

GO Terms Classification Count Results

ata submitted

honda (rhondae@taylorshellfish.com)

ta: [Raw | Processed]
ication Methods: GO_slim

g Methods: single

Done: December 14, 2016 (Wednesday, 10:23:44 AM, CST)

nal Notes: n/a

OYSTER 14 (29C oysters Day 8)

counts:

Below is the mapping of your **5545** GO terms to **127** of the "GO_slim" ancestor terms by single count. Refer to FAQ for hints on possible interpretation of the results and/or to further improve your analysis.

Schematic View G0:0003824 G0:0008152 G0:0005575 G0:0005523 G0:0005623 G0:0005624 G0:0005624 G0:000674 G0:000674 Fractions by percentage (%) GO Class ID	Definitions	Counts	Fractions
GO:0003674	molecular_function	533	14.79%
GO:0008150	biological_process	458	12.71%
GO:0003824	catalytic activity	376	10.44%
GO:0008152	metabolism	277	7.69%
GO:0005575	cellular_component	178	4.94%
GO:0005623	cell	155	4.30%
GO:0005622	intracellular	139	3.86%
GO:0016740	transferase activity	109	3.03%
GO:0009058	biosynthesis	108	3.00%
GO:0006139	nucleobase, nucleoside, nucleotide and nucleic acid metabolism	105	2.91%
GO:0016787	hydrolase activity	101	2.80%

GO:0005488	binding	89	2.47%
GO:0016043	cell organization and biogenesis	83	2.30%
GO:0005737	cytoplasm	71	1.97%
GO:0019538	protein metabolism	61	1.69%
GO:0006996	organelle organization and biogenesis	54	1.50%
GO:0009056	catabolism	43	1.19%
GO:0006810	transport	41	1.14%
GO:0005215	transporter activity	36	1.00%
GO:0007010	cytoskeleton organization and biogenesis	28	0.78%
GO:0006412	protein biosynthesis	25	0.69%
GO:0006464	protein modification	25	0.69%
GO:0016301	kinase activity	25	0.69%
GO:0008233	peptidase activity	23	0.64%
GO:0003676	nucleic acid binding	23	0.64%
GO:0005856	cytoskeleton	22	0.61%
GO:0005975	carbohydrate metabolism	21	0.58%
GO:0005634	nucleus	20	0.56%
GO:0030234	enzyme regulator activity	19	0.53%
GO:0007154	cell communication	18	0.50%
GO:0007165	signal transduction	16	0.44%
GO:0003723	RNA binding	16	0.44%
GO:0005739	mitochondrion	14	0.39%
GO:0006629	lipid metabolism	13	0.36%
GO:0006259	DNA metabolism	13	0.36%
GO:0006950	response to stress	13	0.36%

GO:0000166	nucleotide binding	12	0.33%
GO:0004672	protein kinase activity	9	0.25%
GO:0006091	generation of precursor metabolites and energy	9	0.25%
GO:0005886	plasma membrane	9	0.25%
GO:0004872	receptor activity	9	0.25%
GO:0005783	endoplasmic reticulum	9	0.25%
GO:0008289	lipid binding	9	0.25%
GO:0004871	signal transducer activity	8	0.22%
GO:0015031	protein transport	8	0.22%
GO:0005929	cilium	8	0.22%
GO:0006811	ion transport	8	0.22%
GO:0005216	ion channel activity	7	0.19%
GO:0016209	antioxidant activity	7	0.19%
GO:0009653	morphogenesis	7	0.19%
GO:0007049	cell cycle	7	0.19%
GO:0005840	ribosome	6	0.17%
GO:0003677	DNA binding	6	0.17%
GO:0005773	vacuole	6	0.17%
GO:0016023	cytoplasmic membrane-bound vesicle	6	0.17%
GO:0005694	chromosome	6	0.17%
GO:0005794	Golgi apparatus	6	0.17%
GO:0005654	nucleoplasm	5	0.14%
GO:0007005	mitochondrion organization and biogenesis	5	0.14%
GO:0004518	nuclease activity	5	0.14%

GO:0005198	structural molecule activity	5	0.14%
GO:0030154	cell differentiation	5	0.14%
GO:0007275	development	5	0.14%
GO:0005576	extracellular region	4	0.11%
GO:0004721	phosphoprotein phosphatase activity	4	0.11%
GO:0005829	cytosol	4	0.11%
GO:0030246	carbohydrate binding	4	0.11%
GO:0019725	cell homeostasis	3	0.08%
GO:0008135	translation factor activity, nucleic acid binding	3	0.08%
GO:0008219	cell death	3	0.08%
GO:0003774	motor activity	2	0.06%
GO:0009607	response to biotic stimulus	2	0.06%
GO:0000003	reproduction	2	0.06%
GO:0003700	transcription factor activity	2	0.06%
GO:0005768	endosome	2	0.06%
GO:0005635	nuclear membrane	2	0.06%
GO:0005777	peroxisome	2	0.06%
GO:0005578	extracellular matrix (sensu Metazoa)	2	0.06%
GO:0000228	nuclear chromosome	2	0.06%
GO:0007610	behavior	1	0.03%
GO:0009605	response to external stimulus	1	0.03%
GO:0005764	lysosome	1	0.03%
GO:0009719	response to endogenous stimulus	1	0.03%
GO:0019748	secondary metabolism	1	0.03%
GO:0019825	oxygen binding	1	0.03%

GO:0016049	cell growth	1	0.03%
GO:0005326	neurotransmitter transporter activity	1	0.03%
GO:0007267	cell-cell signaling	1	0.03%
GO:0005509	calcium ion binding	1	0.03%
GO:0005615	extracellular space	1	0.03%
GO:0003682	chromatin binding	1	0.03%
GO:0005815	microtubule organizing center	1	0.03%
GO:0016032	viral life cycle	1	0.03%
GO:0008283	cell proliferation	1	0.03%
GO:0040029	regulation of gene expression, epigenetic	1	0.03%
GO:0040007	growth	1	0.03%
Total		3603	100.00%

Sounted Terms

1169 unique terms from your data set are found belonging to at least one of the 96 "GO_slim" classes

```
GO:0000015(5), GO:0000027(3), GO:0000028(3), GO:0000049(4), GO:0000062(2), GO:0000103(2), GO:0000104(2),
GO:0000139(5), GO:0000145(4), GO:0000151(3), GO:0000159(3), GO:0000166(3), GO:0000178(3), GO:0000184(4),
GO:0000220(5), GO:0000221(5), GO:0000226(4), GO:0000228(6), GO:0000244(4), GO:0000245(4), GO:0000256(3),
GO:0000276(5), GO:0000287(2), GO:0000290(4), GO:0000334(2), GO:0000338(4), GO:0000339(4), GO:0000381(3),
GO:0000398(3), GO:0000502(3), GO:0000723(6), GO:0000730(6), GO:0000774(4), GO:0000775(4), GO:0000786(4),
GO:0000813(6), GO:0000902(3), GO:0000989(1), GO:0001522(3), GO:0001539(1), GO:0001558(4), GO:0001671(2),
GO:0001678(2), GO:0001726(2), GO:0001731(6), GO:0001735(2), GO:0001760(2), GO:0002161(3), GO:0003341(1),
GO:0003676(3), GO:0003677(4), GO:0003678(3), GO:0003682(3), GO:0003684(4), GO:0003688(4), GO:0003697(4),
GO:0003700(2), GO:0003707(3), GO:0003712(1), GO:0003713(1), GO:0003723(4), GO:0003724(3), GO:0003727(4),
GO:0003729(4), GO:0003735(2), GO:0003743(5), GO:0003746(5), GO:0003755(2), GO:0003756(2), GO:0003774(4),
GO:0003777(4), GO:0003810(3), GO:0003824(2), GO:0003839(3), GO:0003840(3), GO:0003842(2), GO:0003844(3),
GO:0003857(2), GO:0003860(3), GO:0003867(3), GO:0003868(2), GO:0003872(4), GO:0003873(4), GO:0003875(3),
GO:0003876(3), GO:0003878(3), GO:0003883(2), GO:0003884(2), GO:0003887(3), GO:0003899(3), GO:0003910(2),
GO:0003917(2), GO:0003920(2), GO:0003922(2), GO:0003924(3), GO:0003937(3), GO:0003938(2), GO:0003950(3),
GO:0003951(4), GO:0003958(2), GO:0003964(3), GO:0003968(3), GO:0003972(2), GO:0003978(2), GO:0003980(3),
GO:0003983(3), GO:0003987(2), GO:0003989(2), GO:0003993(3), GO:0003994(2), GO:0003995(2), GO:0003997(2),
GO:0004001(4), GO:0004003(3), GO:0004013(3), GO:0004017(4), GO:0004018(2), GO:0004019(2), GO:0004020(4),
GO:0004034(2), GO:0004037(3), GO:0004038(3), GO:0004045(3), GO:0004064(3), GO:0004066(2), GO:0004069(3),
GO:0004070(3), GO:0004075(2), GO:0004077(2), GO:0004088(2), GO:0004089(2), GO:0004096(3), GO:0004104(3),
GO:0004108(3), GO:0004114(3), GO:0004122(2), GO:0004126(3), GO:0004128(2), GO:0004129(3), GO:0004134(3),
GO:0004135(3), GO:0004139(2), GO:0004143(4), GO:0004148(2), GO:0004149(3), GO:0004174(2), GO:0004176(4),
GO:0004177(4), GO:0004180(4), GO:0004181(4), GO:0004185(4), GO:0004190(4), GO:0004197(4), GO:0004198(4),
GO:0004222(4), GO:0004252(4), GO:0004298(4), GO:0004300(2), GO:0004322(2), GO:0004326(2), GO:0004332(2),
GO:0004333(2), GO:0004334(3), GO:0004335(4), GO:0004336(3), GO:0004345(2), GO:0004347(2), GO:0004350(2),
GO:0004352(2), GO:0004356(2), GO:0004357(2), GO:0004362(3), GO:0004363(2), GO:0004364(3), GO:0004365(2),
GO:0004367(2), GO:0004370(4), GO:0004371(4), GO:0004372(3), GO:0004373(3), GO:0004375(2), GO:0004379(3),
```

```
GO:0004386(3), GO:0004396(4), GO:0004408(2), GO:0004414(3), GO:0004418(3), GO:0004422(3), GO:0004427(3),
GO:0004435(3), GO:0004449(2), GO:0004450(2), GO:0004467(2), GO:0004471(2), GO:0004476(2), GO:0004478(3),
GO:0004488(2), GO:0004489(2), GO:0004491(2), GO:0004494(2), GO:0004497(2), GO:0004499(2), GO:0004505(2),
GO:0004514(3), GO:0004516(3), GO:0004525(4), GO:0004527(4), GO:0004531(4), GO:0004534(4), GO:0004550(4),
GO:0004553(3), GO:0004556(3), GO:0004559(3), GO:0004560(3), GO:0004563(3), GO:0004565(3), GO:0004568(3),
GO:0004571(3), GO:0004576(3), GO:0004579(3), GO:0004588(3), GO:0004590(2), GO:0004591(2), GO:0004601(3),
GO:0004602(3), GO:0004609(2), GO:0004610(2), GO:0004611(2), GO:0004613(2), GO:0004615(2), GO:0004616(2),
GO:0004618(4), GO:0004619(2), GO:0004630(3), GO:0004634(2), GO:0004637(2), GO:0004641(2), GO:0004643(3),
GO:0004644(3), GO:0004645(3), GO:0004647(3), GO:0004648(3), GO:0004656(2), GO:0004672(5), GO:0004674(5),
GO:0004677(5), GO:0004683(5), GO:0004697(5), GO:0004703(5), GO:0004707(6), GO:0004713(5), GO:0004715(5),
GO:0004719(3), GO:0004721(4), GO:0004722(4), GO:0004725(4), GO:0004729(2), GO:0004731(3), GO:0004733(2),
GO:0004735(2), GO:0004736(2), GO:0004739(2), GO:0004742(3), GO:0004743(3), GO:0004748(2), GO:0004749(3),
GO:0004751(2), GO:0004760(3), GO:0004781(3), GO:0004784(3), GO:0004791(3), GO:0004799(3), GO:0004801(3),
GO:0004807(2), GO:0004809(3), GO:0004812(2), GO:0004813(2), GO:0004814(2), GO:0004816(2), GO:0004818(2),
GO:0004819(2), GO:0004820(2), GO:0004821(2), GO:0004822(2), GO:0004823(2), GO:0004824(2), GO:0004825(2),
GO:0004826(2), GO:0004827(2), GO:0004828(2), GO:0004829(2), GO:0004830(2), GO:0004831(2), GO:0004832(2),
GO:0004833(2), GO:0004842(3), GO:0004843(4), GO:0004850(3), GO:0004853(2), GO:0004864(2), GO:0004866(2),
GO:0004867(2), GO:0004869(2), GO:0004871(2), GO:0004872(2), GO:0004887(4), GO:0004930(3), GO:0004970(5),
GO:0005044(2), GO:0005047(2), GO:0005057(2), GO:0005085(1), GO:0005086(1), GO:0005089(1), GO:0005093(2),
GO:0005094(2), GO:0005096(2), GO:0005198(2), GO:0005200(2), GO:0005201(2), GO:0005215(2), GO:0005216(3),
GO:0005230(4), GO:0005234(4), GO:0005245(3), GO:0005262(3), GO:0005313(2), GO:0005319(2), GO:0005324(2),
GO:0005328(3), GO:0005344(2), GO:0005375(2), GO:0005388(4), GO:0005391(4), GO:0005432(2), GO:0005452(2),
GO:0005506(2), GO:0005507(2), GO:0005509(3), GO:0005524(3), GO:0005525(3), GO:0005536(3), GO:0005542(2),
GO:0005543(3), GO:0005544(3), GO:0005545(3), GO:0005576(2), GO:0005578(3), GO:0005581(1), GO:0005604(3),
GO:0005615(3), GO:0005622(3), GO:0005623(2), GO:0005634(4), GO:0005643(5), GO:0005664(6), GO:0005667(3),
GO:0005672(5), GO:0005681(4), GO:0005694(4), GO:0005737(4), GO:0005739(5), GO:0005740(5), GO:0005741(5),
GO:0005743(5), GO:0005750(5), GO:0005751(5), GO:0005758(5), GO:0005759(5), GO:0005763(6), GO:0005764(6),
GO:0005777(5), GO:0005779(5), GO:0005783(5), GO:0005784(5), GO:0005785(5), GO:0005786(4), GO:0005787(5),
GO:0005788(5), GO:0005789(5), GO:0005794(5), GO:0005801(3), GO:0005802(5), GO:0005813(5), GO:0005828(4),
GO:0005829(5), GO:0005834(4), GO:0005838(3), GO:0005839(3), GO:0005840(5), GO:0005846(3), GO:0005849(5),
GO:0005852(4), GO:0005853(4), GO:0005856(4), GO:0005858(5), GO:0005861(5), GO:0005868(4), GO:0005869(4),
GO:0005871(4), GO:0005874(4), GO:0005881(5), GO:0005882(4), GO:0005885(4), GO:0005886(3), GO:0005890(3),
GO:0005891(3), GO:0005901(3), GO:0005921(1), GO:0005925(1), GO:0005929(3), GO:0005930(5), GO:0005942(1),
GO:0005952(3), GO:0005956(3), GO:0005960(4), GO:0005965(4), GO:0005975(3), GO:0005978(5), GO:0005980(5),
GO:0006000(3), GO:0006001(4), GO:0006002(2), GO:0006003(2), GO:0006004(3), GO:0006006(3), GO:0006011(3),
GO:0006012(3), GO:0006013(3), GO:0006024(3), GO:0006030(2), GO:0006032(3), GO:0006040(2), GO:0006069(2),
GO:0006071(3), GO:0006072(2), GO:0006084(2), GO:0006085(3), GO:0006086(3), GO:0006090(2), GO:0006091(3),
GO:0006094(4), GO:0006096(6), GO:0006098(3), GO:0006099(3), GO:0006101(2), GO:0006102(2), GO:0006106(2),
GO:0006108(2), GO:0006122(4), GO:0006139(3), GO:0006144(3), GO:0006147(4), GO:0006163(3), GO:0006164(4),
GO:0006166(4), GO:0006172(4), GO:0006177(4), GO:0006183(4), GO:0006189(4), GO:0006206(3), GO:0006207(4),
GO:0006213(3), GO:0006228(4), GO:0006231(4), GO:0006241(4), GO:0006260(5), GO:0006265(6), GO:0006270(5),
GO:0006281(5), GO:0006302(5), GO:0006303(5), GO:0006310(4), GO:0006325(3), GO:0006334(3), GO:0006338(3),
GO:0006351(4), GO:0006355(4), GO:0006357(4), GO:0006364(3), GO:0006367(4), GO:0006378(3), GO:0006388(3),
GO:0006396(3), GO:0006397(3), GO:0006401(4), GO:0006412(5), GO:0006414(5), GO:0006417(5), GO:0006418(6),
GO:0006419(6), GO:0006420(6), GO:0006421(6), GO:0006424(6), GO:0006425(6), GO:0006426(6), GO:0006427(6),
GO:0006428(6), GO:0006429(6), GO:0006430(6), GO:0006431(6), GO:0006432(6), GO:0006433(6), GO:0006434(6),
GO:0006435(6), GO:0006436(6), GO:0006437(6), GO:0006438(6), GO:0006446(5), GO:0006457(1), GO:0006461(2),
GO:0006464(4), GO:0006465(3), GO:0006471(6), GO:0006479(4), GO:0006486(6), GO:0006487(6), GO:0006491(6),
GO:0006499(5), GO:0006508(3), GO:0006509(3), GO:0006511(4), GO:0006515(4), GO:0006520(2), GO:0006529(3),
GO:0006535(3), GO:0006537(3), GO:0006541(2), GO:0006542(3), GO:0006544(2), GO:0006546(3), GO:0006555(2),
GO:0006556(3), GO:0006559(3), GO:0006561(3), GO:0006563(2), GO:0006564(3), GO:0006567(3), GO:0006568(2),
GO:0006569(3), GO:0006574(3), GO:0006595(2), GO:0006606(3), GO:0006614(4), GO:0006626(6), GO:0006629(3),
GO:0006631(3), GO:0006633(4), GO:0006635(4), GO:0006654(3), GO:0006662(2), GO:0006665(3), GO:0006683(4),
GO:0006689(4), GO:0006691(3), GO:0006730(2), GO:0006741(4), GO:0006744(3), GO:0006749(2), GO:0006750(3),
GO:0006751(3), GO:0006779(3), GO:0006782(3), GO:0006784(3), GO:0006796(2), GO:0006801(2), GO:0006807(2),
GO:0006810(2), GO:0006813(3), GO:0006814(3), GO:0006826(3), GO:0006869(2), GO:0006879(2), GO:0006886(3),
GO:0006887(2), GO:0006888(2), GO:0006890(2), GO:0006891(2), GO:0006893(2), GO:0006895(2), GO:0006897(2),
GO:0006898(2), GO:0006904(2), GO:0006913(2), GO:0006914(1), GO:0006915(2), GO:0006937(1), GO:0006950(2),
GO:0006952(2), GO:0006955(1), GO:0006979(2), GO:0007005(4), GO:0007010(4), GO:0007015(4), GO:0007016(4),
GO:0007017(1), GO:0007018(1), GO:0007021(2), GO:0007023(1), GO:0007030(3), GO:0007031(3), GO:0007033(3),
GO:0007034(2), GO:0007049(2), GO:0007051(5), GO:0007064(4), GO:0007067(4), GO:0007099(5), GO:0007154(2),
GO:0007155(1), GO:0007156(1), GO:0007160(1), GO:0007165(3), GO:0007166(3), GO:0007179(4), GO:0007186(3),
```

```
GO:0007188(3), GO:0007205(3), GO:0007218(3), GO:0007219(3), GO:0007229(3), GO:0007264(3), GO:0007286(3),
GO:0007399(2), GO:0007416(3), GO:0008023(5), GO:0008026(3), GO:0008033(3), GO:0008047(2), GO:0008061(2),
GO:0008080(3), GO:0008081(3), GO:0008091(5), GO:0008094(3), GO:0008097(4), GO:0008131(2), GO:0008137(2),
GO:0008138(4), GO:0008146(3), GO:0008152(2), GO:0008168(3), GO:0008177(2), GO:0008180(4), GO:0008184(3),
GO:0008191(2), GO:0008198(2), GO:0008199(2), GO:0008201(2), GO:0008233(4), GO:0008234(4), GO:0008235(4),
GO:0008236(4), GO:0008237(4), GO:0008239(4), GO:0008241(4), GO:0008250(5), GO:0008253(3), GO:0008270(2),
GO:0008271(2), GO:0008280(4), GO:0008289(3), GO:0008290(4), GO:0008299(4), GO:0008305(3), GO:0008308(3),
GO:0008312(4), GO:0008318(3), GO:0008324(2), GO:0008374(3), GO:0008375(3), GO:0008380(3), GO:0008408(4),
GO:0008410(3), GO:0008430(2), GO:0008442(2), GO:0008446(2), GO:0008452(2), GO:0008453(3), GO:0008474(3),
GO:0008475(2), GO:0008483(3), GO:0008484(3), GO:0008537(3), GO:0008565(2), GO:0008568(3), GO:0008601(2),
GO:0008603(2), GO:0008609(3), GO:0008610(4), GO:0008612(5), GO:0008615(3), GO:0008641(2), GO:0008643(2),
GO:0008652(3), GO:0008654(4), GO:0008705(3), GO:0008750(2), GO:0008757(3), GO:0008810(3), GO:0008812(2),
GO:0008890(3), GO:0008892(3), GO:0008898(3), GO:0008934(3), GO:0009013(2), GO:0009032(3), GO:0009045(2),
GO:0009052(3), GO:0009055(1), GO:0009056(3), GO:0009058(3), GO:0009072(2), GO:0009083(3), GO:0009086(3),
GO:0009113(4), GO:0009116(3), GO:0009117(3), GO:0009156(4), GO:0009159(4), GO:0009165(4), GO:0009166(4),
GO:0009168(4), GO:0009204(4), GO:0009226(4), GO:0009254(2), GO:0009264(4), GO:0009298(4), GO:0009306(3),
GO:0009308(2), GO:0009331(4), GO:0009374(2), GO:0009396(3), GO:0009435(4), GO:0009448(2), GO:0009450(3),
GO:0009607(2), GO:0009966(3), GO:0009982(2), GO:0010038(1), GO:0010181(3), GO:0010309(2), GO:0010457(4),
GO:0010826(5), GO:0010968(4), GO:0010970(1), GO:0015012(3), GO:0015031(3), GO:0015035(2), GO:0015075(2),
GO:0015078(2), GO:0015098(2), GO:0015183(2), GO:0015299(2), GO:0015377(2), GO:0015379(2), GO:0015629(4),
GO:0015630(4), GO:0015910(3), GO:0015930(2), GO:0015934(5), GO:0015935(5), GO:0015986(6), GO:0015991(3),
GO:0015992(3), GO:0015996(3), GO:0016010(3), GO:0016012(3), GO:0016020(1), GO:0016021(1), GO:0016042(4),
GO:0016070(3), GO:0016149(5), GO:0016153(2), GO:0016154(3), GO:0016192(2), GO:0016203(2), GO:0016208(3),
GO:0016226(4), GO:0016272(1), GO:0016282(4), GO:0016301(4), GO:0016307(4), GO:0016428(3), GO:0016442(3),
GO:0016459(4), GO:0016462(3), GO:0016471(5), GO:0016477(1), GO:0016491(2), GO:0016507(5), GO:0016514(4),
GO:0016538(2), GO:0016567(4), GO:0016579(4), GO:0016581(5), GO:0016589(4), GO:0016597(2), GO:0016602(4),
GO:0016607(5), GO:0016614(2), GO:0016616(2), GO:0016620(2), GO:0016624(2), GO:0016627(2), GO:0016639(2),
GO:0016651(2), GO:0016702(2), GO:0016705(2), GO:0016709(2), GO:0016740(3), GO:0016742(3), GO:0016746(3),
GO:0016747(3), GO:0016756(3), GO:0016757(3), GO:0016765(3), GO:0016773(3), GO:0016779(3), GO:0016787(3),
GO:0016788(3), GO:0016791(3), GO:0016805(4), GO:0016810(3), GO:0016812(3), GO:0016820(4), GO:0016829(2),
GO:0016831(2), GO:0016853(2), GO:0016868(2), GO:0016874(2), GO:0016881(2), GO:0016884(2), GO:0016887(3),
GO:0016925(4), GO:0017056(2), GO:0017057(3), GO:0017061(3), GO:0017069(4), GO:0017070(4), GO:0017089(2),
GO:0017119(5), GO:0017154(3), GO:0018024(3), GO:0018149(4), GO:0018160(4), GO:0018193(4), GO:0018342(4),
GO:0018343(4), GO:0018738(3), GO:0019013(1), GO:0019028(1), GO:0019135(2), GO:0019205(4), GO:0019239(2),
GO:0019284(4), GO:0019285(3), GO:0019318(3), GO:0019343(3), GO:0019358(4), GO:0019427(3), GO:0019428(3),
GO:0019441(3), GO:0019464(3), GO:0019509(3), GO:0019521(3), GO:0019673(3), GO:0019674(3), GO:0019700(3),
GO:0019752(2), GO:0019773(3), GO:0019774(3), GO:0019781(2), GO:0019805(3), GO:0019825(3), GO:0019843(4),
GO:0019887(2), GO:0019898(1), GO:0019948(2), GO:0020037(2), GO:0022625(6), GO:0022627(6), GO:0022891(2),
GO:0022900(3), GO:0023051(1), GO:0030010(1), GO:0030027(2), GO:0030036(4), GO:0030041(4), GO:0030042(4),
GO:0030060(2), GO:0030091(3), GO:0030117(4), GO:0030123(4), GO:0030126(6), GO:0030127(5), GO:0030128(5),
GO:0030130(6), GO:0030131(4), GO:0030132(5), GO:0030136(5), GO:0030145(2), GO:0030151(2), GO:0030154(2),
GO:0030163(4), GO:0030170(2), GO:0030234(2), GO:0030245(4), GO:0030246(3), GO:0030247(3), GO:0030286(4),
GO:0030289(3), GO:0030328(3), GO:0030330(4), GO:0030335(1), GO:0030362(2), GO:0030414(2), GO:0030431(1),
GO:0030529(3), GO:0030532(4), GO:0030552(3), GO:0030623(4), GO:0030729(2), GO:0030837(4), GO:0030904(2),
GO:0030942(2), GO:0030955(2), GO:0030976(2), GO:0030992(1), GO:0031012(1), GO:0031071(3), GO:0031090(1),
GO:0031105(5), GO:0031115(4), GO:0031124(3), GO:0031177(2), GO:0031225(1), GO:0031314(5), GO:0031418(2),
GO:0031419(2), GO:0031461(3), GO:0031465(3), GO:0031514(3), GO:0031532(4), GO:0031588(3), GO:0031966(5),
GO:0032012(3), GO:0032052(3), GO:0032222(3), GO:0032264(4), GO:0032367(2), GO:0032456(2), GO:0032502(1),
GO:0032784(4), GO:0032793(4), GO:0032923(3), GO:0033014(3), GO:0033017(5), GO:0033178(1), GO:0033180(1),
GO:0033290(4), GO:0033554(2), GO:0033674(2), GO:0033743(2), GO:0033980(2), GO:0034235(3), GO:0034314(4),
GO:0034333(2), GO:0034354(4), GO:0034450(3), GO:0034454(4), GO:0034464(3), GO:0034584(4), GO:0034599(2),
GO:0034720(6), GO:0034993(5), GO:0035014(2), GO:0035023(3), GO:0035091(3), GO:0035194(3), GO:0035246(4),
GO:0035253(5), GO:0035556(3), GO:0035999(2), GO:0036038(3), GO:0036157(5), GO:0036158(5), GO:0036159(5),
GO:0036459(4), GO:0042026(1), GO:0042073(5), GO:0042127(2), GO:0042128(2), GO:0042132(3), GO:0042147(2),
GO:0042162(4), GO:0042176(4), GO:0042254(1), GO:0042256(3), GO:0042384(4), GO:0042555(1), GO:0042558(2),
GO:0042578(3), GO:0042626(4), GO:0042732(3), GO:0042742(4), GO:0042744(3), GO:0042773(4), GO:0042981(2),
GO:0043022(2), GO:0043023(2), GO:0043044(3), GO:0043066(2), GO:0043087(1), GO:0043141(3), GO:0043161(4),
GO:0043169(2), GO:0043231(3), GO:0043248(2), GO:0043295(2), GO:0043420(2), GO:0043461(2), GO:0043490(4),
GO:0043546(2), GO:0043564(4), GO:0043565(4), GO:0043666(4), GO:0043874(3), GO:0044205(4), GO:0044208(4),
GO:0044210(4), GO:0044237(2), GO:0044571(4), GO:0044877(2), GO:0045002(5), GO:0045039(6), GO:0045116(4),
GO:0045131(4), GO:0045187(2), GO:0045202(1), GO:0045239(4), GO:0045252(4), GO:0045254(4), GO:0045261(3),
GO:0045281(3), GO:0045292(3), GO:0045335(5), GO:0045454(2), GO:0045595(2), GO:0045859(4), GO:0045947(5),
```

```
GO:0046033(3), GO:0046034(3), GO:0046168(3), GO:0046294(3), GO:0046416(2), GO:0046523(2), GO:0046540(4),
GO:0046570(2), GO:0046600(5), GO:0046718(2), GO:0046854(3), GO:0046855(4), GO:0046872(2), GO:0046873(2),
GO:0046907(2), GO:0046933(4), GO:0046938(4), GO:0046961(4), GO:0047150(3), GO:0047304(3), GO:0047429(3),
GO:0047746(3), GO:0048017(3), GO:0048037(2), GO:0048038(2), GO:0048193(2), GO:0048268(2), GO:0048280(4),
GO:0048312(4), GO:0048500(4), GO:0048511(1), GO:0048515(3), GO:0048731(2), GO:0048812(5), GO:0048870(1),
GO:0050144(3), GO:0050188(2), GO:0050660(3), GO:0050661(3), GO:0050662(2), GO:0050790(1), GO:0050808(2),
GO:0050819(1), GO:0050897(2), GO:0050999(2), GO:0051013(1), GO:0051014(1), GO:0051016(4), GO:0051028(2),
GO:0051103(5), GO:0051131(2), GO:0051205(2), GO:0051213(2), GO:0051260(2), GO:0051276(3), GO:0051287(3),
GO:0051289(2), GO:0051297(4), GO:0051301(1), GO:0051493(4), GO:0051536(2), GO:0051537(2), GO:0051539(2),
GO:0051568(6), GO:0051603(4), GO:0051638(4), GO:0051694(4), GO:0051725(4), GO:0051861(3), GO:0051903(2),
GO:0051920(3), GO:0052591(2), GO:0052689(3), GO:0052906(3), GO:0055037(6), GO:0055085(2), GO:0055114(2),
GO:0055129(3), GO:0060271(3), GO:0061025(2), GO:0061617(5), GO:0070006(4), GO:0070008(4), GO:0070084(4),
GO:0070273(3), GO:0070286(5), GO:0070403(3), GO:0070407(4), GO:0070469(1), GO:0070569(3), GO:0070626(2),
GO:0070694(3), GO:0070831(2), GO:0070836(2), GO:0070972(1), GO:0071203(4), GO:0071539(1), GO:0071564(4),
GO:0071704(2), GO:0071897(5), GO:0071949(3), GO:0072546(5), GO:0072583(2), GO:0072669(3), GO:0080009(3),
GO:0080130(3), GO:0090286(4), GO:0090296(8), GO:0090382(3), GO:0090544(4), GO:0097010(2), GO:0097178(2),
GO:1902560(2), GO:1902745(2), GO:1903818(3), GO:1904984(3), GO:2000574(1), GO:2000813(4), GO:2001070(3),
NOTE: The number in the parenthesis postfixing a GO term indicates the frequency of this term in your data set. I
Going further: If you wish to analyze these data for a semantic representative subset of the GO terms, REVIGO1 is a
                                   bring my data to Revigo
web tool you might wish to try out:
 launch new Revigo instance
<sup>1</sup> Revigo: Supek F, et al. (2011). "REVIGO summarizes and visualizes long lists of Gene Ontology terms". PLoS ONE 2011.
```

)dd Terms

1 odd terms in your data set do not belong to any class of "GO_slim"

GO:0036524(1),

[NOTE: The number in the parenthesis postfixing a GO term indicates the frequency of this term in your data set.]

lata export

In your browser, save this page ("File" -> "Save page as", or simply Ctr-s) to your computer; Then open the save file with Excel. You can edit the save the page to trim down what you need.

Cite the use of this tool:

Liang Hu, Jie Bao and James M. Reecy (2008) "CateGOrizer: A Web-Based Program to Batch Analyze Gene Ontology Classification Categories". Online Journal of Bioinformatics. 9 (2):108-112.



© 2003-2016 NAGRP - Bioinformatics Coordination Program.

Contact: NAGRP Bioinformatics Team

...Helpdesk ...