## Beispiel 6.1. Erfassung von Fischottern (*Lutra lutra*) anhand von Spuren

Kapitel 6.2.2 aus Henle, K., A. Grimm-Seyfarth & B. Gruber: Erfassung und Analyse von Tierpopulationen. Ulmer Verlag

Bernd Gruber, Annegret Grimm-Seyfarth

2022-12-20

## Totalerfassung auf homogenen Untersuchungsflächen

Für die Berechnung der Totalerfassung auf homogenen Untersuchungsflächen benötigen wir die folgenden Eingabeparameter:

- TF: Anzahl der Teilflaechen
- t: Anzahl der Probeflaechen
- $n_i$ : Anzahl gefundener Individuen auf Probeflaeche i [as a vector]

Schreiben wir zunächst die benötigte Funktion (entspricht Formeln 6.2-6.5 im Kapitel 6.2.2 des Buches):

```
#Funktionen
#qeschätzte Anzahl estN
est.N<- function(TF,funde) {</pre>
    return(TF/sum(funde$anz_probeflaechen) * sum(funde$anz_probeflaechen*funde$anz_funde))
}
var.N <- function(TF, funde, conf=0.9) {</pre>
    t <- funde$anz_probeflaechen
    n <- funde$anz_funde</pre>
    mean.n \leftarrow sum(n*t)/sum(t)
    s2 \leftarrow sum(((n-mean.n)^2)*t)/(sum(t)-1)
    var.N \leftarrow TF^2*s2/sum(t)*(1-sum(t)/TF)
    est.N <- round(est.N(TF,funde))</pre>
    tv \leftarrow qt((1-conf)/2, sum(t)-1, lower.tail = F)
    ci <- (tv*sqrt(var.N))</pre>
    N.low <- est.N - ci
    N.up <- est.N + ci
    res <- paste0("Geschätzte Anzahl von Funden: \n est(N): ", round(est.N),
                   "\n Var(N): ",round(var.N,2),
                   "\n Konfidenzinterval(N)[",conf*100,"%]: ",floor(N.low)," - ",
                   ceiling(N.up) )
    cat(res)
    return(list(N=est.N, var.N=round(var.N,2), N.low=N.low, N.up=N.up))
}
```

## Beispiel anhand Fischotterspuren im Schnee

Labes et al. (1991) erfassten den Bestand des Fischotters im Einzugsgebiet der Warnow (Mecklenburg-Vorpommern) mittels Spurennachweisen auf Probeflächen. Dazu teilten sie das Gebiet mit einer Uferlänge von 257 km in T=514 Segmente von 500 m Länge ein. An acht Tagen nach Neuschnee wurden PF=50 zufällig ausgewählte Segmente nach Spuren abgesucht. Gefundene Otterspuren wurden soweit wie möglich verfolgt, um Doppelzählungen zu vermeiden. Die Erfassungsdaten stellen sich wie folgt dar:

```
funde <- data.frame(anz_funde=c(0,1,2), anz_probeflaechen=c(45,4,1))
funde</pre>
```

Mithilfe der oben erstellten Funktion est. N können wir nun unter Angabe der Gesamtzahl Teilflächen und den Erfassungsdaten die Gesamtzahl berechnet werden.

```
est.N(TF=514, funde = funde)
```

```
## [1] 61.68
```

Die geschätzte Populationsgröße beträgt demnach 62.

Die Varianz berechnen wir mit dem 90% Vertrauensintervall als:

```
erg1 <- var.N(TF=514, funde=funde, conf=0.9)
## Geschätzte Anzahl von Funden:</pre>
```

```
## Geschatzte Anzani von Funden:

## est(N): 62

## Var(N): 708.67

## Konfidenzinterval(N)[90%]: 17 - 107
```

Vorausgesetzt in den Probeflächen konnten alle Fischotter erfasst werden, die sich in ihnen aufhielten, liegt also die Populationsgröße im Einzugsgebiet der Warnow mit 90% Wahrscheinlichkeit zwischen 17-107 Otter.

Mit dem 95% Vertrauensintervall beträgt die Varianz:

```
erg2 <- var.N(TF=514, funde=funde, conf=0.95)

## Geschätzte Anzahl von Funden:
## est(N): 62
## Var(N): 708.67
## Konfidenzinterval(N)[95%]: 8 - 116</pre>
```

Vorausgesetzt in den Probeflächen konnten alle Fischotter erfasst werden, die sich in ihnen aufhielten, liegt also die Populationsgröße im Einzugsgebiet der Warnow mit 95% Wahrscheinlichkeit zwischen 8-116 Otter.

## Literaturverzeichnis

Labes, R., Labes, S., Labes, H. 1991. Der Fischotterbestand (*Lutra lutra* L.) des Einzugsgebietes der Warnow (Mecklenburg) im Winter 1991. S. 22-27 in: Schutz des Fischotters, Landesumweltamt Brandenburg, Potsdam.