

Informações importantes

- Lançamento de Nota da Aula Interativa: até 1 dia útil após a aula;
- Dúvidas sobre conteúdo e atividades: discussão nos fóruns;
- Prorrogação e 2° oportunidade de entrega de atividades: somente perante a apresentação do atestado médico/óbito de parentes de 1° grau;
- Atividade de reposição: somente da aula interativa;
- Perdeu alguma outra atividade? N\u00e3o se preocupe! Entenda os crit\u00e9rios
 de aprova\u00e7\u00e3o do bootcamp no bot\u00e3o "Ajuda", dispon\u00edvel na plataforma
 Canvas.





Regressão

Métricas de Qualidade para Regressões



- Erro médio absoluto.
- Erro médio quadrático.
- Erro mediano absoluto.
- Coeficiente de Determinação.



Classificação

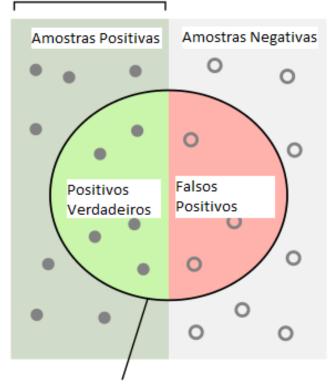
As métricas fundamentais



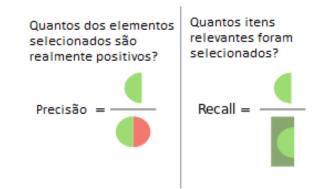
- Acurácia: quantos elementos foram corretamente classificadas.
- Precisão: quantos elementos classificados positivos realmente são positivos.
- Recall: quantos elementos positivos foram percebidos?
- F-Score: Recall e Precisão igualmente importantes!

$$F_1 = 2 \times \frac{precisão * recall}{precisão + recall}$$

elementos relevantes



Elementos selecionados como positivos pelo classificador





Matriz de Confusão



	Positivos	Negativo	
Positivo	Positivos verdadeiros	Falsos Negativos	
Negativo	Falsos Positivos	Negativos verdadeiros	

Separador de frutas – matriz de confusão



- Os resultados: o classificador encontrou 210 maçãs, 255 pêssegos, 285 peras e 250 bananas.
- O que isso quer dizer..? Por enquanto, nada!
- Eis a matriz de confusão:

	Maçã	Pêssego	Pera	Banana
Maçã	150	90	10	0
Pêssego	30	130	80	10
Pera	30	30	180	10
Banana	0	5	15	230



Acurácia!

Maçãs: 840 corretas, 160 erradas 84%

Pêssegos: 755 corretas, 245 erradas 75%

Peras: 825 corretas, 175 erradas 82,5%

Bananas: 960 corretas, 40 erradas 96%



Precisão:

Maçãs: 150 corretas, 210 encontradas: 71.4%

Pêssegos: 130 corretas, 255 encontrados: 51%

Peras: 180 corretas, 285 encontradas: 63%

- Bananas: 230 corretas, 250 encontradas: 92%



Recall:

Maçãs: 150 corretas, 250 no total 60%

Pêssegos: 130 corretas, 250 no total 52%

Peras: 180 corretas, 250 no total **72%**

Bananas: 230 corretas, 250 no total 92%



F-Score:

– Maçãs: 65%

Pêssegos: 51,5%

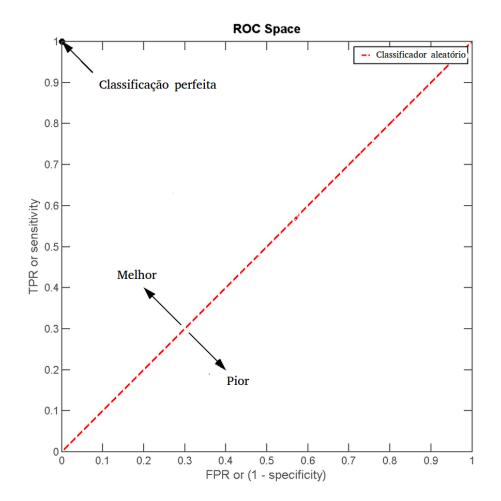
- Peras: **67,2**%

- Bananas: **92%**

Área sob a curva ROC

iGTi

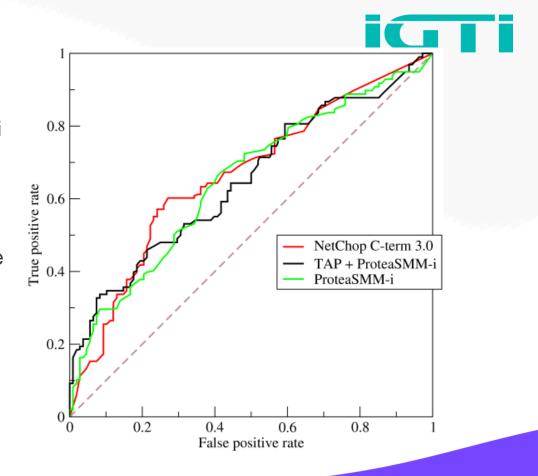
- Taxa de falsos positivos (FPR): Falsos positivos sobre soma de falsos positivos e negativos verdadeiros
- "Quantos % dos negativos enganaram o classificador?"
- Quanto maior o recall, melhor!
- Quanto menor a FPR, melhor!





Um segundo olhar

- A curva ROC: falando de forma mais precisa do que falei na aula. Indo além da "área sob o quadrado". Ela pode ser uma métrica mais robusta!
- Deixe o seu classificador o menos rígido possível. Colete suas métricas.
- Vá deixando ele cada vez mais rígido, e vá jogando as métricas no gráfico
- Ao final, a curva ROC!
- O melhor modelo é o com a maior área sob a curva





Classificação Multilabel

Métricas



- Perda de Hamming Quantas labels erradas?
- Perda 0-1 Ou todas as labels dos elementos certas ou nada feito!



Agrupamento

Homogeneidade e Completude



- Homogeneidade: meus agrupamentos são homogêneos?
- Completude: minha classe está em um só agrupamento?

- Acho ela uma das métricas mais difíceis.
- Ela é bem matemática.
- Fácil de fazer confusão.

Homogeneidade e Completude



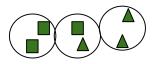
Entropia: Dado que x = (Ocorrências no agrupamento/Total de pontos no agrupamento), calcule:

Homogeneidade:
$$1 - \frac{\text{Entropia das classes nos agrupamentos}}{\text{Entropia das classes}} \qquad 1 - \frac{H(C|K)}{H(C)}$$

Completude:
$$1 - \frac{\text{Entropia dos agrupamentos nas classes}}{\text{Entropia dos agrupamentos}}$$
 $1 - \frac{H(K|C)}{H(K)}$

Homogeneidade e Completude





Homogeneidade:

$$H(C|K) = ((2/6)*log(2/2) + (1/6)*log(1/2) + 0) + ((0 + (1/6)*log(2/2)) + (2/6)*log(2/2))$$

$$H(C) = ((3/6)*log(3/6))*2$$

$$1 - H(C|K)/H(C) = +-0.66$$

Completude:







$$H(K|C) = ((2/6)*log(2/3) + 0) + ((1/6)*log(1/3) + (1/6)*log(1/3)) + ((2/6)*log(2/3) + 0)$$

$$H(K) = ((3/6)*log(3/6))*3$$

$$1 - H(C|K)/H(C) = +-0.41$$

K-Médias



- K centros.
- Cada ponto é designado para o seu centro mais próximo.
- Centro se move para o centroide dos seus pontos.
- Repita até convergir.

K-Médias – Animação





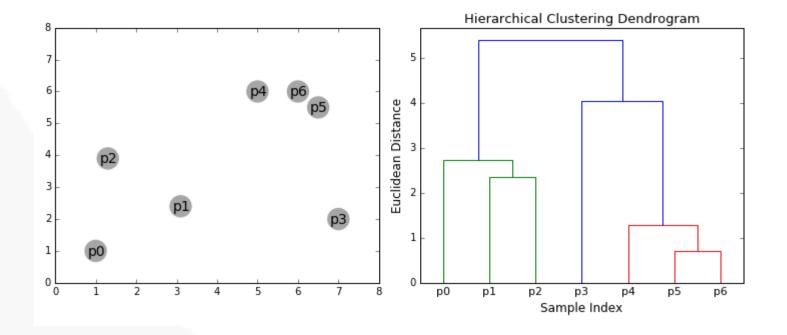
K-Médias



- Escolha um número de clusters que você quer obter.
 (Experimente!)
- Busque o cluster mais próximo do cluster atual.
 Funda ambos em um único cluster.
- Repita até atingir o número de clusters desejado.
- Conectividade: pontos só podem formar clusters com seus vizinhos mais próximos.

Agrupamento Hierárquico - Animação







Na prática!

Calculando as métricas



Usarei os exemplos do Scikit-Learn.

Via de regra, para calcular as métricas, você deve ter duas matrizes de igual dimensão: a das classes previstas e a das classes obtidas!

Erros médios quadráticos e Coeficiente de Determinação



```
>>> from sklearn.metrics import mean squared error
\Rightarrow>> y true = [3, -0.5, 2, 7]
>>> y pred = [2.5, 0.0, 2, 8]
>>> mean_squared_error(y_true, y_pred)
0.375
>>> y_true = [[0.5, 1], [-1, 1], [7, -6]]
>>> y_pred = [[0, 2], [-1, 2], [8, -5]]
>>> mean squared error(y true, y pred)
0.7083...
>>> from sklearn.metrics import r2_score
\Rightarrow>> y true = [3, -0.5, 2, 7]
>>> y_pred = [2.5, 0.0, 2, 8]
>>> r2 score(y true, y pred)
0.948...
```

Acurácia e Recall



```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.metrics import accuracy_score
>>> y_pred = [0, 2, 1, 3]
>>> y_true = [0, 1, 2, 3]
>>> accuracy_score(y_true, y_pred)
0.5
>>> from sklearn.metrics import recall score
>>> y true = [0, 1, 2, 0, 1, 2]
>>> y_pred = [0, 2, 1, 0, 0, 1]
>>> recall_score(y_true, y_pred, average='macro')
0.33...
>>> recall_score(y_true, y_pred, average='micro')
0.33...
>>> recall score(y true, y pred, average='weighted')
0.33...
>>> recall_score(y_true, y_pred, average=None)
array([ 1., 0., 0.])
```

average = None

retorna o recall de cada classe. Caso contrário, retorna diferentes tipos de médias do recall.

Precisão



 average = None retorna a precisão de cada classe. Caso contrário, retorna diferentes tipos de médias da precisão.

F1 Score



```
>>> from sklearn.metrics import f1_score
>>> y_true = [0, 1, 2, 0, 1, 2]
>>> y_pred = [0, 2, 1, 0, 0, 1]
>>> f1_score(y_true, y_pred, average='macro')
0.26...
>>> f1_score(y_true, y_pred, average='micro')
0.33...
>>> f1_score(y_true, y_pred, average='weighted')
0.26...
>>> f1_score(y_true, y_pred, average=None)
array([ 0.8,  0. ,  0. ])
```

Matriz de Confusão e Área sob a curva ROC



```
>>> import numpy as np
>>> from sklearn.metrics import roc_auc_score
>>> y_true = np.array([0, 0, 1, 1])
>>> y_scores = np.array([0.1, 0.4, 0.35, 0.8])
>>> roc_auc_score(y_true, y_scores)
0.75
```

Perda de Hamming e Perda 0-1



```
>>> zero_one_loss(np.array([[0, 1], [1, 1]]), np.ones((2, 2)))
0.5
```

• Quantos objetos continham labels erradas?

```
>>> hamming_loss(np.array([[0, 1], [1, 1]]), np.zeros((2, 2)))
0.75
```

• Quantas labels foram classificadas incorretamente?

Homogeneidade, Completude e Métrica-V



```
>>> from sklearn.metrics.cluster import completeness_score
>>> completeness_score([0, 0, 1, 1], [1, 1, 0, 0])
1.0
>>> from sklearn.metrics.cluster import homogeneity score
>>> homogeneity_score([0, 0, 1, 1], [1, 1, 0, 0])
1.0
>>> print("%.6f" % v_measure_score([0, 0, 1, 1], [0, 0, 1, 2]))
. . .
0.8...
>>> print("%.6f" % v_measure_score([0, 0, 1, 1], [0, 1, 2, 3]))
0.66...
```





```
from sklearn.ensemble import RandomForestClassifier
X = cancer.data # (m,n) numpy array
y = cancer.target # (m,) numpy array

# Create an instance of the classifier we want to use clf = RandomForestClassifier()

clf.fit(X,y)
preds = clf.predict(X)

print(preds[:5,]) # Predicted classes
print(y[:5,]) # Actual classes
```

Fontes e referências



- Acessos em 16/05/2018
- https://deparkes.co.uk/2018/02/02/scikit-learn-simpleclassification/
- Documentação do scikit learn
- https://dashee87.github.io/data%20science/general/Cl ustering-with-Scikit-with-GIFs/
- http://shabal.in/visuals.html