

Introducción a la Bioinformática

*de la Puerta Echeverría, María
Romarión, Germán Rodrigo*

NPC₁

- Transportador de colesterol humano
- Cuanto muta resulta en Niemann-Pick tipo C
- Relacionado al virus de Ebola

Ejercicio 1

Archivo de entrada: secuencia de nucleótidos en formato GenBank.

Archivos de salida: traducciones de la secuencia en formato FASTA para cada marco de lectura.

Ejercicio 2

Archivo de entrada: secuencia traducida en formato FASTA.

Archivo de salida: reporte BLAST.

Ejercicio 3

Parámetros de entrada: reporte BLAST y un patrón.

Parámetro de salida: lista de los *hits* que coincidan con el patrón.

Ejercicio 4

Corrimos los comandos:

```
EMBOSS-6.6.0/emboss/getorf -sequence GENE BANK_INPUT_FILE
```

```
EMBOSS-6.6.0/emboss/patmatmotifs FASTA_INPUT_FILE
```