cma-week2

Yves Gubelmann

30 4 2021

Task 0: Datenimport

In diesem Task werden die csv-Daten eingelesen und mit den Koordinaten E und N versehen:

```
## Import csv
wildschwein_BE <- read_delim("00_Rawdata/wildschwein_BE_2056.csv",",") # adjust path
wildschwein_BE <- st_as_sf(wildschwein_BE, coords = c("E", "N"), crs = 2056, remove = FALSE)</pre>
```

Task 1: Eine Übersicht verschaffen

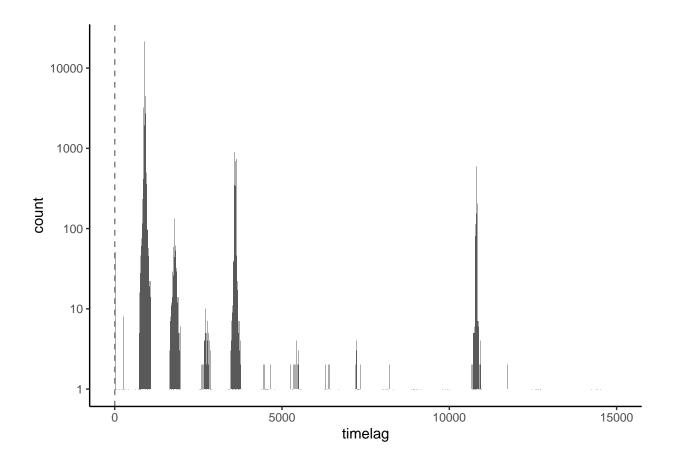
Im Task 1 werden die Daten nach Wildschwein gruppiert und die Zeitdifferenz zwischen den Samples berechnet. Weiter werden folgende Fragen beantwortet:

• Wieviele Individuuen wurden beprobt? drei, nämlich:

```
n_boars <- as.factor(wildschwein_BE$TierName)
summary(n_boars)</pre>
```

```
## Rosa Ruth Sabi
## 14364 14136 22746
```

- Für wie lange wurden die Wildschweine beprobt? Die Wildschweine wurden vom 2014-08-22 21:00:12 bis 2015-07-27 11:00:14 beprobt. Die Daten wurden mehrheitlich gleichzeitig erhoben.
- Was ist der zeitliche Intervall zwischen zwei Lokationen? Der durchschnittliche Intervall beträgt 1408 Sekunden. In einem Histofgram dargestellt:



Task 2: Herleiten von Bewegungsparameter (Speed)

In Task 2 wird mit Piping grundlegende Bewegungsparameter berechnet. Mit der euklidischen Distanz werden aus zwei Lokationen die Schrittlänge *steplength* berechnet. Anschliessend wird diese durch den Zeitschritt *timelag* geteilt um die Geschwindigkeit zu berechnen.

Task 3: Cross-scale Bewegungsanalyse

Mit einem neuen Dataset, welches nur ein Wildschwein enthält, werden Cross-scale Bewegungsanalysen durchgeführt. Mit den Funktionen *slice* und *seq* werden fix definierte Abschnitte herausextrahiert. Mit den extrahierten Daten werden die identischen Parameter aus Task 2 berechnet und mit den Orginaldaten verglichen.

```
mutate(timelag = as.integer(difftime(lead(DatetimeUTC), DatetimeUTC, units = "secs"))) %>%
  mutate(steplength = sqrt(((E-lead(E,1))^2+(N-lead(N,1))^2))) \%
  mutate(speed = steplength/timelag)
caro_3 <- caro %>%
  slice(seq(1, nrow(caro), by = 3)) %>%
  mutate(timelag = as.integer(difftime(lead(DatetimeUTC), DatetimeUTC, units = "secs"))) %>%
  mutate(steplength = sqrt(((E-lead(E,1))^2+(N-lead(N,1))^2))) \%
  mutate(speed = steplength/timelag)
caro_6 <- caro %>%
  slice(seq(1, nrow(caro), by = 6)) %>%
  mutate(timelag = as.integer(difftime(lead(DatetimeUTC), DatetimeUTC, units = "secs"))) %>%
  mutate(steplength = sqrt(((E-lead(E,1))^2+(N-lead(N,1))^2))) %>%
  mutate(speed = steplength/timelag)
caro_9 <- caro %>%
  slice(seq(1, nrow(caro), by = 9)) %>%
  mutate(timelag = as.integer(difftime(lead(DatetimeUTC), DatetimeUTC, units = "secs"))) %>%
  mutate(steplength = sqrt(((E-lead(E,1))^2+(N-lead(N,1))^2))) %>%
  mutate(speed = steplength/timelag)
```

Die Datasets werden dadurch erheblich kürzer. Gut erkennbar hier:

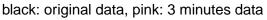
```
# compare the sliced datasets
nrow(caro_0)
nrow(caro_3)
nrow(caro_6)
nrow(caro_9)

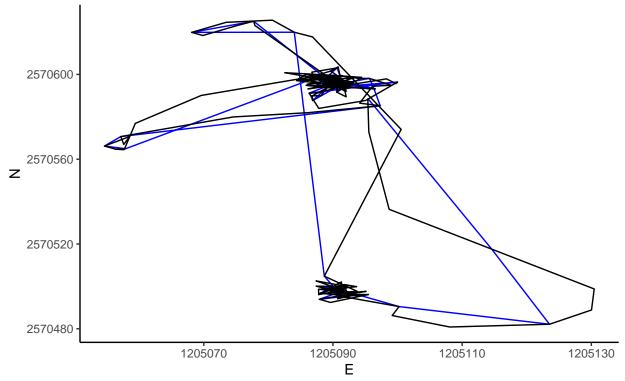
## [1] 200
## [1] 67
## [1] 34
## [1] 23
```

In einem Plot sind die Unterschiede zwischen den orginalen und den extrahierten Daten gut ersichtlich:

```
# compare 9 minutes data to original
p4 <- ggplot() +
  geom_path(data = caro_9, aes(x=E,y=N), colour = "blue") +
  geom_path(data = caro_0, aes(x=E,y=N), colour = "black") +
  labs(title = "Comparing original- with 3 minutes-resampled data",
        subtitle = "black: original data, pink: 3 minutes data") +
  theme_classic()</pre>
```

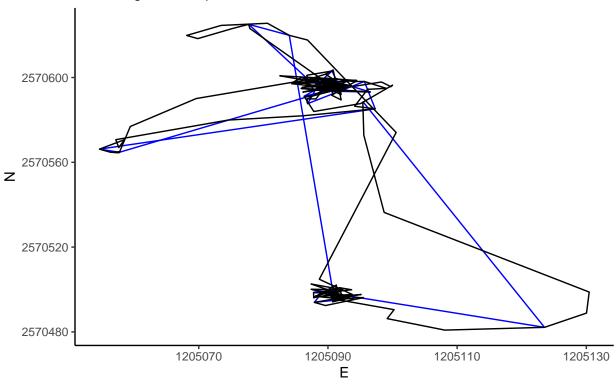
Comparing original— with 3 minutes—resampled data





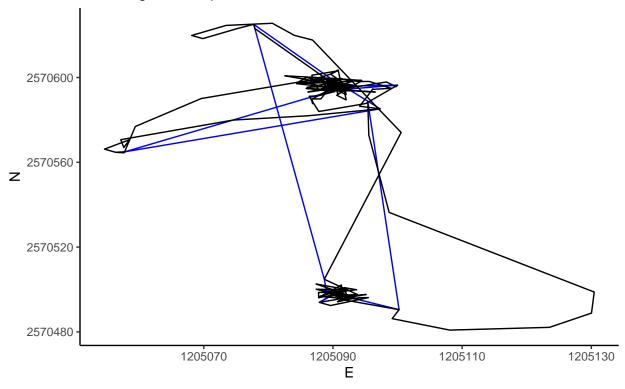
Comparing original- with 3 minutes-resampled data

black: original data, pink: 3 minutes data



Comparing original- with 3 minutes-resampled data

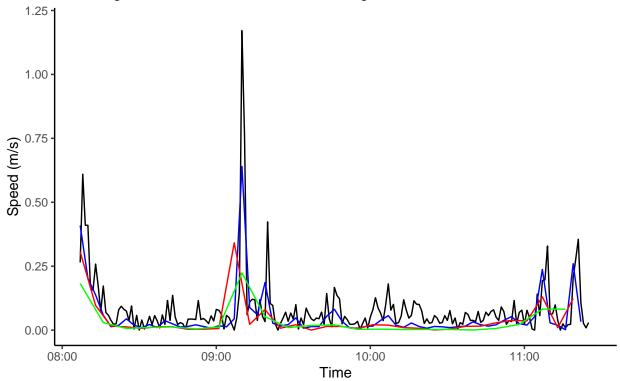
black: original data, pink: 3 minutes data



Weiter können Unterschiede in den berechneten Geschwindigkeiten festgestellt werden:

Comparing derived speed at different sampling intervals

black: original, blue: 3 minutes, red: 6 minutes, green: 9 minutes



 $$\operatorname{Task}\ 4$$ Comparing derived speed at different sampling intervals

