# TP1

```
In [1]:
```

```
import numpy as np
import seaborn as sns
import matplotlib.pyplot as plt
import scipy.stats as st
```

# **Ejercicio 1**

```
In [2]:
```

```
MOD = 2**32.0

MULT = 1013904223

INC = 1664525
```

#### In [3]:

```
def gcl( seed, size=10, normalized=False ):
    results = []
    xn = seed
    for i in range(size):
        xn = (((MULT*xn) + INC) % MOD)
        results.append(xn)

    return results if not normalized else [ res/MOD for res in results ]
```

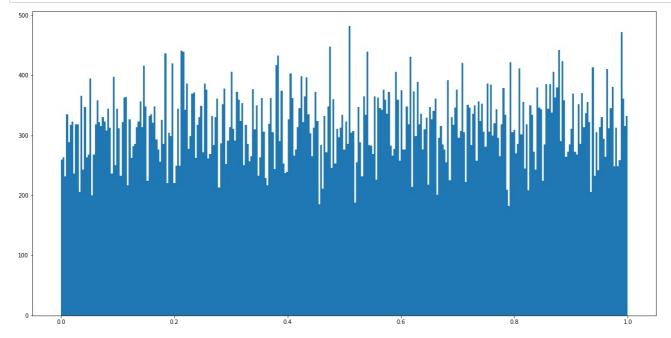
#### In [4]:

```
# (97980 + 98178 + 98070 + 100856) / 4 = 98771
numbers = gcl( 98771 )
for i,n in enumerate(numbers, 1):
    print("i={}: {}".format(i, n))
```

```
i=1: 2878200922.0
i=2: 412326400.0
i=3: 1712163840.0
i=4: 3808713216.0
i=5: 203738112.0
i=6: 392501760.0
i=7: 3528199168.0
i=8: 1639307776.0
i=9: 2357414912.0
i=10: 1844877824.0
```

#### In [5]:

```
numbers = gcl( 98771, size=100000, normalized=True)
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
ax.hist(numbers, bins=317)
plt.show()
```



# **Ejercicio 2**

#### In [6]:

```
from scipy.stats import expon
```

a. Uso la distribución exponencial de scipy para graficar la densidad de probabilidad.

```
In [7]:
```

```
f = []
```

#### In [8]:

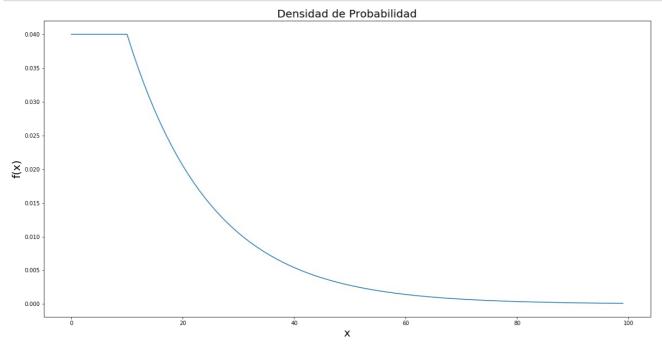
```
for t in range(10):
    f.append(1.0/25.0)
```

#### In [9]:

```
for t in range(10,100):
    f.append(3.0/5.0*expon.pdf(t,loc=10,scale=15))
```

#### In [10]:

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
ax.plot(f)
ax.set_title("Densidad de Probabilidad",fontsize=20)
ax.set_xlabel("x",fontsize=20)
ax.set_ylabel("f(x)",fontsize=20)
plt.show()
```



b. Para graficar la distribución de probabilidad, uso la función cdf provista por scipy.

```
In [11]:
```

```
F = []
```

#### In [12]:

```
for t in range(10):
    F.append(1.0/25.0*t)
```

## In [13]:

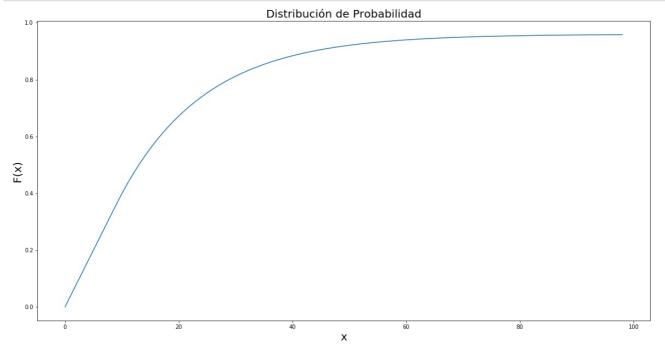
```
last = F[-1]
```

## In [14]:

```
for t in range(11,100):
    F.append(3.0/5.0*expon.cdf(t,loc=10,scale=15) + last)
```

#### In [15]:

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
ax.plot(F)
ax.set_title("Distribución de Probabilidad",fontsize=20)
ax.set_xlabel("x",fontsize=20)
ax.set_ylabel("F(x)",fontsize=20)
plt.show()
```



Inversa - el máximo teórico para la primer parte de la distribución es 0.4, por lo que a partir de este punto se diferencia el input.

#### In [16]:

```
def inverse(u):
    if u <= 0.4:
        return u*25
    else:
        return 5/3*expon.ppf(u,scale=15)</pre>
```

## In [17]:

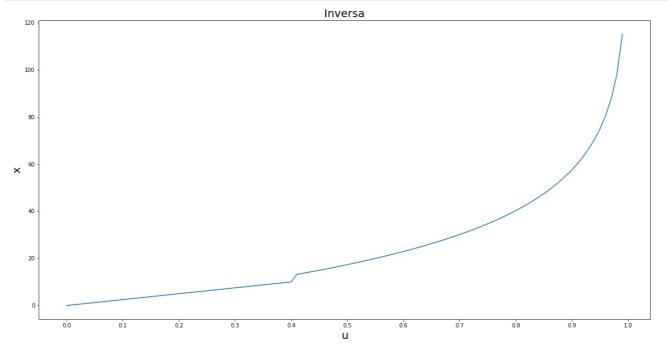
```
i = []
```

## In [18]:

```
for u in range(0,100):
    i.append(inverse(u/100))
```

#### In [19]:

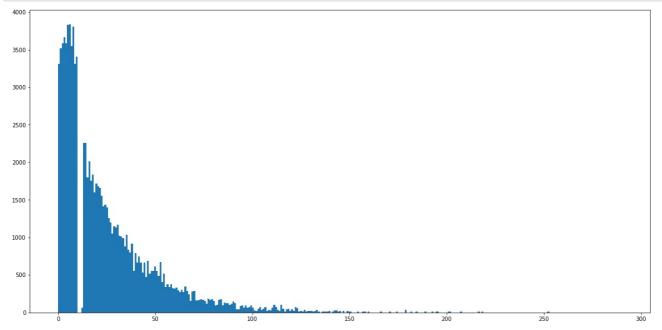
```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
ax.plot(i)
ax.set_title("Inversa",fontsize=20)
ax.set_xlabel("u",fontsize=20)
ax.set_ylabel("x",fontsize=20)
ax.set_xticklabels([x/100 for x in range(0,101,10)])
ax.set_xticks(range(0,101,10))
plt.show()
```



c y d, grafico la inversa usando el generador del ejercicio 1.

## In [20]:

```
numbers = [inverse(u) for u in gcl( 98771, size=100000, normalized=True)]
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
ax.hist(numbers, bins=317)
plt.show()
```



```
In [21]:
```

```
def p(x):
    return st.norm.pdf( x, loc=15, scale=3 )

def q(x):
    return st.expon.pdf( x, scale=50 )
```

#### In [22]:

```
x = np.arange(0,40)

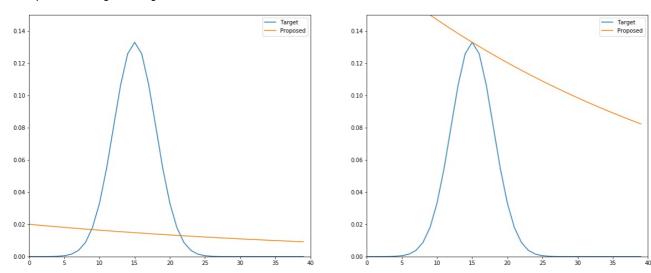
k = max(p(x) / q(x))
```

#### In [23]:

```
fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(1,2, figsize=(20,8))
ax1.plot(x, p(x), label='Target')
ax1.plot(x, q(x), label='Proposed')
ax1.set_ylim((0,0.150)); ax1.set_xlim((0,40))
ax2.plot(x, p(x), label='Target')
ax2.plot(x, k*q(x), label='Proposed')
ax2.set_ylim((0,0.150)); ax2.set_xlim((0,40))
ax1.legend(); ax2.legend()
```

#### Out[23]:

<matplotlib.legend.Legend at 0x7fccc6bffc88>



A la izquierda se observa en naranja la distribución propuesta. Como no cubre por completo a la distribución objetivo, multiplicamos por el valor 'k' para que esta cubra por completo a la distribución objetivo (derecha). Luego buscamos valores distribuidos uniformemente entre 0 y la distribución propuesta multiplicada por el valor 'k'. Si aquel valor es menor a la distribución objetivo nos quedamos con aquellos valores y luego ploteamos el histograma.

#### In [24]:

```
def accept_reject_method(iter = 100000):
    samples = []

for i in range(iter):
    z = np.random.exponential(50)
    u = np.random.uniform(0, k*q(z))

    if u < p(z):
        samples.append(z)

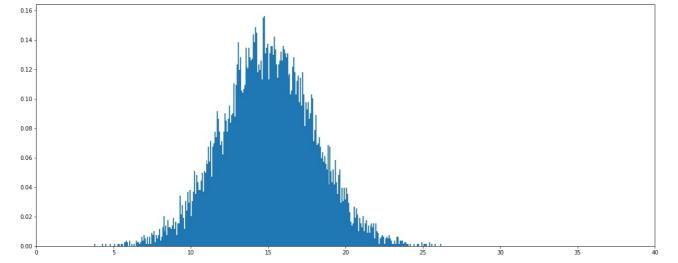
return np.array(samples)</pre>
```

#### In [25]:

```
s = accept_reject_method()
```

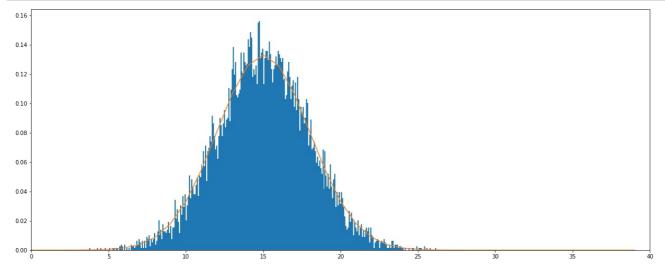
```
In [26]:
```

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,8))
ax.hist( s, bins=317, density=True )
ax.set_xlim((0,40))
plt.show()
```



### In [27]:

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,8))
ax.hist( s, bins=317, density=True )
ax.plot( x, p(x))
ax.set_xlim((0,40))
plt.show()
```



#### In [28]:

```
print("La media de la distribucion obtenida es: {} y la varianza: {}".format(s.mean(), s.var()))
```

La media de la distribucion obtenida es: 14.99780216363422 y la varianza: 8.868469683121246

Los valores de la media y la varianza son prácticamente iguales a los teoricos.

#### In [29]:

```
print("Factor de rendimiento del metodo: {}".format( len(s)/100000))
```

Factor de rendimiento del metodo: 0.11129

# **Ejercicio 4**

#### In [30]:

```
from scipy.ndimage.interpolation import rotate
import math
```

```
In [31]:

def rotate(origin, point, angle):
    Rotate a point counterclockwise by a given angle around a given origin.

    The angle should be given in radians.
    Ox, oy = origin
    px, py = point

    qx = ox + math.cos(angle) * (px - ox) - math.sin(angle) * (py - oy)
    qy = oy + math.sin(angle) * (px - ox) + math.cos(angle) * (py - oy)
    return qx, qy

In [32]:
points = 1000
In [33]:
```

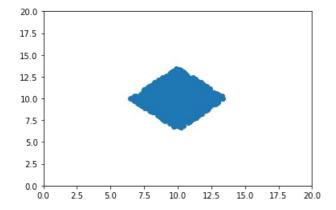
```
xs = np.random.uniform(low=0, high=1, size=(points))*5 + 7.5
ys = np.random.uniform(low=0, high=1, size=(points))*5 + 7.5
```

#### In [34]:

```
l = []
for i in range(points):
    l.append(rotate((10,10),(xs[i],ys[i]),math.radians(45)))
```

#### In [35]:

```
fig,ax = plt.subplots()
ax.scatter([x[0] for x in l],[x[1] for x in l])
ax.set_xlim((0,20))
ax.set_ylim((0,20))
plt.show()
```



```
In [36]:
```

```
from scipy.stats import norm
```

```
In [37]:
```

```
def box_muller(u1,u2):
    z1 = np.sqrt(-2*np.log(u1))*np.cos(2*np.pi*u2)
    z2 = np.sqrt(-2*np.log(u1))*np.sin(2*np.pi*u2)
    return z1,z2
```

```
In [38]:
```

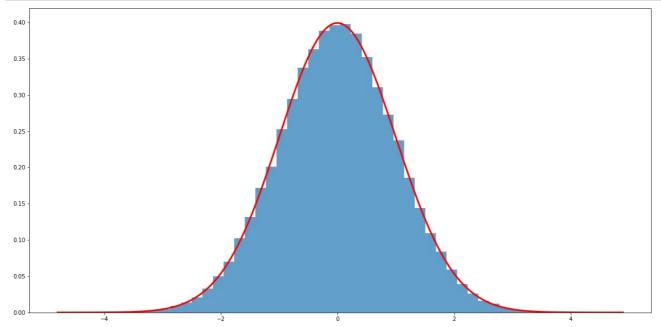
```
us = np.random.uniform(0,1,(100000,2))
```

```
In [39]:
```

```
z1 = []
z2 = []
for u1, u2 in us:
    zs = box_muller(u1,u2)
    z1.append(zs[0])
    z2.append(zs[1])
```

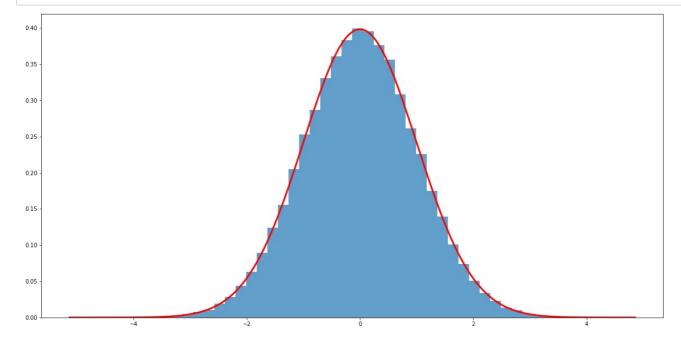
#### In [40]:

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
sns.distplot(z1,fit=norm,kde=False,fit_kws={"color": "r", "lw": 3, "label": "normal"},hist_kws={"alpha": 0.7
})
plt.show()
```



#### In [41]:

```
fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))
sns.distplot(z2,fit=norm,kde=False,fit_kws={"color": "r", "lw": 3, "label": "normal"},hist_kws={"alpha": 0.7
})
plt.show()
```



## In [42]:

```
print("media de z1: %.2f, varianza de z1: %.2f" % (np.mean(z1),np.var(z1)))
```

media de z1: -0.00, varianza de z1: 1.00

```
In [43]:
print("media de z2: %2f, varianza de z2: %2f" % (np.mean(z1),np.var(z1)))
```

media de z2: -0.001119, varianza de z2: 0.997715

# **Ejercicio 6**

```
In [44]:
```

```
values=gcl(98771,size=100000,normalized=True)
```

#### In [45]:

```
#DEFINO LA F^-1 de la consigna

def FdistInversa(categoria):
    categoria=[0,0,0,0]
    for number in values:
        if number<0.1:
            categoria[0]+=1.0
        elif number>=0.1 and number<0.6:
            categoria[1]+=1.0
        elif number>=0.6 and number<0.9:
            categoria[2]+=1.0
        elif number>=0.9:
            categoria[3]+=1.0
    return categoria

categoria=FdistInversa(values)

print(categoria)
```

[9512.0, 50100.0, 30309.0, 10079.0]

#### In [46]:

```
import matplotlib.pyplot as plt

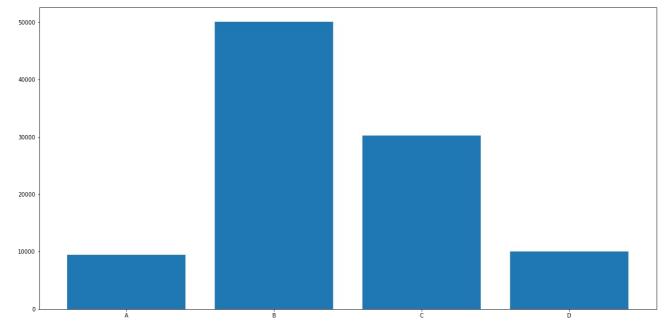
data = {'A': categoria[0], 'B': categoria[1], 'C': categoria[2], 'D': categoria[3]}

names = list(data.keys())

values = list(data.values())

fig, ax = plt.subplots(figsize=(20,10))

plt.bar(names, values)
plt.show()
```



```
In [47]:
```

```
valores=100000
print('Categoria\tCantidad Total\t Cantidad Porcentual obtenida\t Cantidad porcentual esperada')
print('A: \t\t' + str(categoria[0]) + '\t\t' + str(categoria[0]/valores) + '%\t\t\t' + '0.1%')
print('D: \t\t' + str(categoria[1]) + '\t\t' + str(categoria[1]/valores) + '%\t\t\t' + '0.5%')
print('C: \t\t' + str(categoria[2]) + '\t\t' + str(categoria[2]/valores) + '%\t\t\t' + '0.3%')
print('D: \t\t' + str(categoria[3]) + '\t\t' + str(categoria[3]/valores) + '%\t\t\t' + '0.1%')
```

```
Cantidad Total Cantidad Porcentual obtenida
                                                                  Cantidad porcentual esperada
                9512.0
                                0 09512%
                                                                  0.1%
Α:
D:
                50100.0
                                0.501%
                                                                  0.5%
C:
                30309.0
                                0.30309%
                                                                  0.3%
D:
                10079.0
                                0.10079%
                                                                  0.1%
```

# **Ejercicio 7**

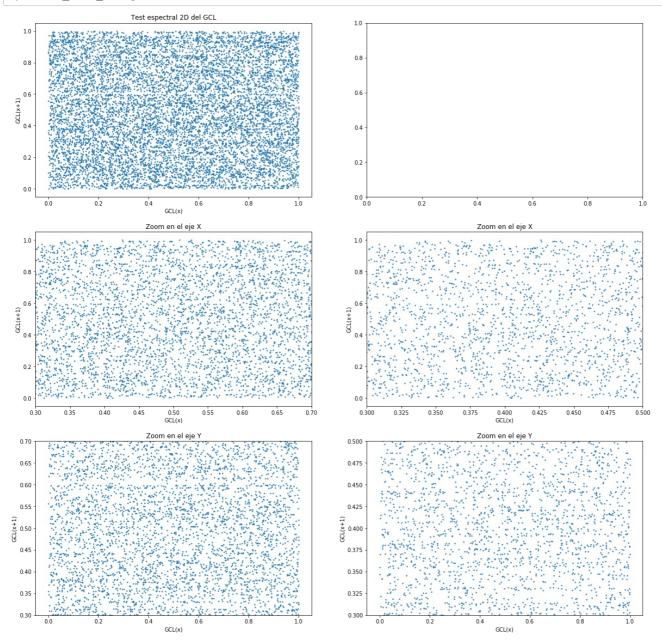
```
In [48]:
```

```
import numpy as np
from matplotlib import pyplot as plt
import seaborn as sns
```

## In [49]:

```
def spectral_test_2d( lcg, seed=98771 ):
    Given a linear congruent generator lcg,
    obtain a 2D scatter plot where: for each
   point(x, y),
     -x = lcg(i)
     -y = lgc(i+1)
   # generate samples
   samples = 10000
                    size=samples, normalized=True )
   x = lcg(seed,
   y = lcg( seed+1, size=samples, normalized=True )
   # plot results
   fig, axes = plt.subplots(3, 2, figsize=(20, 20))
   ax = axes.flatten()
   ax[0].set_title( 'Test espectral 2D del GCL' )
   ax[0].set_xlabel( 'GCL(x)' )
   ax[0].set ylabel( 'GCL(x+1)' )
   ax[0].scatter(x=x, y=y, s=2)
   ax[2].set title( 'Zoom en el eje X' )
   ax[2].set_xlabel( 'GCL(x)' )
   ax[2].set_ylabel( 'GCL(x+1)' )
   ax[2].set_xlim(xmin=0.3,xmax=.7)
   ax[2].scatter(x=x, y=y, s=2)
   ax[3].set_title( 'Zoom en el eje X' )
   ax[3].set xlabel( 'GCL(x)' )
   ax[3].set ylabel( 'GCL(x+1)' )
   ax[3].set xlim(xmin=0.3,xmax=.5)
   ax[3].scatter(x=x, y=y, s=2)
   ax[4].set_title( 'Zoom en el eje Y' )
   ax[4].set_xlabel( 'GCL(x)' )
   ax[4].set_ylabel( 'GCL(x+1)' )
   ax[4].set_ylim(ymin=0.3,ymax=.7)
   ax[4].scatter(x=x, y=y, s=2)
   ax[5].set title( 'Zoom en el eje Y' )
   ax[5].set xlabel( 'GCL(x)' )
   ax[5].set_ylabel( 'GCL(x+1)' )
   ax[5].set_ylim(ymin=0.3,ymax=.5)
   ax[5].scatter(x=x, y=y, s=2)
   plt.show()
```

spectral\_test\_2d( gcl )



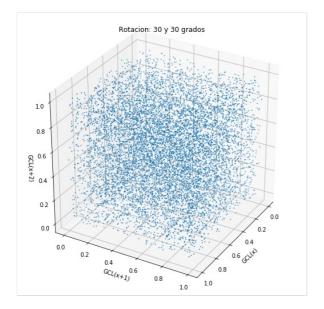
Realizando varios acercamientos en ambas dimensiones, no se observan patrones en los números generados.

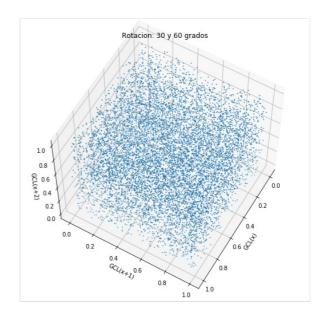
#### In [51]:

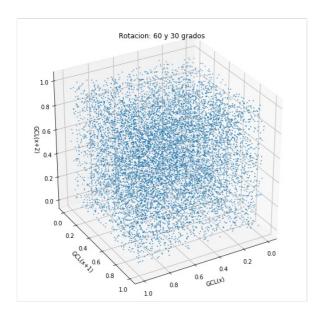
```
from mpl_toolkits import mplot3d
def spectral_test_3d( lcg, seed=98771 ):
    Given a linear congruent generator lcg,
    obtain a 3D scatter plot where: for each
    point (x, y, z),
      -x = lcg(i)
      -y = lgc(i+1)
    -z = lcg(i+2)
    fig = plt.figure( figsize=( 20, 20 ) )
    # generate samples
    samples = 10000
    y = lcg( seed+1, size=samples, normalized=True )
z = lcg( seed+2, size=samples, normalized=True )
    # plot results at 30, 40 and 60 degrees
    fignum = 1
    for angle in [30, 60]:
        for elev in [30, 60]:
            ax = fig.add_subplot( 2, 2, fignum, projection='3d' )
            ax.set_title( 'Rotacion: {} y {} grados'.format( angle, elev ) )
            ax.scatter(x, y, z, s=1)
            ax.set_xlabel( 'GCL(x)' )
            ax.set_ylabel( 'GCL(x+1)' )
ax.set_zlabel( 'GCL(x+2)' )
            ax.view_init( elev=elev, azim=angle )
            fignum += 1
    plt.show()
```

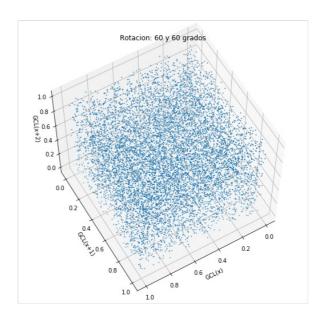
### In [52]:

```
spectral_test_3d( gcl )
```









Luego de rotar el diagrama de dispersión en 3 dimensiones, no se observa ningún patrón en la secuencia generada a partir de números consecutivos.

# **Ejercicio 8**

Para este ejercicio se realiza una secuencia de números aleatorios con el GCL.

Luego se recorre la secuencia, midiendo el tamaño de los saltos (gaps) dependendiendo de que el número actual de la secuencia esté entre alpha y beta o no. Este es la distribución observada, que debería asemejarse a una geométrica.

Luego se genera la distribución geometrica esperada. Para esto se realiza el producto de la probabilidad de un determinado tamaño de salto por la cantidad de saltos realizados en el experimento, que se obtiene en el paso anterior, contando el total de saltos encontrados.

Por último se compara las distribuiones con el test de chi cuadrado. Con el p-valor obtenido, se compara con el nivel de significación al que se somete el test y se determina si se acepta o rechaza la hipótesis nula de que la distribucipon observada es una geométrica.

# In [53]:

```
import numpy as np
import scipy
import matplotlib.pyplot as plt
```

```
In [54]:
```

```
def gap_test( lcg, alpha, beta, ns, seed=98771 ):
    1. Generate random numbers in [0,1] with the given lcg
    2. Obtain frecuencies of every observed gap
    3. Compare the observed distribution with a Geometric distribution
    4. Return True if lcg passes the gap test, False otherwise
    samples = 100000
    samples = lcg( seed, size=samples, normalized=True )
    gaps = \{\}
    gap_size = 0
    for u in samples:
        if u < alpha or beta < u:</pre>
            gap size += 1
        else:
            if gap_size not in gaps:
                 gaps[gap\_size] = 0
             gaps[gap\_size] += 1
            gap\_size = 0
    # fill not seen gaps with 0
    gs = [ i for i in range( max( gaps ) ) ]
    for i in gs:
        if i not in gaps:
            gaps[i] = 0
    # observed distribution
    observed = [gaps[g] for g in gs]
    # probability of success of the geometric distribution
    p_ab = beta - alpha
    # probability of sequence of length x of the geometric distribution
    p = lambda x : p_ab * (1 - p_ab) ** x
    # ammount of gaps observed/generated
    gap samples = sum( [ gaps[i] for i in gaps ] )
    expected = [ 1 + ( gap_samples * p( g ) ) for g in gs ]
    # show histograms
    fig = plt.figure( figsize=( 20, 10 ) )
    x1 = [ i for i in range( len( observed ) ) for j in range( observed[i] ) ]
    x2 = [ i for i in range( len( expected ) ) for j in range( int( expected[i] ) ) ]
plt.hist( [x1,x2], bins=10, label=['Observed', 'Expected'], color=['red', 'blue'] )
    plt.xlabel( 'Gap sizes' )
    plt.ylabel( 'Number of occurrences' )
    plt.legend()
    plt.show()
    # compare distributions
    statistic, p_val = scipy.stats.chisquare( observed, f_exp=expected )
    if p val < ns:</pre>
        return False
    return True
```

#### In [55]:

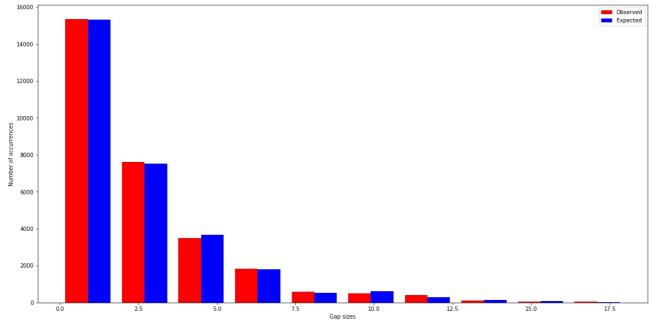
```
alpha = 0.3
beta = 0.6

# significance level
ns = 0.01
if gap_test( gcl, alpha, beta, ns ):
    print( 'El gcl pasa el gap test' )

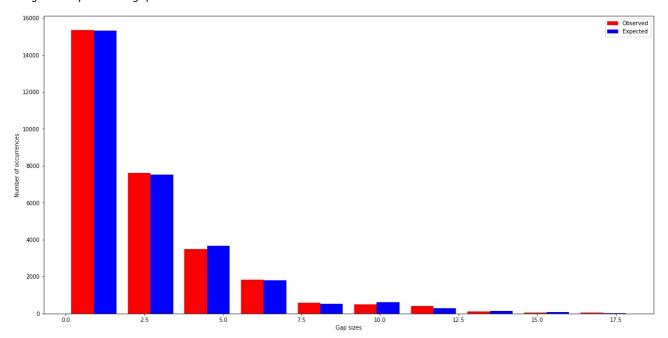
else:
    print( 'El gcl no pasa el gap test' )

ns = 0.05
if gap_test( gcl, alpha, beta, ns ):
    print( 'El gcl pasa el gap test' )

else:
    print( 'El gcl no pasa el gap test' )
```



El gcl no pasa el gap test



El gcl no pasa el gap test

En ambos casos, el p-valor es menor al nivel de significación, por lo que se rechaza la hipótesis de que la distribución observada es una geométrica.

```
In [56]:
print('Los resultados de la distrubucion empirica con la funcion de distribucion del ejercicio 6 son:')
print('A: ' + str(categoria[0]))
print('D: ' + str(categoria[1]))
print('C: ' + str(categoria[2]))
print('D: ' + str(categoria[3]))
Los resultados de la distrubucion empirica con la funcion de distribucion del ejercicio 6 son:
A: 9512.0
D: 50100.0
C: 30309.0
D: 10079.0
In [57]:
from scipy import stats as stats
import matplotlib.mlab as mlab
frecs = categoria
expected values = [0.1*100000, 0.5*100000, 0.3*100000, 0.1*100000]
print('Valores obtenidos: ' + str(frecs))
print('Valores esperados: ' + str(expected values))
(s,p) = stats.chisquare(frecs, expected values)
print('Propongo como H0: La distribucion empirica se corresponde con la teorica')
significance=0.01
if(p > significance):
    print("Acepto H0 con un pvalue de " + str(p) + " con un nivel de significancia de " + str(significance))
else:
    print("Rechazo H0 con un pvalue de " + str(p) + " con un nivel de significancia de " + str(significance)
    (s,p) = stats.chisquare(frecs, expected values)
    significance=0.05
    if(p > significance):
        print("Acepto H0 con un pvalue de " + str(p) + " con un nivel de significancia de " + str(significan
ce))
    else:
        print("Rechazo H0 con un pvalue de " + str(p) + " con un nivel de significancia de " + str(significa
nce))
Valores obtenidos: [9512.0, 50100.0, 30309.0, 10079.0]
Valores esperados: [10000.0, 50000.0, 30000.0, 10000.0]
```

```
Propongo como H0: La distribucion empirica se corresponde con la teorica
Rechazo H0 con un pvalue de 3.959819579385525e-06 con un nivel de significancia de 0.01
Rechazo HO con un pvalue de 3.959819579385525e-06 con un nivel de significancia de 0.05
```

```
In [58]:
```

```
def r(x):
   return st.norm.pdf( x, loc=15, scale=3 )
def q(x):
   return st.expon.pdf( x, scale=50 )
```

#### In [59]:

```
from random import random
import math
import numpy as np

def accept_reject_method(iter = 100000):
    samples = []

for i in range(iter):
    z = np.random.exponential(50)
    u = np.random.uniform(0, k*q(z))

    if u < r(z):
        samples.append(z)

return np.array(samples)</pre>
```

#### In [60]:

```
empirical_values=accept_reject_method(100000)
empirical_values.sort()
```

#### In [61]:

```
(s,p) = stats.kstest(empirical_values, 'norm',args=(15,3))
print('Propongo como H0: Los numeros del generador se distribuyen como una normal de media 15 y desviacion 3
')
significance=0.01
if(p > significance):
    print("Acepto H0 con un pvalue de " + str(p) + " con un nivel de significancia de " + str(significance))
else:
    print("Rechazo H0 con un pvalue de " + str(p)+ " con un nivel de significancia de " + str(significance))
    (s,p) = stats.kstest(accept_reject_method(100000), stats.norm.cdf)
    significance=0.05
    if(p > significance):
        print("Acepto H0 con un pvalue de " + str(p) + "con un nivel de significancia de " + str(significance))
    else:
        print("Rechazo H0 con un pvalue de " + str(p) + "con un nivel de significancia de " + str(significance))
```

Propongo como H0: Los numeros del generador se distribuyen como una normal de media 15 y desvia cion 3 Acepto H0 con un pvalue de 0.5706587788330465 con un nivel de significancia de 0.01