Цель лабораторной работы

Изучить ансамбли моделей машинного обучения.

Задание

Требуется выполнить следующие действия:

- 1. Выбрать набор данных (датасет) для решения задачи классификации или регресии.
- 2. В случае необходимости проведите удаление или заполнение пропусков и кодирование в
- 3. С использованием метода train_test_split разделите выборку на обучающую и тестову
- 4. Обучите две ансамблевые модели. Оцените качество модели с помощью одной из подхо качество полученных моделей.
- 5. Произведите для каждой модели подбор одного гиперпараметра. В зависимости от исполрименять функцию GridSearchCV, использовать перебор параметров в цикле, или использовать и использовать и использовать перебор параметров в цикле, или использовать и использов
- 6. Повторите пункт 4 для найденных оптимальных значения гиперпараметров. Сравните ка с качеством моделей, полученных в пункте 4.

Ход выполнения работы

Подключим все необходимые библиотеки и настроим отображение графиков:

```
from datetime import datetime
import matplotlib.pyplot as plt
import numpy as np
import pandas as pd
from sklearn.ensemble import GradientBoostingRegressor
from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
from sklearn.metrics import mean_absolute_error
from sklearn.metrics import median_absolute_error, r2_score
from sklearn.model_selection import GridSearchCV
from sklearn.model_selection import ShuffleSplit
from sklearn.model_selection import train_test_split
from sklearn.preprocessing import StandardScaler

# Enable inline plots
%matplotlib inline
```

```
# Set plots formats to save high resolution PNG
from IPython.display import set_matplotlib_formats
set_matplotlib_formats("retina")
```

Зададим ширину текстового представления данных, чтобы в дальнейшем текст в отчёте влеза

```
pd.set option("display.width", 70)
```

■ Предварительная подготовка данных

В качестве набора данных используется оценка качества белых вин по шкале с учетом химич

```
data = pd.read_csv("/content/whitew.csv")
```

Проверим полученные типы:

data.dtypes

```
fixed acidity float64
volatile acidity float64
citric acid float64
    residual sugar float64
chlorides float64
    chlorides
                               float64
    free sulfur dioxide float64
    total sulfur dioxide
                                float64
                                float64
    density
    рΗ
                                float64
    sulphates
                                float64
    alcohol
                                float64
    quality
                                  int64
    dtype: object
```

Посмотрим на данные в данном наборе данных:

```
data.head()
```

 \Box

free su dio	chlorides	residual sugar	citric acid	volatile acidity	fixed acidity	
	0.076	1 0	0.00	0.70	7.4	0

df = data.copy()
df.head()

₽		fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free su dio
	0	7.4	0.70	0.00	1.9	0.076	
	1	7.8	0.88	0.00	2.6	0.098	
	2	7.8	0.76	0.04	2.3	0.092	
	3	11.2	0.28	0.56	1.9	0.075	
	4	7.4	0.70	0.00	1.9	0.076	

df.dtypes

₽	fixed acidity volatile acidity citric acid residual sugar chlorides free sulfur dioxide total sulfur dioxide density pH sulphates alcohol quality	float64 float64 float64 float64 float64 float64 float64 float64 float64 int64
	<pre>quality dtype: object</pre>	int64

С такими данными уже можно работать. Проверим размер набора данных:

df.shape

[→ (1599, 12)

Проверим основные статистические характеристики набора данных:

df.describe()

₽

	fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free sulfur dioxide	s di
count	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.000000	1599.0
mean	8.319637	0.527821	0.270976	2.538806	0.087467	15.874922	46.4
std	1.741096	0.179060	0.194801	1.409928	0.047065	10.460157	32.8
min	4.600000	0.120000	0.000000	0.900000	0.012000	1.000000	6.0
25%	7.100000	0.390000	0.090000	1.900000	0.070000	7.000000	22.0
50%	7.900000	0.520000	0.260000	2.200000	0.079000	14.000000	38.0
75%	9.200000	0.640000	0.420000	2.600000	0.090000	21.000000	62.0
max	15.900000	1.580000	1.000000	15.500000	0.611000	72.000000	289.0

Проверим наличие пропусков в данных:

```
df.isnull().sum()
```

Гэ	fixed acidity	0
_	volatile acidity	0
	citric acid	0
	residual sugar	0
	chlorides	0
	free sulfur dioxide	0
	total sulfur dioxide	0
	density	0
	pH	0
	sulphates	0
	alcohol	0
	quality	0
	dtype: int64	

Разделение данных

Разделим данные на целевой столбец и признаки:

```
X = df.drop("density", axis=1)
y = df["density"]
print(X.head(), "\n")
print(y.head())
```

C→

```
fixed acidity volatile acidity citric acid ... sulphates alcohol quality
0
             7.4
                              0.70
                                           0.00
                                                           0.56
                                                                     9.4
                                                                                5
1
            7.8
                              0.88
                                           0.00
                                                           0.68
                                                                     9.8
                                                 . . .
2
                                                                                5
            7.8
                              0.76
                                           0.04
                                                          0.65
                                                                     9.8
                                                 . . .
                                                                                6
3
                                                                     9.8
            11.2
                              0.28
                                           0.56
                                                          0.58
4
            7.4
                              0.70
                                           0.00 ...
                                                          0.56
                                                                     9.4
                                                                                5
[5 rows x 11 columns]
```

0 0.99781 0.9968

print(X.shape)
print(y.shape)

[→ (1599, 11) (1599,)

Предобработаем данные, чтобы методы работали лучше:

```
columns = X.columns
scaler = StandardScaler()
X = scaler.fit_transform(X)
pd.DataFrame(X, columns=columns).describe()
```

₽		fixed acidity	volatile acidity	citric acid	residual sugar	chlorides	free sul diox
	count	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e+03	1.599000e
	mean	3.435512e-16	1.699704e-16	4.335355e-16	-1.905223e-16	4.838739e-16	1.432042€
	std	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e+00	1.000313e
	min	-2.137045e+00	-2.278280e+00	-1.391472e+00	-1.162696e+00	-1.603945e+00	-1.422500e
	25%	-7.007187e-01	-7.699311e-01	-9.293181e-01	-4.532184e-01	-3.712290e-01	-8.487156€
	50%	-2.410944e-01	-4.368911e-02	-5.636026e-02	-2.403750e-01	-1.799455e-01	-1.793002€
	75%	5.057952e-01	6.266881e-01	7.652471e-01	4.341614e-02	5.384542e-02	4.901152€
	max	4.355149e+00	5.877976e+00	3.743574e+00	9.195681e+00	1.112703e+01	5.367284e

Разделим выборку на тренировочную и тестовую:

print(X_train.shape)
print(X test.shape)

▼ Обучение моделей

Напишем функцию, которая считает метрики построенной модели:

▼ Случайный лес

Попробуем случайный лес с гиперпараметром n=100:

Проверим метрики построенной модели:

```
test_model(ran_100)

☐→ mean_absolute_error: 0.0004663771922352339
    median_absolute_error: 0.00032255390892999003
    r2_score: 0.8825655447277275
```

Видно, что данный метод даже без настройки гиперпараметров уже показывает очень неплох

▼ Градиентный бустинг

Попробуем градиентный бустинг с гиперпараметром n=100:

Проверим метрики построенной модели:

```
test_model(gr_100)

☐ mean_absolute_error: 0.0004704435493496417
    median_absolute_error: 0.00034447129988390834
    r2 score: 0.8910730667571881
```

Внезапно градиентный бустинг оказался несколько лучше по сравнению со случайным лесом

ullet Подбор гиперпараметра n

▼ Случайный лес

Введем список настраиваемых параметров:

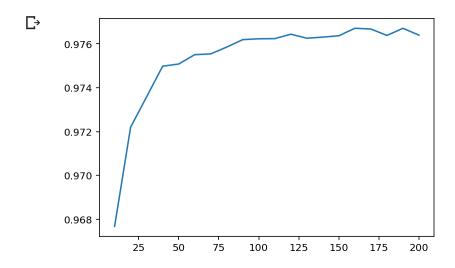
```
param_range = np.arange(10, 201, 10)
tuned_parameters = [{'n_estimators': param_range}]
tuned_parameters

['n_estimators': array([ 10, 20, 30, 40, 50, 60, 70, 80, 90, 100, 110, 120, 130 140, 150, 160, 170, 180, 190, 200])}]
```

Запустим подбор параметра:

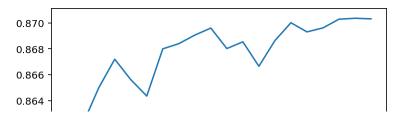
Проверим результаты при разных значения гиперпараметра на тренировочном наборе данны

```
plt.plot(param_range, gs.cv_results_["mean_train_score"]);
```



В целом результат ожидаемый — чем больше обученных моделей, тем лучше.

На тестовом наборе данных картина похожа:



Из-за случайнойсти график немного плавает, но конкретно в данном случае получился чётко г результатом.

```
reg = gs.best_estimator_
reg.fit(X_train, y_train)
test_model(reg)

Discrete mean_absolute_error: 0.00046906389307640653
median_absolute_error: 0.00033821622168678234
r2_score: 0.8833787278965249
```

Конкретно данная модель оказалась практически такой же, как исходная.

▼ Градиентный бустинг

Список настраиваемых параметров оставим тем же.

```
tuned_parameters
```

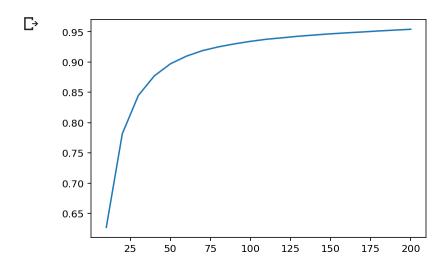
```
[→ [{'n_estimators': array([ 10, 20, 30, 40, 50, 60, 70, 80, 90, 100, 110, 120, 130 140, 150, 160, 170, 180, 190, 200])}]
```

Запустим подбор параметра:

```
GradientBoostingRegressor(alpha=0.9, ccp_alpha=0.0, criterion='friedman_mse', init=None, learning_rate=0.1, loss='ls', max_depth=3, max_features=None, max_leaf_nodes=None, min_impurity_decrease=0.0, min_impurity_split=None, min_samples_leaf=1, min_samples_split=2, min_weight_fraction_leaf=0.0, n_estimators=200, n_iter_no_change=None, presort='deprecated', random_state=None, subsample=1.0, tol=0.0001, validation_fraction=0.1, verbose=0, warm_start=False)
```

Проверим результаты при разных значения гиперпараметра на тренировочном наборе данны

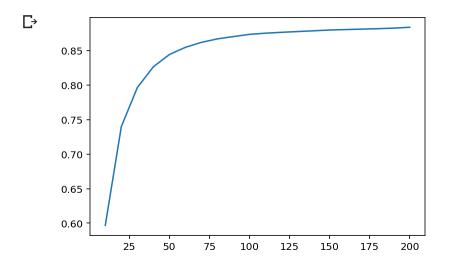
plt.plot(param_range, gs.cv_results_["mean_train_score"]);



Картина та же: чем больше подмоделей, тем лучше.

На тестовом наборе данных картина ровно та же:

plt.plot(param_range, gs.cv_results_["mean_test_score"]);



Выходит, что чем больше подмоделей, тем лучше. Возможно, что можно использовать ещё бо это выходит за рамки лабораторной работы.

```
reg = gs.best_estimator_
reg.fit(X_train, y_train)
test_model(reg)
```