Цель лабораторной работы

Изучить сложные способы подготовки выборки и подбора гиперпараметров на примере мето,

Задание

Требуется выполнить следующие действия:

- 1. Выбрать набор данных (датасет) для решения задачи классификации или регресии.
- 2. В случае необходимости проведите удаление или заполнение пропусков и кодирование в
- 3. С использованием метода train_test_split разделите выборку на обучающую и тестову
- 4. Обучите модель ближайших соседей для произвольно заданного гиперпараметра K. Оц трех подходящих для задачи метрик.
- 5. Постройте модель и оцените качество модели с использованием кросс-валидации. Пров различными стратегиями кросс-валидации.
- 6. Произведите подбор гиперпараметра K с использованием $\operatorname{GridSearchCV}$ и кросс-валида
- 7. Повторите пункт 4 для найденного оптимального значения гиперпараметра K. Сравните с качеством модели, полученной в пункте 4.
- 8. Постройте кривые обучения и валидации.

Ход выполнения работы

Подключим все необходимые библиотеки и настроим отображение графиков:

```
from datetime import datetime
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
import pandas as pd
from sklearn.metrics import mean_absolute_error
from sklearn.metrics import median_absolute_error, r2_score
from sklearn.model_selection import GridSearchCV
from sklearn.model_selection import KFold, RepeatedKFold, ShuffleSplit
from sklearn.model_selection import cross_val_score, train_test_split
from sklearn.model_selection import learning_curve, validation_curve
from sklearn.neighbors import KNeighborsRegressor
from sklearn.preprocessing import StandardScaler
```

```
# Enable inline plots
%matplotlib inline

# Set plots formats to save high resolution PNG
from IPython.display import set_matplotlib_formats
set_matplotlib_formats("retina")

Зададим ширину текстового представления данных, чтобы в дальнейшем текст в отчёте влеза
pd.set_option("display.width", 70)

Double-click (or enter) to edit
```

▼ Предварительная подготовка данных

В качестве набора данных используются оценка качества белых вин по шкале с учетом химич

```
data = pd.read_csv("/content/whitew.csv")
```

Проверим полученные типы:

data.dtypes

F→ fixed acidity float64 volatile acidity float64 citric acid float64 float64 residual sugar chlorides float64 free sulfur dioxide float64 total sulfur dioxide float64 density float64 float64 рΗ float64 sulphates alcohol float64 quality int64 dtype: object

Посмотрим на данные в данном наборе данных:

```
data.head()
```

С→

	fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free su dio
0	7.4	0.70	0.00	1.9	0.076	
1	7.8	0.88	0.00	2.6	0.098	
2	7.8	0.76	0.04	2.3	0.092	
^	44.0	0.00	0.50	4.0	0 075	

df = data.copy()
df.head()

₽		fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free su dio
	0	7.4	0.70	0.00	1.9	0.076	
	1	7.8	0.88	0.00	2.6	0.098	
	2	7.8	0.76	0.04	2.3	0.092	
	3	11.2	0.28	0.56	1.9	0.075	
	4	7.4	0.70	0.00	1.9	0.076	

df.dtypes

₽	fixed acidity	float64
	volatile acidity	float64
	citric acid	float64
	residual sugar	float64
	chlorides	float64
	free sulfur dioxide	float64
	total sulfur dioxide	float64
	density	float64
	pH	float64
	sulphates	float64
	alcohol	float64
	quality	int64
	dtype: object	

Проверим размер набора данных:

df.shape

[→ (1599, 12)

Проверим основные статистические характеристики набора данных:

df.describe()

_	
	7

	fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free sulfur dioxide	s di
count	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.0
mean	8.319637	0.527821	0.270976	2.538806	0.087467	15.874922	46.4
std	1.741096	0.179060	0.194801	1.409928	0.047065	10.460157	32.8
min	4.600000	0.120000	0.000000	0.900000	0.012000	1.000000	6.0
25%	7.100000	0.390000	0.090000	1.900000	0.070000	7.000000	22.0
50%	7.900000	0.520000	0.260000	2.200000	0.079000	14.000000	38.0
75%	9.200000	0.640000	0.420000	2.600000	0.090000	21.000000	62.0
max	15.900000	1.580000	1.000000	15.500000	0.611000	72.000000	289.0

Проверим наличие пропусков в данных:

```
df.isnull().sum()
```

Гэ	fixed acidity	0
_	volatile acidity	0
	citric acid	0
	residual sugar	0
	chlorides	0
	free sulfur dioxide	0
	total sulfur dioxide	0
	density	0
	рН	0
	sulphates	0
	alcohol	0
	quality	0
	dtype: int64	

Разделение данных

Разделим данные на целевой столбец и признаки:

```
X = df.drop("density", axis=1)
y = df["density"]

print(X.head(), "\n")
print(y.head())
```

```
fixed acidity volatile acidity citric acid ... sulphates alcohol quality
0
             7.4
                              0.70
                                           0.00
                                                           0.56
                                                                     9.4
                                                                                5
1
            7.8
                              0.88
                                           0.00
                                                           0.68
                                                                     9.8
                                                 . . .
2
                                                                                5
            7.8
                              0.76
                                           0.04
                                                          0.65
                                                                     9.8
                                                 . . .
                                                                                6
3
                                                                     9.8
            11.2
                              0.28
                                           0.56
                                                          0.58
4
            7.4
                              0.70
                                           0.00 ...
                                                          0.56
                                                                     9.4
                                                                                5
[5 rows x 11 columns]
```

0 0.99781 0.9968

print(X.shape)
print(y.shape)

[→ (1599, 11) (1599,)

Предобработаем данные, чтобы методы работали лучше:

```
columns = X.columns
scaler = StandardScaler()
X = scaler.fit_transform(X)
pd.DataFrame(X, columns=columns).describe()
```

₽		fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free sul diox
	count	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e
	mean	3.435512e-16	1.699704e-16	4.335355e-16	-1.905223e-16	4.838739e-16	1.432042€
	std	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e
	min	-2.137045e+00	-2.278280e+00	-1.391472e+00	-1.162696e+00	-1.603945e+00	-1.422500e
	25%	-7.007187e-01	-7.699311e-01	-9.293181e-01	-4.532184e-01	-3.712290e-01	-8.487156€
	50%	-2.410944e-01	-4.368911e-02	-5.636026e-02	-2.403750e-01	-1.799455e-01	-1.793002€
	75%	5.057952e-01	6.266881e-01	7.652471e-01	4.341614e-02	5.384542e-02	4.901152€
	max	4.355149e+00	5.877976e+00	3.743574e+00	9.195681e+00	1.112703e+01	5.367284e

Разделим выборку на тренировочную и тестовую:

print(X_train.shape)
print(X test.shape)

▼ Модель ближайших соседей для произвольно заданного гиперпа

Напишем функцию, которая считает метрики построенной модели:

Попробуем метод ближайших соседей с гиперпараметром K=5:

Проверим метрики построенной модели:

```
test_model(reg_5)

    mean_absolute_error: 0.0006631799999999915
    median_absolute_error: 0.00048899999999917
    r2_score: 0.7565853831960054
```

Видно, что средние ошибки не очень показательны для одной модели, они больше подходят д время коэффициент детерминации неплох сам по себе, в данном случае модель более-менее

▼ Использование кросс-валидации

```
scores = cross val score(KNeighborsRegressor(n neighbors=5), X, y,
                         cv=KFold(n splits=10), scoring="r2")
print(scores)
print(scores.mean(), "±", scores.std())
   [0.54201038 0.62530238 0.60103483 0.42462355 0.16800613 0.67138819
      0.69157226 0.54801332 0.58253055 0.60540914]
     0.5459890743612823 ± 0.14447376628869613
scores = cross_val_score(KNeighborsRegressor(n_neighbors=5), X, y,
                         cv=RepeatedKFold(n splits=5, n repeats=2),
                         scoring="r2")
print(scores)
print(scores.mean(), "±", scores.std())
   [0.73450664 0.75859279 0.71236101 0.75826791 0.73064159 0.73583826
      0.73708952 0.72441664 0.76320957 0.73085156]
     0.7385775486996173 \pm 0.01559440793882926
scores = cross val score(KNeighborsRegressor(n neighbors=5), X, y,
                         cv=ShuffleSplit(n splits=10), scoring="r2")
print(scores)
print(scores.mean(), "±", scores.std())
    [0.76101624 0.74486624 0.78022773 0.74529884 0.72949467 0.73281696
      0.75714985 0.75469655 0.75203314 0.80103417]
     0.7558634383711698 \pm 0.02034024152887018
```

ullet Подбор гиперпараметра K

Введем список настраиваемых параметров:

```
n_range = np.array(range(1, 50, 2))
tuned_parameters = [{'n_neighbors': n_range}]
n_range

array([ 1,  3,  5,  7,  9, 11, 13, 15, 17, 19, 21, 23, 25, 27, 29, 31, 33, 35, 37, 39, 41, 43, 45, 47, 49])
```

Запустим подбор параметра:

```
return_train_score=True, n_jobs=-1)

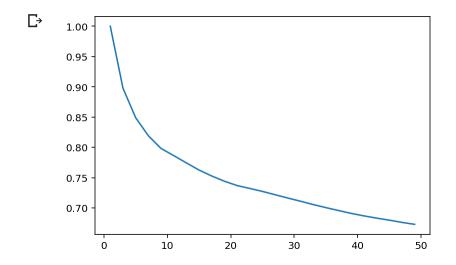
gs.fit(X, y)

gs.best_params_

[> {'n_neighbors': 3}
```

Проверим результаты при разных значения гиперпараметра на тренировочном наборе данны

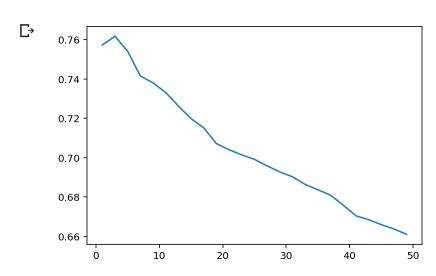
```
plt.plot(n_range, gs.cv_results_["mean_train_score"]);
```



Очевидно, что для K=1 на тренировочном наборе данных мы находим ровно ту же точку, ч $_1$ её соседей мы берём — тем меньше точность.

На тестовом наборе данных картина сильно интереснее:

```
plt.plot(n_range, gs.cv_results_["mean_test_score"]);
```



Выходит, что сначала соседей слишком мало (высоко влияние выбросов), а затем количество слишком велико, и среднее значение по этим соседям всё больше и больше оттягивает значе

Проверим получившуюся модель:

```
reg = KNeighborsRegressor(**gs.best_params_)
reg.fit(X_train, y_train)
test_model(reg)

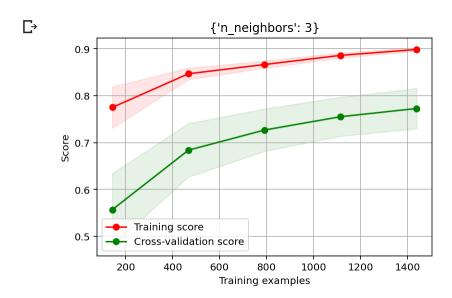
    mean_absolute_error: 0.0006740416666666596
    median_absolute_error: 0.00050333333333333001
    r2_score: 0.7550997432386466
```

В целом получили примерно тот же результат. Очевидно, что проблема в том, что данный меторезультат для данной выборки.

Построим кривую обучения:

```
def plot_learning_curve(estimator, title, X, y, ylim=None, cv=None):
   train sizes=np.linspace(.1, 1.0, 5)
   plt.figure()
   plt.title(title)
   if ylim is not None:
        plt.ylim(*ylim)
   plt.xlabel("Training examples")
   plt.ylabel("Score")
   train_sizes, train_scores, test_scores = learning_curve(
        estimator, X, y, cv=cv, n_jobs=-1, train_sizes=train_sizes)
   train_scores_mean = np.mean(train_scores, axis=1)
   train_scores_std = np.std(train_scores, axis=1)
   test scores mean = np.mean(test scores, axis=1)
   test_scores_std = np.std(test_scores, axis=1)
   plt.grid()
   plt.fill_between(train_sizes, train_scores_mean - train_scores_std,
                     train scores mean + train scores std, alpha=0.1,
                     color="r")
   plt.fill between(train sizes, test scores mean - test scores std,
                     test_scores_mean + test_scores_std, alpha=0.1,
                     color="g")
   plt.plot(train sizes, train scores mean, 'o-', color="r",
             label="Training score")
    plt.plot(train sizes, test scores mean, 'o-', color="g",
             label="Cross-validation score")
```

```
plt.legend(loc="best")
return plt
```



Построим кривую валидации:

```
def plot_validation_curve(estimator, title, X, y,
                          param_name, param_range, cv,
                          scoring="accuracy"):
   train_scores, test_scores = validation_curve(
        estimator, X, y, param name=param name,
       param_range=param_range,
        cv=cv, scoring=scoring, n_jobs=-1)
   train_scores_mean = np.mean(train_scores, axis=1)
   train_scores_std = np.std(train_scores, axis=1)
   test scores mean = np.mean(test scores, axis=1)
   test_scores_std = np.std(test_scores, axis=1)
   plt.title(title)
   plt.xlabel(param_name)
   plt.ylabel("Score")
   plt.ylim(0.0, 1.1)
   1w = 2
   plt.plot(param_range, train_scores_mean, label="Training score",
                 color="darkorange", lw=lw)
   plt.fill_between(param_range, train_scores_mean - train_scores_std,
                     train_scores_mean + train_scores_std, alpha=0.2,
                     color="darkorange", lw=lw)
   plt.plot(param_range, test_scores_mean,
                 label="Cross-validation score",
                 color="navy", lw=lw)
```

