

Journées annuelles du GT Bioss

(GDR IM – GDR BIM)
1er et 2 juillet 2016

Programme

Vendredi 1er juillet

09h00 - 09h30	Accueil
09h30 - 09h45	Introduction des journées
09h45 - 10h30	Grégory Batt – <i>Predicting long-term effects of apoptosis-inducing drug treatments: coupling signal transduction pathways with stochastic protein turnover models</i>
10h30 - 11h00	Bertrand Miannay – Identification des voies de signalisation impliquées dans le myélome multiple par programmation par contrainte
11h00 - 11h30	Arnaud Bonnaïffoux – Toward a dynamic multi-scale/level approach for gene regulatory network inference
11h30 - 12h00	Nicolas Schabanel – Folding Turing is hard but feasible
12h00 - 13h30	Pause déjeuner
13h30 - 14h15	Marie-France Sagot – <i>Species interactions from a metabolism perspective</i>
14h15 - 14h45	Nils Giordano – Dynamical allocation of cellular resources as an optimal control problem
14h45 - 15h15	Victorien Delannée – A modeling approach to evaluate the balance between bioactivation and detoxification of MeIQx in human hepatocytes
15h15 - 15h45	Discussion Bioss / GDR
15h45 - 16h15	Pause
16h15 - 16h45	Hugues Berry – Estimating the effects of spatial non-homogeneities in intracellular diffusion-reactions
16h45 - 17h15	Dan Goreac – Hybrid designing using stochastic backward equations
17h15 - 17h45	Guillaume Madelaine – Structural simplifications of reaction networks: the confluence problem
17h45 - 18h15	Ferdinanda Camporesi – Context-sensitive flow analyses: a hierarchy of model reductions

Samedi 2 juillet

09h00 - 09h45	Marcelline Kaufman – <i>On multistationarity in chemical reaction networks</i>
09h45 - 10h15	Kévin Perrot – On the flora of asynchronous locally non-monotonic Boolean networks
10h15 - 10h45	Élisabeth Remy – Discrete dynamics of compound regulatory circuits
10h45 - 11h00	Pause
11h00 - 11h30	Loïc Paulevé – Around reachability in automata networks
11h30 - 12h00	Emna Ben Abdallah – Inference of biological regulatory networks from time series data
12h00 - 12h30	Adrien Richard – Points fixes dans les réseaux booléens monotones

Participants inscrits

Jalouli	ACHREF		Université de Limoges
Émilie	ALLART	CRISTAL	Université de Lille
Adel Amar	AMOURI	Dpt. de biologie	Université d'Oran
Emna	BEN ABDALLAH	IRCCyN	École centrale de Nantes
Adrien	BASSO-BLANDIN	LIP	ENS-Lyon
Grégory	BATT	Lifeware	INRIA Saclay
Guillaume	BEAUMONT	IPS2	Université Paris Sud
Emmanuelle	BECKER	IRSET	Université de Rennes
Hugues	BERRY	Beagle	INRIA Lyon
Arnaud	BONNAFFOUX	LBMC	ENS-Lyon
Ferdinanda	CAMPORESI	DIENS	ENS
Thomas	COKELAER	Biomics	Institut Pasteur
Victorien	DELANNÉE	IRISA	Université de Rennes
Ronan	DUCHESNE	LBMC	ENS-Lyon
Maxime	FOLSCHETTE	I3S	Université de Nice - Sophia Antipolis
Enrico	FORMENTI	I3S	Université de Nice - Sophia Antipolis
Olivier	GANDRILLON	LBMC	CNRS Lyon
Nils	GIORDANO	IBIS	INRIA Grenoble
Dan	GOREAC	LAMA	Université Paris-Est Marne-la-Vallée
Carito	GUZIOLOWSKI	IRCCyN	École centrale de Nantes
Pierre	GUILLON	I2M	CNRS Marseille
Russ	HARMER	LIP	ENS-Lyon
Ulysse	HERBACH	LBMC	ENS-Lyon
Marcelline	KAUFMAN	Dpt. de chimie physique et biologie théorique	Université libre de Bruxelles
Cédric	LHOSSAINE	CRISTAL	Université de Lille
Guillaume	MADELAINE	CRISTAL	Université de Lille
Bertrand	MIANNAY	IRCCyN	École centrale de Nantes
Jean-Michel	MULLER	LIP	CNRS Lyon
Loïc	PAULEVÉ	LRI	CNRS Orsay
Kévin	PERROT	LIF	Université d'Aix-Marseille
Sylvain	PRIGENT	Sysbio	Université de Chalmers
Élisabeth	REMY	I2M	CNRS Marseille
Adrien	RICHARD	I3S	CNRS Nice - Sophia Antipolis
Marie-France	SAGOT	ERABLE	INRIA Lyon
Nicolas	SCHABANEL	IRIF	CNRS Paris
Sylvain	SENÉ	LIF	Université d'Aix-Marseille
Anne	SIEGEL	IRISA	CNRS Rennes
Laurent	TRILLING	TIMC-IMAG	Université de Grenoble
Jean-Yves	TROSSET	BIRL	SupBioTech