# Fundamental object types in R III: Factors, matrices, and data frames

#### Claudius Gräbner-Radkowitsch

2022-03-02

#### Contents

1	Faktoren	1
2	Matrizen	2
3	Data Frames	3
	• TOC	

- TOC
- Picture with overview

#### Faktoren 1

Faktoren werden verwendet um ordinale oder kategoriale Daten darzustellen. Ein Faktor kann nur einen von mehreren vorher definierten Werten annehmen, so genannten Levels. Faktoren werden über die Funktion factor() erstellt. Sie nimmt als erstes Argument die Werte für den Faktor:

```
x <- c("Frau", "Mann", "Frau")</pre>
x <- factor(c("Frau", "Mann", "Frau"))</pre>
```

## [1] Frau Mann Frau ## Levels: Frau Mann

Wenn wir Levels definieren wollen, die aber aktuell noch keine Ausprägung haben können wir dies mit dem Argument levels bewerkstelligen:

```
x <- c("Frau", "Mann", "Frau")</pre>
x <- factor(c("Frau", "Mann", "Frau"),
             levels=c("Divers", "Frau", "Mann"))
```

## [1] Frau Mann Frau ## Levels: Divers Frau Mann

Wenn wir das Argument levels verwenden werden dort nicht genannte Ausprägungen den Wert NA erhalten:

```
x <- c("Frau", "Mann", "Frau")</pre>
x <- factor(c("Frau", "Mann", "Frau", "Divers"),</pre>
             levels=c("Frau", "Mann"))
```

## [1] Frau Mann Frau <NA> ## Levels: Frau Mann

Die Reihenfolge der einzelnen Levels spielt meist keine Rolle. Bei ordinalen Daten möchten wir aber eine sinnvolle Wertigkeit der Ausprägungen sicherstellen. Das geht mit der Funktion factor() und dem Argument ordered:

```
## [1] Hoch Hoch Gering Hoch
## Levels: Gering < Mittel < Hoch</pre>
```

Häufig handelt es sich bei den Ausprägungen von Faktoren um Wörter, also Objekte vom Type character. Technisch gesehen werden Faktoren aber als integer gespeichert: um Speicherplatz zu sparen wird jedem Level auf dem Computer eine ganze Zahl zugewiesen, die dann auf den eigentlichen Wert gemapt wird. Gerade wenn die Ausprägungen als solche große Zahlen oder lange Wörter sind spart das Speicher, weil diese Ausprägungen nur einmal gespeichert werden müssen, und jedes Element des Fakors nur noch eine einfache Zahl ist. Daher gibt typeof() für Faktoren auch integer aus:

#### ## [1] "integer"

Um zu überprüfen ob es sich bei einem Objekt um einen Faktor handelt verwenden wir die Funktion is.factor():

```
is.factor(x)
```

```
## [1] TRUE
```

Manche Operationen, die für integer definiert sind, funktionieren bei Faktoren aber nicht, z.B. Addition:

```
x[1] + x[2]
```

```
## Warning in Ops.factor(x[1], x[2]): '+' not meaningful for factors ## [1] NA
```

Dafür können wir andere nützliche Dinge mit Faktoren anstellen, z.B. die absoluten Häufigkeiten über die Funktion table() anzeigen:

```
table(x)
```

```
## x
## Mann Frau Divers
## 1 2 0
```

Faktoren werden vor allem in der Arbeit mit ordinalen und kategorialen Daten verwendet (siehe Kapitel @ref(data)).

### 2 Matrizen

Bei Matrizen handelt es sich um zweidimensionale Objekte mit Zeilen und Spalten, bei denen es sich jeweils um atomare Vektoren handelt.

#### Erstellen von Matrizen

Matrizen werden mit der Funktion matrix() erstellt. Diese Funktion nimmt als erstes Argument die Elemente der Matrix und dann die Spezifikation der Anzahl von Zeilen (nrow) und/oder der Anzahl von Spalten (ncol):

```
m_1 <- matrix(11:20, nrow = 5)</pre>
m_1
##
         [,1] [,2]
## [1,]
            11
                  16
## [2,]
            12
                  17
## [3,]
            13
                  18
            14
## [4,]
                  19
                  20
## [5,]
            15
```

Wir können die Zeilen und Spalten sowie einzelne Werte folgendermaßen extrahieren und gegebenenfalls Ersetzungen vornehmen:

```
m_1[,1] # Erste Spalte

## [1] 11 12 13 14 15

m_1[1,] # Erste Zeile

## [1] 11 16

m_1[2,2] # Element [2,2]
```

## [1] 17

**Optionaler Hinweis:** Matrizen sind weniger 'fundamental' als atomare Vektoren. Entsprechend gibt uns typeof() für eine Matrix auch den Typ der enthaltenen atomaren Vektoren an:

```
typeof(m_1)
```

```
## [1] "integer"
```

Um zu testen ob es sich bei einem Objekt um eine Matrix handelt verwenden wir entsprechend is.matrix():

```
is.matrix(m_1)
## [1] TRUE
is.matrix(2.0)
```

```
## [1] FALSE
```

Die Grundlagen der Matrizenalgebra und ihre Implementierung in R wird später in Kapitel @ref(formalia) erläutert. Zudem gibt es im Internet zahlreiche gute Überblicksartikel zum Thema Matrizenalgebra in R, z.B. hier oder in größerem Umfang hier.

#### 3 Data Frames

Der data.frame ist eine besondere Art von Liste und ist ein in der Datenanalyse regelmäßig auftretender Datentyp. Im Gegensatz zu einer normalen Liste müssen bei einem data.frame alle Elemente die gleiche Länge aufweisen. Das heißt man kann sich einen data.frame als eine rechteckig angeordnete Liste vorstellen.

Wegen der engen Verwandschaft können wir einen data.frame direkt aus einer Liste erstellen indem wir die Funktion as.data.frame() verwenden:

```
1_3 <- list(
   "a" = 1:3,
   "b" = 4:6,
   "c" = 7:9</pre>
```

```
df_3 <- as.data.frame(1_3)

Wenn wir R nach dem Typ von df_3 fragen, sehen wir, dass es sich weiterhin um eine Liste handelt:
typeof(df_3)

## [1] "list"

Allerdings können wir testen ob df_3 ein data.frame ist indem wir is.data.frame benutzen:
is.data.frame(df_3)

## [1] TRUE
is.data.frame(1_3)

## [1] FALSE

Wenn wir df_3 ausgeben sehen wir unmittelbar den Unterschied zur klassischen Liste:
1_3

## $a

## [1] 1 2 3

## $a</pre>
```

```
## a b c
## 1 1 4 7
## 2 2 5 8
## 3 3 6 9
```

Die andere Möglichkeit einen data.frame zu erstellen ist direkt über die Funktion data.frame(), wobei es hier in der Regel ratsam ist das optionale Argument stringsAsFactors auf FALSE zu setzen, da sonst Wörter in so genannte Faktoren umgewandelt werden:<sup>1</sup>

```
df_4 <- data.frame(
   "gender" = c(rep("male", 3), rep("female", 2)),
   "height" = c(189, 175, 180, 166, 150),
   stringsAsFactors = FALSE
)
df_4</pre>
```

```
## gender height
## 1 male 189
## 2 male 175
## 3 male 180
## 4 female 166
## 5 female 150
```

<sup>&</sup>lt;sup>1</sup>Zur Geschichte dieses wirklich ärgerlichen Verhaltens siehe diesen Blog. Zwar wurde das Standardverhalten mit R 4.0 umgestellt, allerdings empfiehlt sich die explizite Setzung von stringsAsFactors=F trotzdem, damit der Code auch mit älteren Versionen gut funktioniert.

Data Frames sind das klassische Objekt um eingelesene Daten zu repräsentieren. Wenn Sie sich z.B. Daten zum BIP in Deutschland aus dem Internet runterladen und diese Daten dann in R einlesen, werden diese Daten zunächst einmal als data.frame repräsentiert.<sup>2</sup> Diese Repräsentation erlaubt dann eine einfache Analyse und Manipulation der Daten.

Zwar gibt es ein eigenes Kapitel zur Bearbeitung von Daten (siehe Kapitel @ref(data)), wir wollen aber schon hier einige zentrale Befehle im Zusammenhang von Data Frames einführen.

An dieser Stelle sei schon angemerkt, dass um Zeilen, Spalten oder einzelne Elemente auszuwählen die gleichen Befehle wie bei Matrizen verwendet werden können:

```
df 4[, 1] # Werte der ersten Spalte
## [1] "male"
                  "male"
                           "male"
                                     "female" "female"
df 4[, 2] # Werte der zweiten Spalte
## [1] 189 175 180 166 150
Die Abfrage funktioniert nicht nur mit Indices, sondern auch mit Spaltennamen:<sup>3</sup>
df_4[["gender"]]
## [1] "male"
                  "male"
                            "male"
                                     "female" "female"
Wenn wir [ anstatt von [ [ verwenden erhalten wir als Output einen (reduzierten) Data Frame:
df 4["gender"]
##
     gender
## 1
       male
## 2
       male
## 3
       male
## 4 female
## 5 female
Es können auch mehrere Zeilen ausgewählt werden:
df_4[1:2, ] # Die ersten beiden Zeilen
##
     gender height
## 1
       male
                189
## 2
       male
                175
Oder einzelne Werte:
df_4[2, 2] # Zweiter Wert der zweiten Spalte
```

# ## [1] 175

Dies können wir uns zu Nutze machen um den Typ der einzelnen Spalten herauszufinden:

```
typeof(df_4[["gender"]])
```

#### ## [1] "character"

Gerade bei sehr großen Data Frames möchte man oft nur die ersten paar Zeilen inspizieren. Das ist mit der Funktion head() möglich. Das erste Argument ist immer der Name des Data Frames. Das zweite (optionale) Argument ist ein integer, der die Anzahl der anzuzeigenden Zeilen angibt (Standardwert: 5):

<sup>&</sup>lt;sup>2</sup>Das ist nicht ganz korrekt, weil es mittlerweilse Erweiterungen gibt, welche den data.frame mit effizienteren Objekten ersetzen, z.B. dem tibble oder dem data.table. Der Umgang mit diesen Objekten ist jedoch sehr ähnlich zum data.frame.

<sup>&</sup>lt;sup>3</sup>Anstelle von [[ kann auch der Shortcut \$ verwendet werden. Das werden wir aufgrund der größeren Transparenz von [[ hier jedoch nicht verwenden.

### head(df\_4, 2) # gibt die ersten zwei Zeilen aus