

CLUSTAL multiple sequence alignment by MUSCLE (3.8)

NM_000518.5 example1	ACATTTGCTTCTGACACAACCTGTGTTCACTAGCAACCTCAAACAGACACCATGGGTGCATC -----ATGGTGCATC *****
NM_000518.5 example1	TGACTCCTGAGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG TGACTCCTGTGGAGAAGTCTGCCGTTACTGCCCTGTGGGGCAAGGTGAACGTGGATGAAG *****
NM_000518.5 example1	TTGGTGGTGAGGCCCTGGGCAGGCTGCTGGTGGTCTACCCTTGGACCCAGAGGTTCTTTG TTGGTGGTGAGGCCCTGGGCAGGCTGCTGGTGGTCTACCCTTGGACCCAGAGGTTCTTTG *****
NM_000518.5 example1	AGTCCTTTGGGGATCTGTCCACTCCTGATGCTGTTATGGGCAACCCTAAGGTGAAGGCTC AGTCCTTTGGGGATCTGTCCACTCCTGATGCAGTTATGGGCAACCCTAAGGTGAAGGCTC *****
NM_000518.5 example1	ATGGCAAGAAAGTGCTCGGTGCCTTTAGTGATGGCCTGGCTCACCTGGACAACCTCAAGG ATGGCAAGAAAGTGCTCGGTGCCTTTAGTGATGGCCTGGCTCACCTGGACAACCTCAAGG *****
NM_000518.5 example1	GCACCTTTGCCACACTGAGTGAGCTGCACTGTGACAAGCTGCACGTGGATCCTGAGAACT GCACCTTTGCCACACTGAGTGAGCTGCACTGTGACAAGCTGCACGTGGATCCTGAGAACT *****
NM_000518.5 example1	TCAGGCTCCTGGGCAACGTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCCATCACTTTGGCAAAGAATTCA TCAGGCTCCTGGGCAACGTGCTGGTCTGTGTGCTGGCCCATCACTTTGGCAAAGAATTCA *****
NM_000518.5 example1	CCCCACCAGTGCAGGCTGCCTATCAGAAAGTGGTGGCTGGTGTGGCTAATGCCCTGGCCC CCCCACCAGTGCAGGCTGCCTATCAGAAAGTGGTGGCTGGTGTGGCTAATGCCCTGGCCC *****
NM_000518.5 example1	ACAAGTATCACTAAGCTCGCTTTCTTGCTGTCCAATTTCTATTAAAGGTTCCTTTGTGCC ACAAGTATCACTAAGCTCGCTTTCTTGCTGTCCAATTT----- *****
NM_000518.5 example1	CTAAGTCCAACACTACTAAACTGGGGGATATTATGAAGGGCCTTGAGCATCTGGATTCTGCC -----
NM_000518.5 example1	TAATAAAAAACATTTATTTTCATTGCAA -----