

CIBERSORTx Output Display

Input Sample	B cells		Plasma cells	T cells CD8		T cells CD4 memory resting		T cells CD4 memory activated		T cells follicular helper		T cells regulatory (Tregs)		T cells gamma delta		NK cells resting		NK cells activated		Monocytes M0		Macrophages M1		Macrophages M2		Dendritic cells resting		Dendritic cells activated		Mast cells resting		Mast cells activated		Eosinophils		Neutrophils		P-value		Correlation		RMSE	
	naive	memory		naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory	naive	memory
TCGA-DX-A3J6-01A-11R-A298-07	0.116	0	0	0.021	0.219	0.209	0.032	0.008	0.008	0.004	0	0.05	0	0	0	0.035	0.011	0.069	0.008	0.008	0.087	0.204	0.004	0	0	0.055	0.029	0.007	0.007	0	0	0	0	0	0	0.000	0.481	0.877					
TCGA-WV-A3M6-01A-11R-A217-07	0.094	0	0	0	0.066	0	0.221	0	0.004	0	0	0	0	0	0	0.035	0	0.021	0.069	0.029	0.005	0	0	0	0	0	0.055	0.029	0.007	0.007	0	0	0	0	0	0.180	0.086	1.057					
TCGA-DX-A232-01A-11R-A217-07	0.103	0	0	0	0.063	0.08	0.089	0.055	0.008	0	0	0	0	0	0	0.06	0	0.063	0.181	0.013	0.19	0	0	0	0	0	0.04	0.047	0	0.003	0	0	0	0	0	0.020	0.222	0.991					
TCGA-3B-AH91-01A-11R-A390-07	0.038	0	0	0	0.025	0	0.224	0.007	0.007	0.017	0	0	0	0	0	0.031	0.008	0.01	0.022	0.03	0.005	0	0	0	0	0	0	0.04	0.047	0	0.001	0	0	0	0	0	0.000	0.505	0.865				
TCGA-DX-A3J6-01A-11R-A30C-07	0.058	0	0	0	0.02	0	0.184	0.022	0.048	0	0	0	0	0	0	0.054	0	0.131	0	0.016	0.004	0.185	0	0	0	0.03	0.014	0.058	0	0.012	0	0	0	0	0	0.000	0.351	0.937					
TCGA-HS-A3M9-01A-11R-A267-07	0.031	0	0.001	0.039	0	0.163	0.033	0.012	0	0	0	0	0	0	0	0.05	0	0	0	0.044	0.185	0	0	0	0	0	0	0	0.03	0	0	0.008	0	0	0	0	0.000	0.523	0.852				
TCGA-DX-A68F-01A-11R-A30C-07	0.063	0	0	0	0.042	0	0.186	0	0.002	0.014	0	0	0	0	0	0.011	0.044	0.118	0	0.038	0.053	0	0	0	0	0	0.01	0.013	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.607	0.807					
TCGA-K1-A6RT-01A-32R-A33-07	0.213	0.044	0	0	0.117	0	0.226	0	0.014	0.044	0	0	0	0	0	0.008	0.013	0.061	0.048	0.058	0.129	0	0	0	0	0	0	0.025	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.793	0.698					
TCGA-DX-A48U-01A-11R-A30C-07	0.075	0	0	0	0.039	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0.015	0.016	0.034	0.014	0.02	0.297	0	0	0	0	0	0.002	0.196	0	0	0	0	0	0	0.010	0.308	0.956						
TCGA-HB-A5W3-01A-11R-A29R-07	0.056	0	0	0	0.028	0	0.133	0.001	0	0	0	0	0	0	0	0.026	0.005	0.047	0.033	0.036	0.113	0.003	0.002	0.158	0	0	0	0.002	0.158	0	0	0	0	0	0	0.000	0.521	0.862					
TCGA-3B-AH95-01A-11R-A390-07	0.079	0	0	0	0.196	0	0.206	0	0.037	0.032	0	0	0	0	0	0.017	0.05	0.046	0.052	0.276	0	0	0.008	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.775	0.712					
TCGA-DX-A88G-01A-12R-A411-07	0.051	0	0.007	0.223	0	0.154	0.01	0.033	0.044	0	0	0.022	0	0	0	0.079	0.038	0.13	0.203	0	0	0	0	0	0	0	0	0.007	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.563	0.833					
TCGA-K1-A3PO-01A-11R-A217-07	0.147	0	0.012	0.051	0	0.104	0	0	0	0	0	0	0	0	0.026	0.055	0.037	0	0.012	0.231	0	0	0.002	0.111	0	0	0.002	0.111	0	0	0	0	0	0	0.000	0.610	0.815						
TCGA-MD-A47P-01A-11R-A24X-07	0.07	0	0	0.033	0	0.193	0	0.005	0.02	0	0	0.143	0	0	0	0.042	0	0.034	0.042	0.034	0.003	0.008	0.039	0	0	0	0.008	0.039	0	0	0	0	0	0	0.020	0.229	0.992						
TCGA-DX-A83A-01A-11R-A431-07	0.095	0	0	0	0.05	0	0.178	0.002	0.015	0.007	0	0.073	0	0	0	0.075	0	0.038	0.203	0	0.038	0.203	0	0.008	0.025	0	0	0.008	0.025	0	0	0	0	0	0	0.000	0.442	0.896					
TCGA-3B-A8YX-01A-11R-A37L-07	0.03	0	0	0.054	0	0.215	0.002	0.011	0.018	0	0	0.043	0	0	0	0.024	0	0.034	0.034	0.034	0	0	0.018	0.012	0	0	0.018	0.012	0	0	0	0	0.001	0.000	0.591	0.816							
TCGA-PT-A8TR-01A-11R-A37L-07	0.123	0	0	0	0.009	0	0.141	0	0.022	0.016	0	0.102	0	0	0	0.085	0	0.018	0.018	0.018	0	0	0.032	0	0	0.032	0	0.038	0.005	0	0	0	0	0.140	0.112	1.039							
TCGA-3B-AH9H-01A-11R-A38C-07	0.087	0	0	0	0.071	0	0.121	0.021	0.017	0.021	0	0.048	0	0	0	0.027	0.131	0.06	0.007	0	0	0.065	0	0	0	0.065	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.809	0.708							
TCGA-DX-A88D-01A-11R-A411-07	0.018	0.008	0	0	0.041	0	0.158	0.01	0.021	0.032	0	0.024	0.005	0.014	0.033	0.036	0.005	0	0	0	0.062	0.076	0	0	0	0.062	0.076	0	0	0	0	0.002	0.000	0.407	0.913								
TCGA-3B-AH9D-01A-11R-A390-07	0.023	0	0	0	0.088	0	0.239	0	0.012	0.021	0	0.005	0.023	0.075	0	0.042	0.005	0	0	0.042	0.005	0	0	0	0	0	0	0.137	0	0	0	0	0	0	0.000	0.753	0.742						
TCGA-DX-A1XW-01A-22R-A24X-07	0.036	0	0	0	0.029	0	0.128	0	0	0	0	0.029	0.015	0.129	0	0	0.018	0.007	0	0.01	0.029	0	0	0	0	0.01	0.029	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.394	0.923						
TCGA-DX-A3J8-01A-11R-A29R-07	0.039	0	0	0	0.049	0	0.193	0.005	0.004	0.022	0	0	0	0	0	0.03	0	0.11	0	0.045	0.004	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0	0.004	0.000	0.473	0.881							
TCGA-WK-A8YX-01A-11R-A37L-07	0.15	0	0.005	0.024	0	0.23	0.005	0.002	0	0	0	0	0	0	0.116	0	0.097	0	0.008	0.008	0.008	0	0.008	0.04	0	0	0.008	0.04	0	0	0.001	0.006	0.020	0.236	0.986								
TCGA-FX-A3JH-01A-11R-A217-07	0.122	0	0.003	0.035	0	0.225	0	0	0.006	0	0	0	0	0	0	0.036	0.082	0.009	0.037	0.177	0	0	0	0	0	0	0	0.27	0	0	0	0	0	0	0.000	0.473	0.883						
TCGA-SI-A71J-01A-12R-A33-07	0.158	0	0	0	0	0.235	0	0	0.013	0.018	0	0	0	0	0.043	0.022	0.205	0.016	0.026	0	0.026	0	0	0	0	0.019	0.045	0	0	0	0	0	0	0.000	0.373	0.929							
TCGA-DX-A7EM-01A-11R-A36F-07	0.09	0	0.008	0.05	0	0.104	0	0.003	0.007	0	0	0.01	0.019	0.081	0.015	0.047	0.011	0	0	0.047	0.011	0	0	0.125	0	0	0.125	0	0	0	0	0	0	0.000	0.626	0.811							
TCGA-MB-A8YB-01A-11R-A36F-07	0.039	0	0	0	0.081	0	0.16	0	0.017	0.04	0	0.005	0.04	0.015	0.103	0.048	0.022	0	0	0.022	0	0	0.229	0	0	0	0.229	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.579	0.832						
TCGA-FX-A7YX-01A-11R-A355-07	0.049	0	0	0	0.048	0	0.234	0	0.023	0.021	0	0.028	0.041	0.027	0.067	0.029	0.224	0	0.029	0.224	0	0.007																					

Input Sample	B cells naive	B cells memory	Plasma cells	T cells CD8 naive	T cells CD4 naive	T cells CD4 memory resting	T cells CD4 memory activated	T cells follicular helper	T cells regulatory (Tregs)	T cells gamma delta	NK cells resting	NK cells activated	Monocytes	Macrophages M0	Macrophages M1	Macrophages M2	Dendritic cells resting	Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Correlation	RMSE	
TCGA-MB-A8JL-01A-11R-A39F-07	0.109	0	0.01	0.014	0	0.22	0.019	0.005	0.007	0	0.04	0	0.025	0.2	0.011	0.012	0	0.001	0.025	0	0	0	0.000	0.514	0.861	
TCGA-DX-A8Z5-01A-11R-A39D-07	0.141	0	0.025	0.092	0	0.242	0.02	0	0.058	0	0.008	0	0.036	0.086	0.078	0.189	0	0.002	0.023	0	0	0	0.000	0.622	0.808	
TCGA-DX-A8ZJ-01A-11R-A38C-07	0.062	0	0	0	0.243	0	0	0	0.002	0	0.043	0.029	0.127	0	0.008	0.008	0.008	0.115	0	0	0	0	0.020	0.221	0.991	
TCGA-DX-A23U-01A-11R-A26T-07	0.047	0	0	0	0.23	0	0	0	0.006	0.027	0	0.008	0	0.21	0.043	0.013	0	0	0	0.007	0	0	0.000	0.704	0.741	
TCGA-DX-A2Q0-01A-11R-A21T-07	0.262	0	0.038	0.057	0	0.203	0.009	0.006	0.005	0	0	0.032	0.029	0	0.017	0.244	0	0.003	0.094	0	0	0.001	0.000	0.529	0.853	
TCGA-SI-A71D-06A-11R-A38C-07	0.071	0	0.011	0.201	0	0.252	0.02	0	0.009	0	0.017	0.015	0.032	0.046	0.063	0.219	0	0	0.035	0.01	0	0	0.000	0.563	0.835	
TCGA-MJ-A68J-01A-11R-A30C-07	0.041	0	0	0.032	0	0.139	0.004	0.006	0.037	0	0	0.031	0.029	0	0.014	0.001	0.048	0.029	0.246	0	0	0	0.000	0.657	0.794	
TCGA-DX-A68H-01A-11R-A30C-07	0.05	0	0	0.008	0	0.219	0.011	0	0.005	0	0.028	0	0.009	0.187	0.052	0.257	0	0	0.119	0	0	0	0.000	0.678	0.779	
TCGA-DX-A3L1-01A-11R-A24X-07	0.135	0	0.003	0.08	0	0.195	0.039	0	0.017	0	0.011	0	0.025	0	0.11	0.001	0	0	0.077	0	0	0.008	0.000	0.516	0.863	
TCGA-ZA-A4PP-01A-11R-A39D-07	0.047	0	0	0.016	0	0.242	0	0	0	0	0.045	0.034	0.033	0	0	0.001	0	0.008	0.029	0	0	0.002	0.000	0.632	0.793	
TCGA-DX-A8ZM-01A-11R-A39D-07	0.122	0	0	0.049	0	0.102	0.007	0.025	0.031	0	0	0.031	0.035	0.208	0.056	0.229	0	0	0.046	0	0	0	0.010	0.305	0.962	
TCGA-3B-A9H0-01A-11R-A38C-07	0.039	0	0	0.207	0	0.151	0	0.04	0.062	0	0.007	0.015	0.094	0	0.069	0.018	0	0	0	0	0	0	0.000	0.710	0.751	
TCGA-DX-A3UD-01A-11R-A30C-07	0.043	0	0.006	0.057	0	0.244	0	0	0.03	0	0.014	0.013	0.044	0.002	0.047	0.001	0.032	0	0.099	0	0	0	0.000	0.511	0.866	
TCGA-PC-A5DL-01A-11R-A26T-07	0.064	0	0.004	0.034	0	0.250	0	0	0	0	0.042	0	0.092	0.014	0.063	0.166	0	0	0.165	0	0	0	0.000	0.592	0.827	
TCGA-MB-A5Y4-01A-11R-A298-07	0.054	0.003	0	0.014	0	0.214	0	0	0.011	0	0.019	0.027	0.115	0	0.03	0.283	0	0	0.016	0.215	0	0	0	0.000	0.522	0.862
TCGA-WK-A8X5-01A-11R-A37L-07	0.057	0	0	0.017	0	0.211	0.011	0.019	0	0	0.055	0	0.061	0.041	0.041	0.008	0	0.039	0.028	0.009	0.003	0	0.010	0.306	0.957	
TCGA-DX-A8ZQ-01A-11R-A39D-07	0.049	0	0.004	0.017	0	0.231	0.026	0.002	0.017	0	0.046	0	0	0.216	0.059	0.011	0	0	0.012	0.001	0	0.01	0.000	0.632	0.795	
TCGA-DX-A88X-01A-11R-A37L-07	0.02	0	0	0	0.042	0	0	0.002	0	0	0.016	0.006	0.169	0	0.023	0.001	0	0	0.016	0.015	0	0	0.000	0.677	0.745	
TCGA-K1-A4ZK-01A-11R-A24X-07	0.088	0	0.006	0.053	0	0.286	0.001	0.024	0	0	0.023	0.012	0.041	0.008	0.006	0.218	0	0.015	0.24	0	0	0	0.020	0.238	0.985	
TCGA-DX-A68A-01A-11R-A30C-07	0.054	0	0	0	0	0.206	0	0	0.001	0	0.036	0	0.001	0.001	0.015	0.005	0	0.015	0.071	0	0	0	0.000	0.555	0.842	
TCGA-DX-A48N-01A-11R-A30C-07	0.068	0	0	0	0	0.211	0	0	0	0	0.063	0	0.102	0	0.021	0.001	0	0.059	0.051	0	0	0	0.000	0.352	0.938	
TCGA-DX-A68T-01A-11R-A30C-07	0.099	0	0	0	0	0.245	0.021	0.001	0.006	0.006	0.059	0	0.025	0	0.011	0.249	0.003	0.015	0.003	0	0.003	0.000	0.381	0.925		
TCGA-IE-A68Z-01A-11R-A30C-07	0.052	0	0	0.086	0	0.222	0.014	0.017	0.037	0	0.021	0.014	0.013	0.001	0.054	0	0	0	0.076	0	0	0	0.000	0.406	0.913	
TCGA-QQ-A6YU-01A-11R-A37L-07	0.141	0	0.021	0.194	0	0.152	0.005	0.047	0.05	0	0.045	0.01	0.032	0.098	0.06	0.143	0	0	0.002	0	0	0	0.000	0.668	0.775	
TCGA-DX-A6YU-01A-11R-A33J-07	0.043	0	0	0.181	0	0.183	0.009	0.008	0.015	0	0.004	0.002	0.063	0	0.077	0.001	0	0	0.007	0	0	0	0.000	0.733	0.738	
TCGA-MB-A5Y9-01A-11R-A298-07	0.052	0	0.025	0.109	0	0.189	0.021	0.005	0.028	0	0.023	0.017	0.037	0.029	0.02	0.001	0	0	0.042	0	0	0.004	0.000	0.423	0.905	
TCGA-DX-A23Y-01A-11R-A27Q-07	0.112	0	0.013	0.177	0	0.168	0.026	0.002	0.043	0	0.009	0	0.042	0.015	0.078	0.004	0	0	0.013	0	0	0	0.000	0.721	0.752	
TCGA-DX-A3L3-01A-11R-A24X-07	0.031	0	0	0.037	0	0.173	0	0.015	0.018	0	0.011	0.009	0.044	0	0.057	0.013	0	0	0.181	0	0	0	0.000	0.698	0.769	
TCGA-K1-A3PN-01A-11R-A37L-07	0.106	0	0.006	0.039	0.002	0.211	0.022	0	0	0	0.065	0	0.065	0	0.019	0.272	0.005	0.013	0.059	0	0.003	0	0.000	0.483	0.879	
TCGA-QQ-A8YD-01A-11R-A39D-07	0.09	0	0	0.017	0.003	0.144	0.012	0	0	0	0.082	0	0.024	0.146	0.007	0.018	0	0.012	0.144	0	0	0	0.000	0.479	0.880	
TCGA-DX-A839-01A-11R-A39D-07	0.079	0	0	0.038	0	0.193	0	0	0.041	0	0.043	0	0.025	0.211	0.041	0.245	0	0.01	0.075	0	0	0	0.000	0.399	0.917	
TCGA-DX-A88Z-01A-11R-A37L-07	0.005	0.009	0	0.005	0	0.063	0.006	0	0.001	0	0.037	0	0.007	0.271	0.001	0.048	0	0	0.046	0	0	0	0.000	0.826	0.617	
TCGA-DX-A23T-01A-11R-A26T-07	0.089	0	0.016	0.08	0	0.200	0.012	0	0.013	0	0.013	0	0.103	0	0.034	0.001	0.001	0	0.022	0	0	0.009	0.000	0.347	0.940	
TCGA-3B-A7MA-01A-11R-A355-07	0.029	0	0	0.02	0	0.208	0.001	0	0.031	0	0.047	0.003	0.155	0.051	0.028	0.001	0.012	0.003	0.059	0	0	0	0.000	0.521	0.860	
TCGA-3B-A9H2-01A-11R-A39D-07	0.045	0	0.003	0.067	0	0.210	0.003	0	0.001	0	0.011	0.012	0.069	0.012	0.037	0.001	0	0.007	0.13	0	0	0	0.000	0.672	0.788	
TCGA-3B-A9H9-01A-11R-A38C-07	0.036	0.031	0.016	0.029	0.012	0.236	0	0	0	0	0.024	0.007	0.015	0.083	0.008	0.001	0	0.015	0.183	0.015	0	0	0.000	0.340	0.942	
TCGA-ZA-A4PP-01A-11R-A39D-07	0.1	0	0	0.012	0	0.208	0	0.031	0.01	0	0.017	0.02	0.016	0.232	0.043	0.267	0	0	0.039	0.006	0	0	0.000	0.593	0.818	
TCGA-DX-A3U9-01A-11R-A30C-07	0.05	0	0	0.024	0	0.267	0	0	0.007	0	0.054	0.023	0.017	0.102	0.021	0.268	0	0	0.167	0	0	0	0.020	0.251	0.980	
TCGA-DX-A6YT-01A-11R-A355-07	0.032	0	0	0.03	0	0.138	0	0	0.026	0	0	0.032	0.053	0	0.052	0.001	0	0.024	0.023	0	0	0	0.000	0.544	0.841	
TCGA-FX-A8O0-01A-11R-A36F-07	0.104	0	0.039	0	0	0.226	0.011	0.017	0.005	0	0.069	0.012	0.054	0.086	0.011	0.006	0	0	0.008	0	0	0	0.010	0.259	0.980	
TCGA-DX-A3LY-01B-11R-A27Q-07	0.036	0	0	0.006	0	0.124	0	0	0	0	0.032	0.009	0.041	0	0.02	0.002	0	0	0.043	0	0	0.016	0.000	0.768	0.690	
TCGA-VT-A830-01A-11R-A41T-07	0.074	0	0.008	0.252	0	0.071	0	0.08	0.084	0.006	0	0.03	0.04	0.037	0.053	0.214	0	0	0	0.01	0	0	0.000	0.536	0.846	
TCGA-SI-A48B-01A-11R-A38C-07	0.007	0.004	0	0.005	0	0.134	0.012	0	0	0	0.025	0	0.02	0.230	0.02	0.001	0	0	0.056	0	0	0	0.000	0.717	0.725	
TCGA-WK-A8C4-01A-11R-A38F-07	0.008	0.008	0.001	0.02	0	0.239	0	0.024	0.024	0	0.041	0.02	0.081	0.01	0.015	0.002	0	0.024	0	0.035	0	0	0.000	0.452	0.892	
TCGA-DX-A7E1-01A-11R-A39D-07	0.202	0	0.007	0.064	0	0.210	0.002	0.012	0	0	0.097	0	0.023	0.038	0.043	0.15	0	0.001	0.019	0	0	0	0.000	0.388	0.923	
TCGA-DX-A7ET-01A-11R-A38F-07	0	0.02	0.006	0.246	0	0.108	0.032	0.028	0.084	0	0.017	0.017	0.038	0	0.072	0.001	0	0	0.023	0	0	0	0.000	0.535	0.848	
TCGA-3B-A9HT-01A-11R-A39D-07	0.093	0	0.025	0.106	0	0.215	0.02	0.027	0	0	0.036	0.009	0.04	0.059	0.065	0.283	0	0	0.017	0	0	0.005	0.000	0.539	0.851	
TCGA-3B-A9C3-01A-11R-A38F-07	0.018	0	0	0.099	0	0.15	0.001	0.027	0.01	0	0.001	0.008	0.111	0	0.048	0.001	0	0	0.028	0	0	0	0.000	0.696	0.759	
TCGA-DX-A8ZV-01A-11R-A41T-07	0.113	0	0.001	0.031	0	0.093	0.013	0	0.016	0	0.111	0	0.067	0	0.022	0.001	0.018	0.017	0.031	0	0	0	0.000	0.514	0.861	
TCGA-IE-A4EH-01A-11R-A24X-07	0.051	0	0	0.024	0	0.24	0	0.025	0.009	0	0.065	0.002	0.026	0.081	0.029	0.001	0	0.02	0.062	0	0					

Input Sample	B cells		Plasma cells	T cells CD8		T cells CD4		T cells CD4 T cells memory activated	T follicular helper	T cells regulatory (Tregs)		NK cells resting	NK cells activated	Monocytes	Macrophages		Macrophages		Macrophages		Dendritic cells		Dendritic cells activated	Mast cells resting	Mast cells activated	Eosinophils	Neutrophils	P-value	Correlation	RMSE
	naive	memory		naive	memory	naive	memory			M1	M2				M2	M2	resting	activated												
TCGA-HS-A5NA-01A-11R-A267-07	0.049	0	0	0.049	0	0.233	0.015	0.028	0.014	0	0.016	0	0.095	0.167	0.054	0.199	0	0	0.053	0	0.016	0	0	0.000	0.489	0.875				
TCGA-3B-A9HV-01A-11R-A39D-07	0.138	0	0.011	0.023	0	0.238	0.004	0.002	0.007	0	0.072	0	0.047	0.087	0.005	0.243	0	0.02	0.084	0.02	0	0	0	0.030	0.212	0.993				
TCGA-SI-A4BC-01A-11R-A38C-07	0.07	0	0	0.046	0	0.128	0.007	0	0.016	0	0.032	0	0.038	0.177	0.03	0.233	0	0.016	0.04	0	0	0	0	0.000	0.523	0.858				
TCGA-DX-A3LT-01A-12R-A21T-07	0.03	0	0	0.067	0	0.209	0.024	0	0.019	0	0.004	0	0.03	0.091	0.015	0.12	0	0	0.188	0	0	0.002	0.000	0.511	0.865					
TCGA-IF-A39C-01A-11R-A22K-07	0.02	0	0	0	0	0.128	0	0	0	0.001	0.011	0.042	0.01	0.087	0	0.024	0.048	0	0.026	0	0	0	0	0.000	0.557	0.832				
TCGA-X6-A7WD-01A-12R-A355-07	0.015	0.006	0	0.024	0	0.166	0	0	0	0	0.04	0	0.011	0.155	0.012	0.003	0	0.006	0.156	0.006	0	0	0	0.000	0.632	0.796				
TCGA-DX-A6Z2-01A-12R-A36F-07	0.04	0	0.003	0.094	0	0.232	0	0	0	0	0.008	0.01	0.112	0.014	0.037	0.224	0.011	0.015	0.107	0	0	0	0	0.000	0.752	0.744				
TCGA-3W-A3M5-01A-12R-A21T-07	0.094	0	0	0.019	0	0.108	0.002	0.006	0.015	0	0.013	0.005	0.03	0.008	0.004	0	0	0	0.042	0	0	0	0	0	0.000	0.697	0.742			
TCGA-X6-A8C3-01A-11R-A36F-07	0.013	0.004	0	0.014	0	0.112	0.033	0	0	0	0.028	0	0.022	0.001	0.011	0.003	0	0.005	0.047	0	0	0	0	0	0.000	0.718	0.722			
TCGA-FX-A4BG-01A-11R-A24X-07	0.055	0	0.003	0.131	0	0.133	0.004	0.026	0.062	0	0	0.077	0.043	0.006	0.016	0.006	0	0.105	0	0	0	0	0	0.000	0.458	0.889				
TCGA-DX-A3UC-01A-11R-A30C-07	0.106	0	0.012	0.029	0	0.25	0	0.019	0.017	0	0.032	0.014	0.084	0.033	0.018	0.28	0.006	0.007	0.094	0	0	0	0	0.000	0.571	0.840				
TCGA-DX-A48K-01A-11R-A30C-07	0.086	0	0	0.006	0	0.146	0	0.022	0.006	0	0.04	0.006	0.039	0.028	0.026	0.003	0	0.003	0.092	0	0	0	0	0.000	0.633	0.798				
TCGA-Z4-A8AB-01A-12R-A37L-07	0.12	0	0.004	0.034	0	0.217	0.007	0	0	0	0.009	0.008	0.014	0.062	0.037	0.26	0.003	0	0.225	0	0	0	0	0.000	0.548	0.849				
TCGA-X6-A8C5-01A-11R-A36F-07	0.086	0	0.005	0.085	0	0.248	0	0	0	0	0.025	0.024	0.139	0	0.03	0.262	0	0	0.097	0	0	0	0	0.000	0.669	0.791				
TCGA-HB-A3YV-01A-11R-A24X-07	0.134	0	0	0.073	0	0.202	0.008	0.04	0.028	0	0.053	0	0.086	0.053	0.029	0.277	0	0.011	0.005	0	0.003	0	0	0.000	0.330	0.947				
TCGA-QQ-A5V2-01A-11R-A32Q-07	0.058	0	0.001	0.047	0	0.116	0.001	0.013	0.012	0	0.032	0.002	0.078	0.206	0.001	0.006	0	0	0.027	0	0	0	0	0	0.000	0.596	0.811			
TCGA-K1-A6R1-01A-11R-A32Q-07	0.066	0	0.003	0.047	0	0.136	0	0.004	0.011	0	0.019	0.02	0.082	0	0.039	0.003	0	0	0.09	0	0	0	0	0.000	0.661	0.785				
TCGA-DX-A8ZG-01A-11R-A39D-07	0.054	0	0.002	0.044	0	0.168	0.002	0	0.021	0	0.017	0.004	0.104	0	0.048	0.006	0	0	0.034	0	0	0	0.006	0.000	0.646	0.789				
TCGA-X9-A973-01A-11R-A38C-07	0.094	0	0	0.027	0	0.168	0.001	0	0	0	0.012	0.005	0.203	0.043	0.012	0.003	0	0	0.027	0	0.003	0.004	0.000	0.530	0.852					
TCGA-DX-A48F-01A-11R-A32Q-07	0.049	0	0.005	0.066	0	0.202	0.005	0.007	0	0	0.014	0.015	0.055	0	0.055	0.003	0.003	0	0.192	0	0	0	0	0.000	0.520	0.862				
TCGA-DX-A8BH-01A-11R-A37L-07	0.04	0	0.006	0.197	0	0.173	0.019	0.012	0.028	0	0	0.029	0.072	0.001	0.058	0.006	0	0.007	0.051	0	0	0	0	0.000	0.601	0.818				
TCGA-DX-A8BH-01A-11R-A37L-07	0.143	0	0.011	0.075	0	0.218	0.026	0.018	0	0	0.062	0	0.016	0.119	0.02	0.255	0	0.011	0.025	0	0	0	0	0.000	0.473	0.882				
TCGA-SI-A71P-01A-12R-A33J-07	0.098	0	0	0.04	0	0.146	0.006	0	0	0	0.032	0	0.225	0	0.034	0.006	0	0.004	0.005	0	0.002	0	0	0.000	0.626	0.802				
TCGA-DX-A22R-01A-11R-A26T-07	0.161	0	0.005	0.032	0	0.185	0.031	0.021	0.004	0	0.024	0.005	0.04	0.055	0.047	0.006	0	0.007	0.079	0	0	0	0	0.000	0.335	0.943				
TCGA-DX-A1KZ-01A-11R-A24X-07	0.023	0	0	0.046	0	0.183	0.001	0	0	0	0.038	0	0.069	0	0.007	0.001	0	0	0.086	0	0	0	0	0.000	0.638	0.791				
TCGA-FX-A37O-01A-11R-A22K-07	0.038	0	0.01	0.029	0	0.175	0.006	0.004	0.006	0	0.038	0.005	0.049	0.025	0.016	0.013	0	0.054	0.025	0	0	0.007	0.000	0.531	0.851					
TCGA-SG-A849-01A-11R-A355-07	0.047	0	0.005	0.187	0	0.162	0.011	0.052	0.041	0	0.003	0.016	0.07	0	0.09	0.284	0.012	0	0.022	0	0	0	0	0.000	0.728	0.745				
TCGA-3B-A9H-01A-11R-A38C-07	0.025	0	0	0.015	0	0.242	0	0	0	0	0.056	0	0.037	0	0.037	0.016	0.041	0	0.026	0	0	0.041	0.001	0.000	0.543	0.844				
TCGA-SG-A6Z4-01A-12R-A33J-07	0.025	0.004	0	0	0	0.144	0.016	0.01	0.008	0	0.061	0	0.01	0.207	0.023	0.003	0	0	0.054	0	0	0	0.002	0.000	0.665	0.769				
TCGA-DX-A7EU-01A-12R-A36F-07	0.045	0	0.003	0.061	0	0.137	0.001	0.003	0.006	0	0.027	0	0.087	0	0.05	0.11	0	0.004	0.047	0	0	0	0	0.000	0.670	0.773				
TCGA-HB-A3LA-01A-11R-A21T-07	0.047	0	0.004	0.011	0	0.134	0.007	0.011	0.015	0	0.064	0	0.026	0.208	0.014	0.003	0	0	0.031	0	0	0	0	0.000	0.671	0.766				
TCGA-IE-A4EJ-01A-11R-A24X-07	0.11	0	0.009	0.072	0	0.219	0.037	0.006	0.022	0	0.054	0	0.048	0	0.072	0.016	0	0.003	0.029	0	0	0	0	0.000	0.391	0.920				
TCGA-QQ-A5V2-01A-12R-A32Q-07	0.034	0.016	0	0.044	0	0.139	0.002	0.006	0.039	0	0	0.035	0.047	0.006	0.03	0.2	0.015	0	0.109	0	0	0	0	0.000	0.840	0.673				
TCGA-DX-A8BJ-01A-11R-A41J-07	0.02	0.009	0	0.017	0	0.22	0.034	0.006	0.004	0	0.036	0	0	0.001	0.019	0.003	0	0.003	0.015	0	0	0	0	0.000	0.725	0.728				
TCGA-DX-A8BL-01A-11R-A41J-07	0.085	0	0.048	0.114	0	0.237	0	0.031	0.062	0	0.009	0.026	0.045	0.036	0.077	0.193	0	0	0.036	0	0	0	0.010	0.259	0.979					
TCGA-DX-A1KY-01A-11R-A24X-07	0.207	0	0	0	0	0.17	0.014	0.013	0	0	0.056	0	0.067	0	0.014	0.006	0	0.018	0.048	0	0	0.005	0.020	0.239	0.986					
TCGA-KD-A5Q0-01A-11R-A27Q-07	0.032	0	0.002	0.091	0	0.211	0.008	0.011	0.004	0	0.019	0.002	0.05	0.179	0.051	0.006	0.001	0	0.089	0	0.001	0	0	0.000	0.599	0.818				
TCGA-PC-A5DK-01A-11R-A27Q-07	0.135	0	0.007	0.118	0	0.189	0	0.004	0.012	0	0	0.039	0.057	0.005	0.037	0.111	0.002	0	0.18	0	0	0	0	0.000	0.608	0.813				
TCGA-DX-A1KX-01A-12R-A24X-07	0.128	0	0.001	0.029	0	0.219	0.002	0	0.01	0	0.029	0.005	0.037	0.102	0.048	0.003	0	0.004	0.045	0	0	0.002	0.000	0.663	0.788					
TCGA-MJ-A6BH-01A-11R-A30C-07	0.049	0	0	0	0	0.289	0.018	0.006	0.016	0	0.053	0	0.052	0.006	0.046	0.001	0.016	0.01	0.058	0	0	0	0	0.000	0.411	0.911				
TCGA-PC-A5DN-01A-12R-A27Q-07	0.101	0	0	0.019	0	0.264	0.003	0	0	0	0.034	0	0.049	0.184	0.035	0.283	0	0	0	0.025	0.001	0	0	0.000	0.396	0.918				
TCGA-DX-A83B-01A-11R-A41J-07	0.166	0	0.038	0.04	0	0.261	0	0.028	0.006	0	0	0.031	0	0.159	0.013	0.143	0	0	0.118	0	0	0	0	0.000	0.345	0.941				
TCGA-DX-A1LL-01A-12R-A26T-07	0.028	0	0	0.009	0	0.139	0.001	0	0.006	0	0.005	0.006	0.252	0.139	0.005	0.001	0	0.015	0.008											