

# Relatório 1º projecto ASA 2021/2022

**Grupo:** al030

**Aluno(s):** Guilherme Almeida Patrão (99230) e Inês Ye Ji (99238)

---

## Descrição do Problema e da Solução

Sendo P1: Tamanho máximo das subsequências estritamente crescentes de uma sequência e o número existente delas e P2: Tamanho máximo das subsequências comuns estritamente crescentes de duas sequências, as nossas soluções para ambos foram através da aplicação de algoritmos que recorrem ao uso de DP (programação dinâmica) e ao uso de tabelas para guardar os valores durante as iterações.

## Análise Teórica

Na leitura de dados, utilizamos o `std::getline()` para ler o input. Depois, procedemos à transformação da string de input em ints ( $O(n)$ ), adicionando-os ao vetor da sequência correspondente (tempo de inserção nas estruturas  $O(1)$ ). No caso do problema 2 comparamos entre os elementos das sequências 1 e 2 de modo a que a sequência 2 apenas tenha elementos que existem na 1 (utilizou-se `std::unordered_map` com tempo de procura  $O(1)$  na maioria dos casos,  $O(n)$  na pior das hipóteses). Logo, a complexidade é  $O(n)$ .

No problema 1 temos as seguintes tabelas: uma tabela para o tamanho com tamanho  $N \times N$  e uma para o nº de subsequências (counter) de  $1 \times N$  (inicializadas a 1,  $N = \text{nº de elementos da sequência}$ ,  $j$  refere-se ao número da linha,  $i$  ao da coluna). Na 1ª tabela, preenche-se de linha a linha e o número de colunas que é preenchido por linha é de 1 a  $n-1$  (começando na 2ª linha), pois são a quantidade de números a que o número da respetiva linha é comparado. Preenche-se da esquerda para a direita, e caso se verifique que o elemento anterior na sequência (ou seja na linha anterior) é menor que o elemento que estamos agora a avaliar e menor que o maior número existente na subsequência de maior tamanho, então podemos diretamente preencher na última coluna dessa linha o tamanho máximo daquele momento + 1 e o counter continua com o valor do índice anterior. Caso contrário, comparamos o número da linha com cada um da coluna que vem antes deste na sequência e se este for menor e se o último valor preenchido da linha com igual número à da coluna a ser comparada  $[i]$  for igual ou maior que o valor a preencher  $[j]$ , então o valor de  $[j]$  é substituído pelo valor  $[i] + 1$  e o counter do número  $[j]$  é substituído pelo do  $[i]$ . Caso o último valor preenchido  $[i] + 1$  seja igual a  $[j]$ , então estamos num caso em que há mais que uma sequência desse tamanho, logo adiciona-se ao counter desse número  $[j]$  o do número a que se comparou  $[i]$ .

O maior tamanho é o maior valor dos últimos valores preenchidos por linha (valores na diagonal a partir da segunda linha) e o maior número de tais subsequências é a soma de todos os counters cujos números a que pertencem são também os números que indicam a subsequência de maior tamanho. Para

# Relatório 1º projecto ASA 2021/2022

**Grupo:** al030

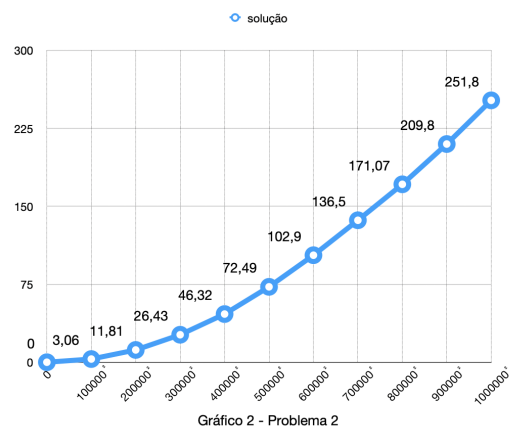
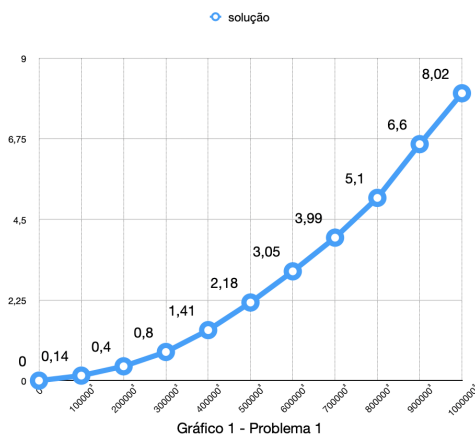
**Aluno(s):** Guilherme Almeida Patrão (99230) e Inês Ye Ji (99238)

calcular o valor de cada célula, a complexidade é  $O(1)$ . Logo, a complexidade é  $\Omega(n)$  ( $\Omega(n) * \Omega(1)$ ) (sequência estritamente crescente) e  $O(n^2)$  ( $O(n^2) * O(1)$ ) (maior parte dos casos).

A tabela do problema 2 é de tamanho  $N \times M$  ( $N$  = nº de elementos da sequência 1 e linhas da tabela;  $M$  = nº de elementos da sequência 2 e colunas da tabela). Preenche-se a tabela de linha a linha (inicializada a 0), se  $N = M$  e o valor do length (tamanho atual, inicializa-se a 0 sempre que se muda de linha) for igual ou maior que o número a preencher, então é preenchido com length + 1, isto é, encontrou-se um número em comum crescente. Caso  $N > M$ , e o length for menor que o número a preencher, então o length é atualizado para esse valor. Este algoritmo apenas guarda a última linha da tabela, pois cada linha corresponde a uma iteração do  $j$ . Assim, podemos concluir o resultado através do maior número na última linha da tabela. Para percorrer a tabela, a complexidade é  $O(N \times M)$  e para calcular cada célula é  $O(1)$ . Logo, podemos concluir que a complexidade geral do algoritmo é  $O(N \times M)$ .

## Avaliação Experimental dos Resultados

Foram realizados 10 testes, em que a cada teste incrementou-se o tamanho das sequências do input por 100 mil (de 100 mil até 1 milhão). Este foi realizado através do gerador de instâncias fornecido (ex: `./random_k 1 10 0.99 1000000` (problema 1) e `./random_k 2 10 0.99 1000000 1000000` (problema 2)). Os gráficos traduzem a duração em segundos (YYs) de execução do algoritmo do problema 1 e 2 para uma sequência com  $X$  nº de elementos (XXs).



A partir do gráfico 1 podemos verificar que o algoritmo utilizado é de complexidade  $O(n^2)$  pois a curva é metade de uma função quadrática. No gráfico 2 observamos que a curva é parecida a uma função quadrática mas não o chega a ser pois a complexidade do algoritmo é  $O(nm)$  e  $m$  nem sempre é do mesmo tamanho que  $n$  (devido ao pré-processamento do input).

# Relatório 1º projecto ASA 2021/2022

**Grupo:** al030

**Aluno(s):** Guilherme Almeida Patrão (99230) e Inês Ye Ji (99238)

---

**Referências:** <https://youtu.be/fV-TF4OvZpk> /  
<https://iq.opengenus.org/longest-common-increasing-subsequence/> / Notas do professor.