approx 5^{\circ}$
 - $o_i' < \varepsilon_0 \Rightarrow o_i' = \varepsilon_0$, e
 - $|\alpha'_{j}| > \pi \Rightarrow \alpha'_{j} = \alpha'_{j} 2 \pi \operatorname{sign}(\alpha'_{j})$

Desta forma, a mutação corresponde a hiperelipsoides arbitrariamente rotacionáveis e α_k caracterizam os ângulos de rotação em relação aos eixos de coordenadas.

Mutantes com Igual verossimilhança



Elipse: Mutantes têm as mesmas chances de serem criados.